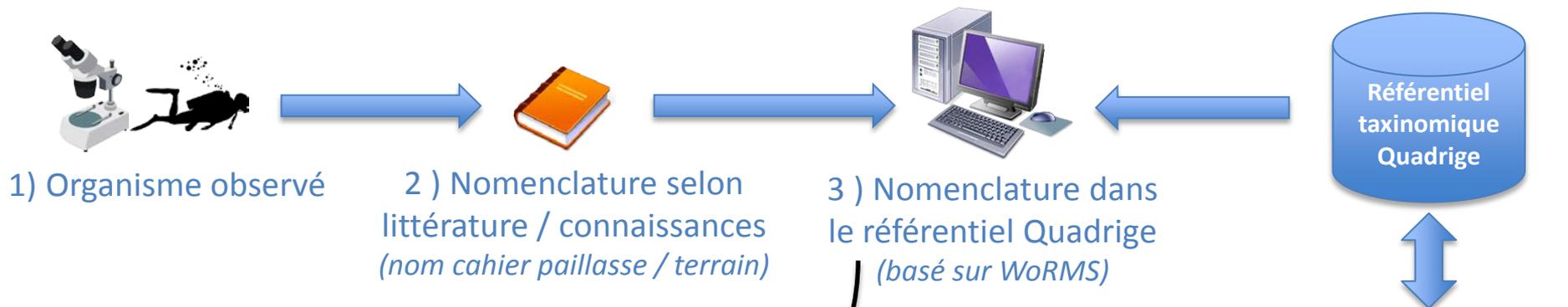


# Le taxon « saisi » : c'est quoi ?



Le **taxon identifié** est sauvegardé  
(ne change pas dans le temps).

Le taxon référent évolue avec les mises à jour de référentiel.

Lieu	Date	Préleveur	...	Taxon saisi	Taxon référent	PSFMU	Valeur	...
				<input checked="" type="checkbox"/> Taxon 1 (référent)	<input checked="" type="checkbox"/> Taxon 1 (référent)			
				<input type="checkbox"/> Taxon 2 (synonyme)	<input checked="" type="checkbox"/> Taxon 1 (référent)			

Possibilité de saisir sur un synonyme

# Quand et comment sont remplis ces champs?

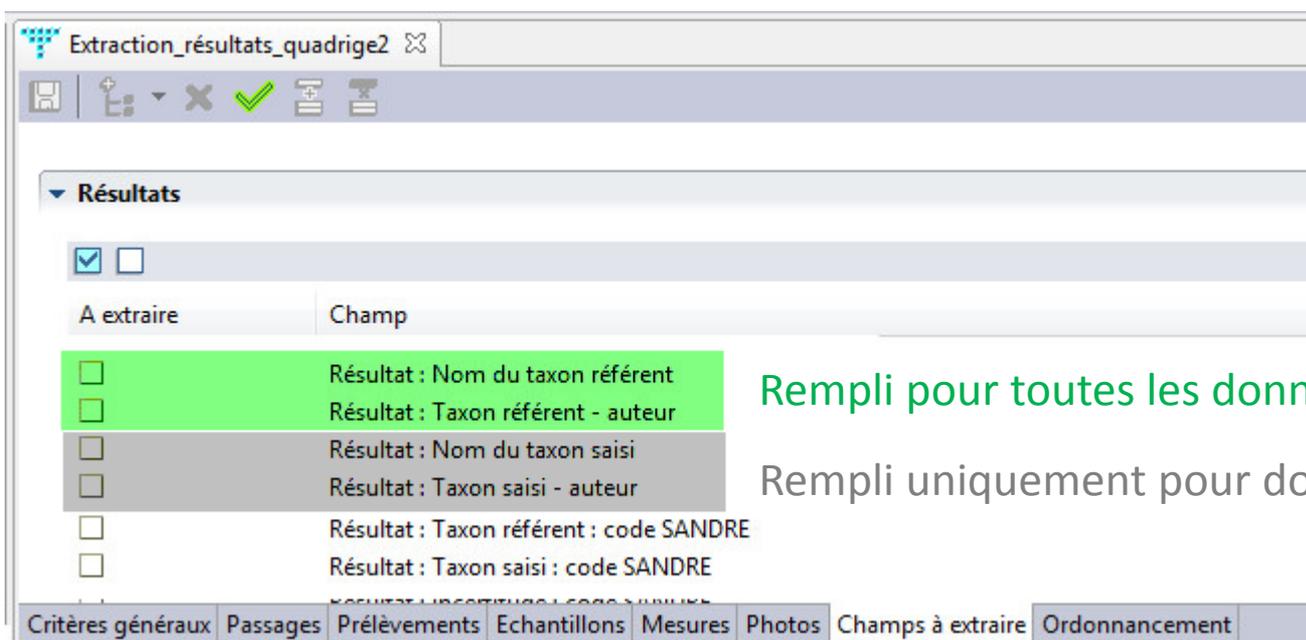
Remplissage du champ « Taxon saisi » mis en place progressivement dans les différents outils :

Outil de saisie	2016	2017	2018	2019
BD Récif	Ajout « Taxon saisi » dans le modèle Quadrige			
Quadrilabo		Nov. 2017		
Intégration taxons			Sept. 2018	
Quadrige <sup>2</sup>				Oct. 2019

- Champ « Taxon saisi » non rempli sur les données « historiques » (selon l'outil de saisie utilisé)
- Champ « Taxon référent » toujours rempli

# Extraire l'info depuis Quadrigé<sup>2</sup>

Ajout de nouveaux champs à extraire :



A extraire	Champ
<input checked="" type="checkbox"/>	Résultat : Nom du taxon référent
<input checked="" type="checkbox"/>	Résultat : Taxon référent - auteur
<input type="checkbox"/>	Résultat : Nom du taxon saisi
<input type="checkbox"/>	Résultat : Taxon saisi - auteur
<input type="checkbox"/>	Résultat : Taxon référent : code SANDRE
<input type="checkbox"/>	Résultat : Taxon saisi : code SANDRE

Rempli pour toutes les données

Rempli uniquement pour données récentes

⚠ Attention ! Le nom du champ dans l'extraction a changé :  
 « Résultat : Nom du taxon » → « Résultat : Nom du taxon référent »

Résultat : Nom du taxon

Résultat : Nom du taxon référent