

Quadrigé² - Manuel de saisie pour les programmes REPHY, REPHY-ETUDES et REPHYTOX

Document de prescription. Version 3-1.





Historique des révisions :

Création (V1) 30 décembre 2003 'QUADRIGE , saisie des données REPHY'
 révision a (V2) décembre 2008 'Quadriges² : consignes de saisie REPHY '
 révision b (V3) août 2013 'Quadriges² : manuel de saisie REPHY et REPHYTOX'
 Version 3.1 septembre 2017 : révisions concernant les modalités d'intégration des fichiers de mesure, précisions sur les instructions de saisie des données.

Liste de diffusion interne contrôlée

(Le document est transmis aux intéressés avec un accusé de réception)

Tous responsables des Laboratoires Environnement et Ressources Aquacoles (LERs)

Tous responsables Qualité des LERs

Tous correspondants REPHY - REPHYTOX des LERs

Responsable de l'Unité Littorale

Responsable Qualité des réseaux de surveillance

Liste de diffusion interne non contrôlée

Mis à disposition sur intranet cellule Q² :

http://www.ifremer.fr/quadriges2_support/Mon-support-Quadriges/Je-consulte-les-manuels/Consignes-thematiques-aux-utilisateurs/REPHY

Liste de diffusion externe non contrôlée

Tous saisisseurs externes sur les programmes REPHY, REPHY-ETUDES et/ou REPHYTOX

<p>rédigé par : Nadine Neaud-Masson VIGIES Coordination REPHY Date 15/09/2017</p> <p>Original signé</p>	<p>approuvé par : Dominique Soudant VIGIES Responsable Date 18/09/2017</p> <p>Original signé</p>
---	--

Relecteurs : Catherine Belin, Lucie Bizzozero, Anne Daniel

Date de mise en application : Octobre 2017



SOMMAIRE

1	INTRODUCTION	4
2	OBJET ET DOMAINE D'APPLICATION	4
3	REFERENTIELS	5
3.1	LIEUX REPHY - REPHYTOX : DEMANDES DE CREATION / RATTACHEMENT / MODIFICATION LIEU.....	5
3.1.1	Création	5
3.1.2	Rattachement d'un lieu à rephy, rephy-etudes et/ou rephytox	6
3.1.3	Modification d'un lieu.....	7
3.2	PSFM	7
3.3	STRATEGIES.....	9
3.4	REFERENTIEL DES TAXONS.....	13
3.4.1	Phytoplancton	14
3.4.2	Coquillages	16
4	SAISIE	17
4.1	CONTEXTES DE SAISIE	20
4.2	REGLES DE CONTROLE	20
4.3	PASSAGE	21
4.3.1	Passage / onglet général.....	21
4.3.2	Passage / onglet observations de terrain.....	23
4.3.3	Passage / onglet événements	24
4.3.4	Passage / onglet photos.....	25
4.3.5	Passage / onglet résultats de mesures.....	26
4.3.6	Passage / onglet dénombrements.....	26
4.3.7	Passage / onglet fichiers de mesures	26
4.4	PRELEVEMENT	26
4.4.1	Prélèvement / onglet général.....	27
4.4.2	Prélèvement / onglet photos.....	28
4.4.3	Prélèvement / onglet résultats de mesures.....	29
4.4.4	Prélèvement / onglet dénombrements.....	31
4.4.5	Prélèvement / onglet fichiers de mesures	31
4.5	ECHANTILLON.....	35
4.5.1	Echantillon / onglet général	36
4.5.2	Echantillon / onglet photos	37
4.5.3	Echantillon / onglet résultats de mesures	37
4.5.4	Echantillon / onglet dénombrements.....	43
4.5.5	Echantillon / onglet fichiers de mesures.....	45
4.6	EVENEMENTS	46
5	VALIDATION DES SAISIES	47
6	QUALIFICATION DES DONNEES	48
ANNEXE I.	Règles de contrôle coordination REPHY	49
ANNEXE II.	Extrait du glossaire QUADRIGE ²	51

1 INTRODUCTION

Ce document remplace la révision b (V3), d'août 2013 de ce manuel.

2 OBJET ET DOMAINE D'APPLICATION

Le présent document implique tous les services (Ifremer et externes) chargés de la bancarisation des données acquises dans le cadre des programmes REPHY, REPHY-ETUDES et REPHYTOX dans la base Quadrige² (Q²).

Les responsables des programmes REPHY, REPHY-ETUDES et REPHYTOX dans Q² sont Maud Lemoine et Nadine Masson-Neaud¹ pour l'ensemble des paramètres, Anne Daniel² pour la partie hydrologie et Luis Lampert pour les données des pigments.

Toutes les données acquises doivent être bancarisées.

La saisie est effectuée le plus rapidement possible après obtention des données et dans un délai maximum d'un mois après la date de prélèvement. Leur validation doit être réalisée le plus rapidement possible après la saisie, dans un délai optimum de deux mois.

Le programme REPHY de Quadrige² concerne toutes les données phytoplancton + hydrologie + nutriments.

Le programme REPHYTOX concerne toutes les données de toxicité sur coquillages.

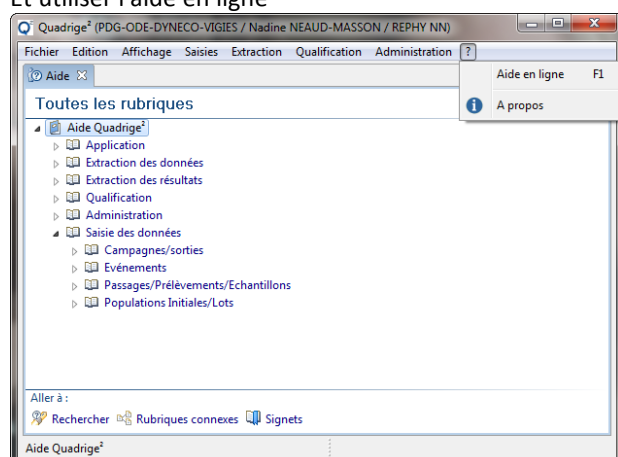
Le programme REPHY-ETUDES concerne toutes les données similaires à celles du REPHY, qui ne sont pas réalisées dans le cadre du REPHY, mais pour des études limitées dans le temps

N.B. Ce manuel ne concerne pas les données saisies dans le cadre des réseaux hydrologie régionaux, néanmoins il est très souhaitable que les consignes de saisie relatives aux paramètres communs (phytoplancton et hydrologie) soient homogènes, en particulier pour les réseaux interférant avec le REPHY et appartenant au projet PHY3, soit : SRN, RHLN, ARCHYD, RSLHYD.

Pour toute question Q², penser à consulter le Guide de l'utilisateur Quadrige² téléchargeable

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/content/download/84471/1053930/file/Guide_Utilisateur_Q2_150130_saisie.pdf?version=1

Et utiliser l'aide en ligne



Contacts

Coordination REPHY :

Maud.Lemoine@ifremer.fr

Nadine.Masson@ifremer.fr

Hydrologie :

Anne.Daniel@ifremer.fr

Pigments :

Luis.Lampert@ifremer.fr

Assistance Quadrige² :

q2suppor@ifremer.fr

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support

¹ Ifremer Nantes, ODE/VIGIES

² Ifremer Brest, ODE/DYNECO/PELAGOS

3 REFERENTIELS

Les saisies de données s'appuient sur les référentiels de la base Quadrige². Si un élément manque à un référentiel, il est possible de faire une demande d'ajout via les formulaires disponibles sur :

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-referentiels/Je-demande-un-ajout-au-referentiel

Ces formulaires sont à transmettre à la coordination qui se charge de faire la demande à la cellule d'administration Q².

3.1 LIEUX REPHY - REPHYTOX : DEMANDES DE CRÉATION / RATTACHEMENT / MODIFICATION LIEU

Un lieu peut être ponctuel (P), linéaire (L) ou surfacique (S). Il appartient systématiquement à une "zone marine" qui est le zonage propre à Quadrige². Les principales informations attachées au lieu sont :

- un identifiant attribué par le système
- un mnémonique, constitué de trois parties : (i) le code de la zone marine d'appartenance, permettant ainsi de repérer le lieu géographiquement, (ii) P, L ou S selon que le lieu est ponctuel, linéaire ou surfacique, (iii) un n° d'ordre dans la zone marine. Exemple : 020-P-001 (020 correspond à la zone marine Baie du Mont St Michel)
- un libellé [choisi par le demandeur](#)
- des coordonnées géographiques
- son ou ses programmes de rattachement : un lieu peut par exemple être rattaché à REPHY + REPHYTOX + REMI

3.1.1 CRÉATION

Formulaire de demande :

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-referentiels/Je-demande-un-ajout-au-referentiel/Lieu-de-surveillance

Dans un premier temps, la cellule Q² vérifie s'il n'existe pas déjà un lieu aux coordonnées transmises et fournit le cas échéant une carte des lieux existants sur le secteur.

Le demandeur choisit, soit de maintenir sa demande de création s'il considère que le lieu à créer est réellement différent de ceux existants, soit d'utiliser un lieu existant en faisant une demande de rattachement (voir plus bas).

Pour la création d'un lieu dans le programme REPHYTOX, il est **obligatoire** de remplir également le formulaire de rattachement de taxons au lieu (voir 3.1.3).



Cas des lieux surfaciques

Un lieu surfacique est par définition un lieu sur lequel des prélèvements sont fréquemment faits à des coordonnées variables : c'est par exemple le cas des zones de pêche pour lesquels les prélèvements de coquillages sont dépendants des pêcheurs et rarement faits au même endroit d'un prélèvement à l'autre. L'utilisation d'un lieu surfacique permet alors d'éviter la multiplication de lieux ponctuels.

Si les prélèvements faits sur un lieu défini historiquement comme ponctuel³ sont régulièrement faits à des coordonnées variables depuis le début du suivi, ce lieu ponctuel doit être transformé en lieu surfacique. Ce n'est pas une création de lieu mais une modification de la géométrie du lieu, le mnémonique est alors modifié, ex : 071-P-058 devient 071-S-058.

Lors du changement de géométrie d'un lieu, les passages et prélèvements déjà saisis héritent de cette nouvelle géométrie surfacique, ou bien gardent les coordonnées du lieu POINT : le choix est fonction du contexte historique et est à voir au cas par cas entre le producteur de données et la cellule Q².

3.1.2 RATTACHEMENT D'UN LIEU À REPHY, REPHY-ETUDES ET/OU REPHYTOX

La demande de rattachement d'un lieu existant ou nouvellement créé, à l'un ou l'autre des programmes REPHY, [REPHY-ETUDES](#), ou REPHYTOX doit être **faite par un LER et** adressée directement à la coordination REPHY, qui détient les droits d'administration des Programmes/Stratégies pour les lieux REPHY, [REPHY-ETUDES](#), et REPHYTOX.

Cette demande doit être accompagnée de toutes les informations relatives à la stratégie qui devra être appliquée sur le lieu. **Et particulier :**

Libellé et mnémo du lieu, Service préleveur, fréquence, dates de début et de fin de la stratégie, taxon support pour les lieux REPHYTOX, paramètres mesurés en précisant les méthodes (PSFM) et service analyste pour chaque paramètre.

Pour cela, il est **recommandé** d'utiliser les formulaires ci-dessous

Formulaire LERXX – aa mm jj – rattachement lieu a REPHY.xls

Formulaire LERXX – aa mm jj – rattachement lieu a REPHYTOX.xls

Indiquer dans le nom du fichier transmis : LERXX demandeur et aa mm jj (année mois jour) de demande.

Ces formulaires sont téléchargeables à l'adresse suivante :

http://wwz.ifremer.fr/quadrigé2_support/Mes-donnees/Je-respecte-les-consignes-de-saisie/REPHY

Pour le rattachement d'un lieu au programme REPHYTOX, **les différents taxons présents et exploités sur le lieu doivent être renseignés dans le référentiel des lieux** (voir 3.1.3 le formulaire de rattachement de taxons au lieu).

³c'est le cas de tous les lieux créés dans l'ancienne version de la base Quadrigé



3.1.3 MODIFICATION D'UN LIEU

La modification d'un lieu ne concerne que certaines informations. Elle doit rester exceptionnelle pour les informations suivantes : (i) les coordonnées, s'il s'avère qu'une erreur existe dans le référentiel, (ii) le libellé si celui existant n'est pas pertinent. La demande de modification doit alors être adressée à la cellule Q², avec copie aux responsables de programmes concernés par ce lieu.

Dans le cas du programme REPHYTOX, les taxons présents sur le lieu doivent être à jour. Pour toute création ou rattachement de lieu à REPHYTOX, ou bien en cas de modification des taxons sur un lieu, il est **obligatoire** de remplir le formulaire de rattachement de taxons au lieu : il s'agit du ou des taxons (le plus souvent coquillages) présents sur le lieu avec leurs types de ressource associés, par exemple : *Mytilus edulis* / Bouchot. Tous les taxons présents doivent être renseignés, même si certains ne font pas l'objet de prélèvements systématiques⁴.

Pour faire la demande d'ajout du taxon manquant sur un lieu, utiliser le formulaire téléchargeable : http://www.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-referentiels/Je-demande-un-ajout-au-referentiel/Association-Lieu-Taxon

Envoyer cette demande à la coordination REPHY et à la cellule d'administration de Q² (q2suppor@ifremer.fr)

Pour les demandes de changement de stratégie appliquée à un lieu voir 3.3.

3.2 PSFM

L'administration du référentiel des PSFM (Paramètres / Supports / Fractions / Méthodes, c'est à dire les quatre composants constituant les quadruplets) est assurée par la cellule Q².

Le référentiel PSFM contient deux types de quadruplets. En premier lieu, les quadruplets actifs, accessibles à la saisie, et qui peuvent donc être utilisés dans les stratégies. D'autres quadruplets sont gelés, ils ne peuvent donc pas être utilisés en saisie, mais sont gardés pour les historiques de données⁵.

Toute création ou réactivation de PSFM concernant les domaines phytoplancton, hydrologie ou phycotoxines doit être adressée à la **coordination REPHY**, qui se charge des demandes à la cellule Q² et aux experts concernés.

Chaque quadruplet est construit à partir d'une combinaison de Paramètres-Supports-Fractions-Méthodes, à laquelle il est ajouté :

- l'unité du PSFM (qui est donc attachée à la **méthode** et au quadruplet et pas au paramètre)
- le nombre significatif conseillé de chiffres pour la valeur numérique (S) : il s'agit d'une valeur indicative, qui n'impacte pas la saisie
- le nombre maximum conseillé de décimales (D) : c'est également une valeur indicative
- le seuil de détection (Seuil) : cette information n'est plus remplie car elle ne peut couvrir la multiplicité des seuils de détection et de quantification propres à chaque laboratoire pour un même PSFM
- **Les valeurs qualitatives associées pour les paramètres qualitatifs (ex. les symptômes des souris)**

⁴ le taxon décrit dans la stratégie du lieu comme celui devant être échantillonné, doit appartenir à cette liste de taxons présents sur le lieu

⁵ par exemple : *TEMP – Masse d'eau, eau brute – sans objet – Méthode non définie (uniquement pour la reprise)*

The screenshot shows the 'Quadruplets' application window. On the left, there's a search bar labeled 'Rechercher' and a list of nutrient units under the heading 'PSFM Nutriments'. The unit 'SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Spectrophotométrie flux (Aminot A. Kérouel R. 2007 - Silicate) - µmol/l' is highlighted in blue. To the right, a detailed view of this unit is shown, including its parameters, support, fraction, method, threshold, maximum decimal places, significant figures, and associated quality values.

Nutriments	Unités	Méthodes
POD - Eau filtrée - Sans objet - Colorimétrie selon Aminot et Kerouel - µmol/l		
PT - Eau filtrée - Sans objet - Minéralisation peroxydisulfate - spectrophotométrie flux (Aminot A. Kérouel R. 2007 - PO4) - µm		
PT - Eau filtrée - Sans objet - Oxydation persulfate acide - µmol/l		
PT - Eau filtrée - Sans objet - Procédure oxydative (Raimbault et al., 1999) - µmol/l		
SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Méthode non définie (uniquement pour la reprise) - µmol/l		
SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Méthode de absorption moléculaire (NF T90-007 - Silicate) - µmol/l		
SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Spectrophotométrie flux (Aminot A. Kérouel R. 2007 - Silicate) - µmol/l		
SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Spectrophotométrie flux (NF EN ISO 16264 - Silicate) - µmol/l		
SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Spectrophotométrie flux (Tréguyer P., LeCorre P. 1975 - Silicate) - µmol/l		
SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Spectrophotométrie manuelle (Aminot A. Kérouel R. 2004 - Silicate) - µmol/l		
SIOH - Eau filtrée - Sans objet - Spectrophotométrie manuelle (Aminot et Chaussepied 1983 - Silicate) - µmol/l		
SO4 - Eau filtrée - Sans objet - Capillary Ion Analysis (CIA) - mg/l		
TBT - Eau filtrée - Sans objet - Chromatographie gaz organostanniques - eau - ng[Sn]/l		
TI - Eau filtrée - Sans objet - Métaux		
TI - Eau filtrée - Sans objet - Métaux - nmol/l		
TI - Eau filtrée - Sans objet - Relargage des métaux - nmol/l		

Général	
Paramètre:	SIOH
Support:	Eau filtrée
Fraction:	Sans objet
Méthode:	Spectrophotométrie flux (Aminot A. Kérouel R. 2007 - Silicate) - µmol/l
Seuil:	0.05
Nombre maximal de décimales:	1
Nombre de chiffres significatifs:	3
Unité:	Micromole par litre

Valeurs qualitatives associées
<input checked="" type="checkbox"/> Libellé

[illegible]



3.3 STRATÉGIES

Une stratégie regroupe l'ensemble des informations caractérisant les moyens et la manière d'acquérir les données :

- la liste des lieux de surveillance suivis, avec pour chacun le préleveur par défaut, [la fréquence](#), [le taxon support le cas échéant \(cas des coquillages\)](#) et [les dates de début et de fin de la stratégie](#).
- la liste des PSFM, soient : paramètres à mesurer⁶ sur chaque point de prélèvement, le support de ces mesures, la fraction, les méthodes préconisées pour chacun de ces paramètres, ainsi que le laboratoire effectuant les analyses pour chacun des paramètres

Les stratégies sont une aide à la saisie, les informations qui y sont contenues doivent donc être à jour pour éviter toute erreur. Si des paramètres sont saisis hors stratégie (ce qui doit rester exceptionnel), il faut être très vigilant.

Pour un programme donné, il ne peut y avoir qu'une seule stratégie appliquée à une date donnée sur un lieu donné.

Toute modification pérenne d'une stratégie (par exemple méthode, préleveur, analyste par défaut), devra être impérativement [et rapidement](#) transmise aux responsables des programmes REPHY et REPHYTOX.

Pour cela, il est [recommandé](#) d'utiliser les formulaires ci-dessous

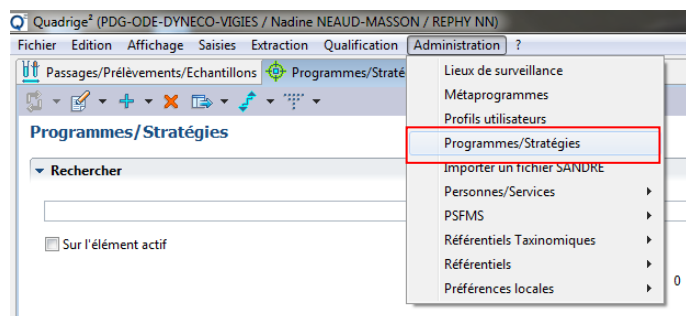
Formulaire LERXX – aaaa mm jj – modif strategie lieu REPHY.xls

Formulaire LERXX – aaaa mm jj – modif strategie lieu REPHYTOX.xls

Formulaires téléchargeables à l'adresse suivante :

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-donnees/Je-respecte-les-consignes-de-saisie/REPHY

Les stratégies REPHYTOX, REPHY et [REPHY-ETUDES](#) sont consultables en détail dans l'appliquatif Q² :



Dans l'appliquatif Q², il n'est pas possible actuellement de trouver facilement la stratégie d'un lieu, car le seul point d'entrée est la stratégie. Pour récupérer toutes les informations des stratégies dans un fichier Excel, un outil est disponible sur le site de la cellule d'administration de Quadrige² :

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Outils

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-donnees/Je-verifie-que-mon-programme-strategie-est-a-jour

Saisir [votre adresse mail](#), choisir le programme et clic sur "Envoyer". Un message est envoyé sur votre boîte mail avec un tableau de tous les lieux actifs du programme. Il est également possible avec cet outil de retrouver l'historique complet des stratégies en cochant « Toutes les stratégies »

⁶ dans certains cas, tous les paramètres de la stratégie ne peuvent pas être mesurés



Une stratégie est décrite par :

1. un libellé et une description

Programmes/Stratégies

Rechercher

☐ Sur l'élément actif

0 / 0

Aucun Filtre

REPHY - REPHY Surveillance Phytoplancton et Physico-Chimie

Hyd1 + Nut3

Hyd11 + Nut3

Hyd2 + Nut3

Hyd2-Fi + Nut3

Outre Mer - Guadeloupe DCE référence 2007-2009

Outre Mer - Guadeloupe DCE surveillance 2008 - février 2011

Outre Mer - Guadeloupe DCE surveillance - à partir de mars 2011

Outre Mer - La Réunion - Hyd - 2007

Outre Mer - La Réunion - Hyd2-Fi + Nut3 - 2008-2020

Outre Mer - Martinique DCE - 2007-2010

Outre Mer - Martinique DCE - 2011

Outre Mer - Martinique DCE - 2012

PhyInd

PhyInd + Hyd1

PhyInd + Hyd11-Fi + Nut3

PhyInd + Hyd11-Sp + Nut3

PhyInd + Hyd11-T90 + Nut3

PhyInd + Hyd1-Sp

PhyInd + Hyd1-Sp + Nut3

PhyInd + Hyd2

PhyInd + Hyd2-Fi

PhyInd + Hyd2-Fi + Nut3

PhyInd + Hyd2-Sp

PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3

PhyInd + Hyd3simp-Sp + Nut3

PhyInd + Hyd4-Sp

PhyInd + Hyd4-Sp + Nut3

PhyInd + Hyd8-Fi + Nut3

PhyInd + Hyd9-Sp

PhyInd + Hyd9-Sp + Nut3

PhyTot + Hyd10-Sp

1 sur 590 éléments sélectionnés.

REPHY - PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3

Général

Code Programme :

REPHY

Libellé :

PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3

Description :

Phytoplancton indicateur + Hydrologie de base + Chlorophylle + Nutriments

Général

Responsables

Lieux de surveillance

PSFM

Lieux <-> PSFM



2. des lieux sur lesquels la stratégie est appliquée, avec des informations liées au lieu/programme : le taxon prélevé préférentiellement pour le programme, la fréquence, et le service préleveur par défaut. Pour chaque lieu, les dates **de début et de fin** d'application de la stratégie sont également renseignées

Programmes/Stratégies

Rechercher

Sur l'élément actif

Aucun Filtre

REPHY - REPHY Surveillance Phytoplancton et Physico-Chimie

- Hyd1 + Nut3
- Hyd11 + Nut3
- Hyd2 + Nut3
- Hyd2-Fl + Nut3
- Outre Mer - Guadeloupe DCE référence 2007-2009
- Outre Mer - Guadeloupe DCE surveillance 2008 - février 2011
- Outre Mer - Guadeloupe DCE surveillance - à partir de mars 2011
- Outre Mer - La Réunion - Hyd - 2007
- Outre Mer - La Réunion - Hyd2-Fl + Nut5 - 2008-2020
- Outre Mer - Martinique DCE - 2007-2010
- Outre Mer - Martinique DCE - 2011
- Outre Mer - Martinique DCE - 2012
- PhyInd
- PhyInd + Hyd1
- PhyInd + Hyd11-Fl + Nut3
- PhyInd + Hyd11-Sp + Nut3
- PhyInd + Hyd11-T90 + Nut3
- PhyInd + Hyd1-Sp
- PhyInd + Hyd1-Sp + Nut3
- PhyInd + Hyd2
- PhyInd + Hyd2-Fl
- PhyInd + Hyd2-Fl + Nut3
- PhyInd + Hyd2-Sp
- PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3**
- PhyInd + Hyd3simp-Sp + Nut3
- PhyInd + Hyd4-Sp
- PhyInd + Hyd4-Sp + Nut3
- PhyInd + Hyd8-Fl + Nut3
- PhyInd + Hyd9-Sp
- PhyInd + Hyd9-Sp + Nut3
- PhyTot + Hyd10-Sp

1 sur 590 éléments sélectionnés.

REPHY - PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3

Code	Lieu	Stratégie	Service	Fréquence
13028012	Saint-Quay	025-P-104	LER/FBN/DN	Suivi mensuel
15032028	Trébeurden	032-P-027	LER/FBN/DN	Suivi à la quinzaine ou hebdo...
15032029	Les 7 îles	031-P-006	LER/FBN/DN	Suivi mensuel
23045516	Lorient 16	049-P-020	LER/MPL/TM	
24046010	Etel - Pierres noires	052-P-010	LER/MPL/TM	
25048005	Taillefer	054-P-005	LER/MPL/TM	
27057064	Nord Dumet	062-P-018	LER/MPL/TM	

Toutes les stratégies pour le lieu 'Trébeurden'

Programme	Libellé stratégie	Date début	Date fin
REPHY	Z PhyInd 3	02/01/2007	31/12/2007
REPHY	PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3	01/01/2008	31/12/2008
REPHYTOX	Tox-AC0 - 2009 - analyse chimi...	01/01/2009	31/12/2009
REPHY	PhyInd + Hyd4-Sp + Nut3	01/01/2009	31/12/2009
REPHYTOX	Tox-AC1 - jan-avr2010 - analyse c...	01/01/2010	30/04/2010

Stratégies pour le programme REPHY - REPHY Surveillance Phytoplancton et Physico-Chimie et pour le lieu 'Trébeurden'

Libellé stratégie	Date début	Date fin
Z PhyInd 3	02/01/2007	31/12/2007
PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3	01/01/2008	31/12/2008
PhyInd + Hyd4-Sp + Nut3	01/01/2009	31/12/2009
Z PhyInd + Hyd4-Sp + Nut3 + Tox-AC0	01/01/2010	31/12/2010
PhyInd + Hyd4-Sp + Nut3	01/01/2011	31/07/2012

Activités de la stratégie

Code	Nom	Mné...	12/2007	01/2008	02/2008	03/2008	04/2008	05/2008	06/2008	07/2008	08/2008
10023049	Champeaux	020-P...									
10023052	Mont St Michel 20...	020-P...									
13028012	Saint-Quay	025-P...									
15032028	Trébeurden	032-P...									
15032029	Les 7 îles	031-P...									
23045516	Lorient 16	049-P...									
24046010	Etel - Pierres noi	052-P...									
25048005	Taillefer	054-P...									

Général Responsables Lieux de surveillance PSFM Lieux <-> PSFM

3. une liste de PSFMs (paramètre/support/fraction/méthode), avec indication du niveau (passage, prélèvement ou échantillon) sur lequel chacun de ces paramètres sera automatiquement renseigné à la saisie, par exemple ci-dessous :

Passages/Prélèv...

Programmes/Str...

REPHY - PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3

PSFM

Paramètre	Support	Fraction	Méthode	Passage	Prélèvement	Echantillon
FLORIND	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Comptage cellule...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
FLORPAR	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Comptage cellule...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
FLORTOT	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Comptage cellule...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
TEMP	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Capteur de tempé...	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
SALI	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Capteur de condu...	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
TURB-F...	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Turbidimètre opti...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
OXYGENE	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Capteur oxygène ...	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
CHLOR...	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Spectrophotomét...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
PHEO	Masse d'eau, eau ...	Sans objet	Spectrophotomét...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
NH4	Eau filtrée	Sans objet	Fluorimétrie flux ...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
NO3+N...	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotomét...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
PO4	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotomét...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>
SIOH	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotomét...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>



4. une liste de relations entre les lieux et les PSFM décrits ci-dessus, avec des informations sur l'analyste par défaut pour chaque lieu/paramètre pour ce programme. L'engin d'analyse par défaut peut être rempli quand cela est possible, c'est à dire quand le même engin est toujours mis en œuvre sur le même lieu.

Fichier Edition Affichage Saisies Extraction Qualification Administration ?

Programmes/Stratégies x

REPHY - PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3 x

Programmes/Stratégies

Rechercher

Sur l'élément actif

0 / 0

Aucun Filtre

- PhyInd + Hyd2-Fi
- PhyInd + Hyd2-Fi + Nut3
- PhyInd + Hyd2-Sp
- PhyInd + Hyd2-Sp + Nut3**
- PhyInd + Hyd3simp-Sp + Nut3
- PhyInd + Hyd4-Sp
- PhyInd + Hyd4-Sp + Nut3
- PhyInd + Hyd8-Fi + Nut3
- PhyInd + Hyd9-Sp
- PhyInd + Hyd9-Sp + Nut3
- PhyTot + Hyd10-Sp
- PhyTot + Hyd11-Fi + Nut3
- PhyTot + Hyd1-Fi + Nut3
- PhyTot + Hyd1-Sp + Nut3
- PhyTot + Hyd1-Sp + Nut4
- PhyTot + Hyd2-Fi
- PhyTot + Hyd2-Fi + Nut3
- PhyTot + Hyd2-Sp
- PhyTot + Hyd2-Sp + Nut3
- PhyTot + Hyd4-Sp + Nut3
- PhyTot + Hyd6-Fi
- PhyTot + Hyd6-Fi + Nut3
- PhyTot + Hyd9-Sp
- PhyTot + Hyd9-Sp + Nut3
- PhyTox
- PhyTox + Hyd1
- PhyTox + Hyd2
- PhyTox + Hyd4
- PhyTox + Hyd5
- PhyTox + Hyd6
- PhyTox + Hyd9

1 sur 590 éléments sélectionnés.

Lieux <-> PSFM

Code	Lieu	Mnémonique	Paramètre	Support	Fraction	Méthode	Analyste
13028012	Saint-Quay	025-P-104	PHEO	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Spectrophotométrie monoc...	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	FLORPAR	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Comptage cellules au micros...	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	FLORIND	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Comptage cellules au micros...	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	FLORTOT	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Comptage cellules au micros...	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	TEMP	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Capteur de température in situ	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	TURB-F...	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Turbidimètre optique (ISO 70...	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	NH4	Eau filtrée	Sans objet	Fluorimétrie flux (Aminot A. ...	LER/MPL/NT
15032028	Trébeurden	032-P-027	NO3+N...	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotométrie flux (A...	LER/MPL/NT
15032028	Trébeurden	032-P-027	OXYGENE	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Capteur oxygène à luminesc...	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	SALI	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Capteur de conductivité in situ	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	SIOH	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotométrie flux (A...	LER/MPL/NT
15032028	Trébeurden	032-P-027	PO4	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotométrie flux (A...	LER/MPL/NT
15032028	Trébeurden	032-P-027	CHLOR...	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Spectrophotométrie monoc...	LER/FBN/DN
15032028	Trébeurden	032-P-027	PHEO	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Spectrophotométrie monoc...	LER/FBN/DN
15032029	Les 7 Îles	031-P-006	FLORPAR	Masse d'eau, ea...	Sans objet	Comptage cellules au micros...	LER/FBN/DN

Ajouter une association

Ajouter une association

Lieux de surveillance

Lieu	Mnér
Mont St Mic...	020-P
Saint-Quay	025-P
Trébeurden	032-P
Les 7 Îles	031-P
Lorient 16	049-P
Etel - Pierres ...	052-P
Taillefer	054-P

Analyste : Engin :

PSFM

Paramètre	Support	Fraction	Méthode
SALI	Masse d'eau, eau br...	Sans objet	Capteur de conductivité in situ
TEMP	Masse d'eau, eau br...	Sans objet	Capteur de température in situ
OXYGENE	Masse d'eau, eau br...	Sans objet	Capteur oxygène à luminescence mg/l
NO3+NO2	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotométrie flux (Aminot A. Kéro...
PO4	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotométrie flux (Aminot A. Kéro...
SIOH	Eau filtrée	Sans objet	Spectrophotométrie flux (Aminot A. Kéro...
NH4	Eau filtrée	Sans objet	Fluorimétrie flux (Aminot A. Kérouel R. 20...
FLORIND	Masse d'eau, eau br...	Sans objet	Comptage cellules au microscope - eau

Général Responsables Lieux de surveillance PSFM Lieux <-> PSFM



3.4 RÉFÉRENTIEL DES TAXONS

Les taxons présents dans le référentiel Q² proviennent du référentiel Worms⁷ : les taxons disponibles pour chaque domaine peuvent donc être beaucoup plus nombreux que ceux nécessaires pour des besoins précis.

La cellule Q² assure ponctuellement la mise à jour par rapport au WoRMS, et elle maintient les correspondances vers TAXREF du Muséum National d'Histoire Naturelle et le SANDRE.

Quand le référentiel taxinomique Q² est modifié, l'information et la liste des taxons modifiés peut être téléchargée sur : http://www.ifremer.fr/quadrige2_support/Actualites

Symbologie spécifique pour les taxons

-  : Taxon obsolète
-  : Taxon obsolète provisoire
-  : Taxon obsolète virtuel
-  : Taxon valide
-  : Taxon virtuel
-  : Taxon provisoire
-  : Taxon synonyme

Les taxons sont de plusieurs types dans le référentiel Q² :

Les différents statuts des taxons sont expliqués ci-dessous. Seuls les taxons valides, provisoires ou virtuels sont accessibles à la saisie, le cas des taxons synonymes étant particulier.

Taxon valide (ou référent) : il s'agit du nom valide reconnu par le WoRMS à un instant donné. Un taxon valide peut avoir un ou plusieurs synonymes (voir ci-dessous). Avec l'évolution des connaissances taxinomiques, un taxon valide peut devenir synonyme, auquel cas il est rattaché à un autre taxon qui devient alors valide.

Taxon synonyme : il s'agit d'un synonyme décrit comme tel dans le WoRMS, il est toujours rattaché à un taxon valide. Les taxons synonymes sont disponibles à la saisie, mais la saisie d'un taxon synonyme conduit au remplacement par son taxon valide dans le résultat : un message le propose (attention il faut répondre OUI, sinon le taxon n'est pas ajouté). Les taxons synonymes ne sortent donc jamais dans les extractions.

Taxon provisoire : il s'agit d'un taxon non encore renseigné dans le WoRMS, mais qui est nécessaire pour la saisie. Quand la mise à jour du WoRMS est faite, le taxon provisoire est remplacé par le taxon valide dans le référentiel Q², auquel cas il devient « obsolète provisoire » (voir plus bas).

Taxon virtuel : il s'agit le plus souvent d'un groupe de genres et/ou d'espèces, ne pouvant donc pas exister en tant que taxon dans le WoRMS. Les taxons virtuels ont été définis dans Q² pour répondre à la nécessité de disposer d'un niveau intermédiaire : en effet, certaines espèces phytoplanctoniques ne peuvent être identifiées en tant que telles. Les exemples les plus utilisés sont les groupes d'espèces de *Pseudo-nitzschia* ou complexes.

Taxon obsolète : il correspond à un taxon qui ne doit plus être utilisé car il n'est plus considéré comme valide ni comme synonyme. Les taxons obsolètes ne sont pas disponibles à la saisie, et donc jamais présents dans les filtres, mais ils sortent dans les extractions. Un taxon obsolète peut concerner un taxon provisoire, il devient alors « obsolète provisoire », ou un taxon virtuel, il devient alors « obsolète virtuel ».

Pour faciliter la saisie des données REPHY ou REPHYTOX, des filtres sont proposés pour deux domaines :

- le phytoplancton, pour la saisie des résultats flores
- les coquillages, en tant que supports d'analyse pour la saisie des résultats toxines

Ces filtres sont disponibles à l'adresse suivante :

http://www.ifremer.fr/quadrige2_support/Mon-support-Quadrige/J-e-telecharge-des-filtres-types/Taxons

⁷ WoRMS : World Register of Marine Species - <http://www.marinespecies.org/index.php>



3.4.1 PHYTOPLANCTON

Le filtre proposé pour le phytoplancton couvre l'ensemble des taxons saisis sur les flores sur le littoral métropolitain⁸.

Le filtre est téléchargeable :

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mon-support-Quadrigue/Je-telecharge-des-filtres-types/Taxons

Télécharger "Taxons flores REPHY (mise à jour juillet 2017)"

puis, dans l'éditeur de filtre, l'importer dans Q² avec le bouton Importation



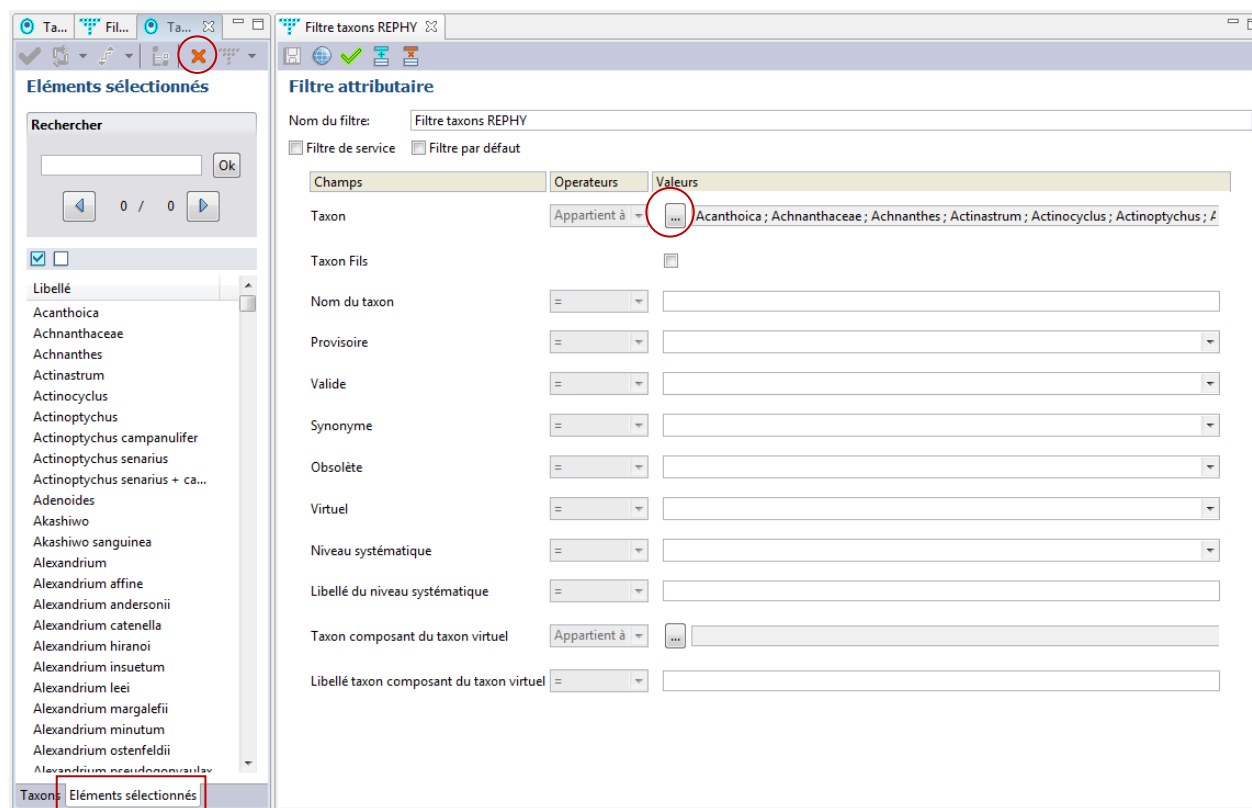
: Permet l'importation d'un fichier .xml.


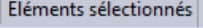
Ce bouton est disponible uniquement dans les éditeurs d'extraction, de la qualification et de filtres.


Ce filtre qui contient tous les taxons susceptibles d'être rencontrés sur le littoral métropolitain, peut être adapté à des besoins plus locaux soit en supprimant, soit en ajoutant des taxons.

Pour cela dupliquer le filtre, lui attribuer un nouveau nom puis :

Pour supprimer des taxons :



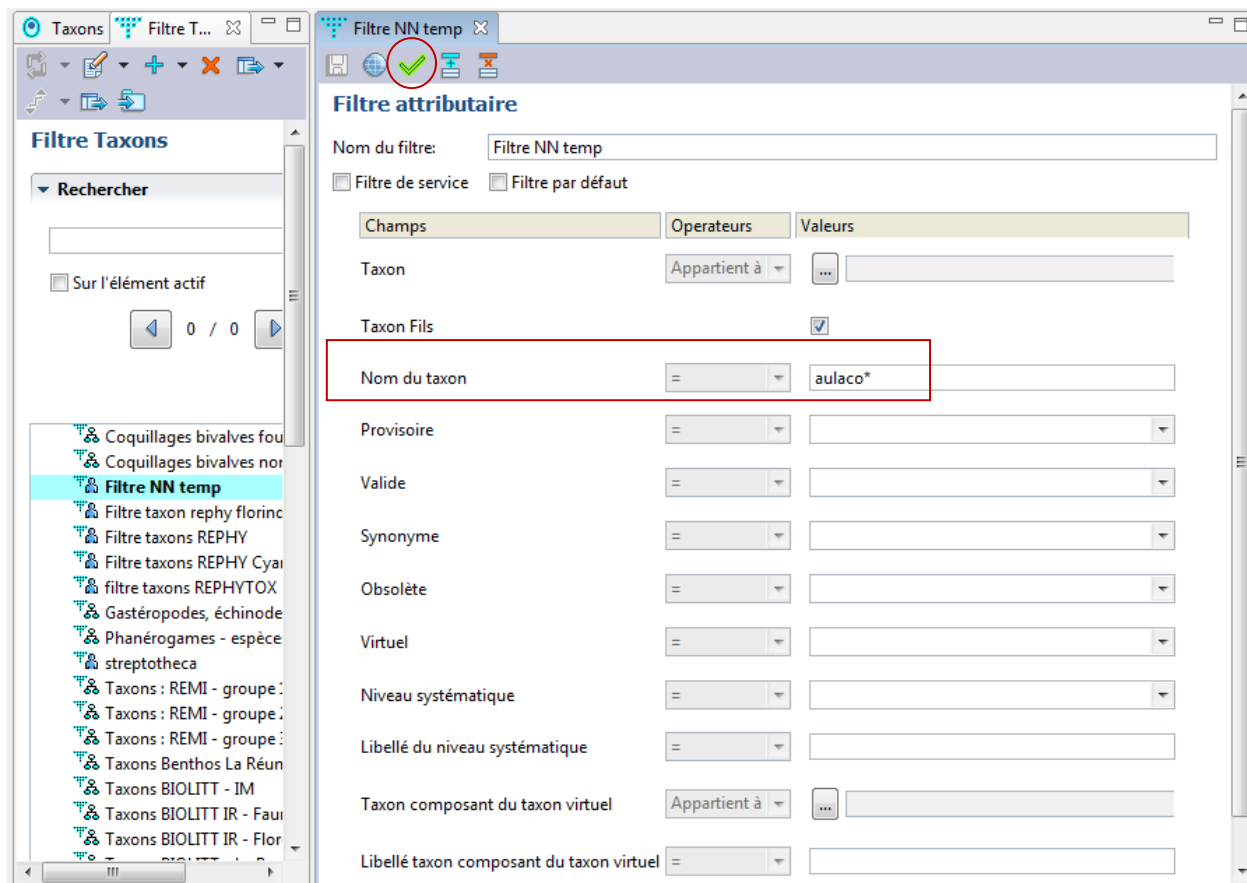
Cliquer sur  puis sur ,


sélectionner le taxon à enlever de la liste puis le supprimer avec 

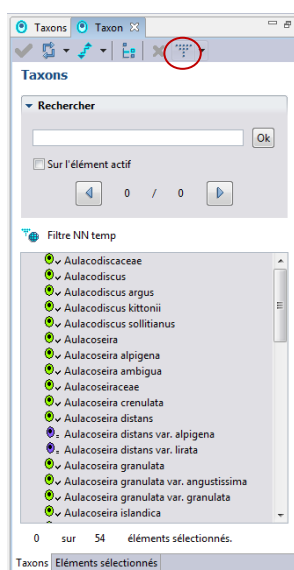
⁸ Filtre en cours d'élaboration pour les taxons d'outre-mer.



Pour ajouter un taxon il faut d'abord utiliser un nouveau filtre vierge :

Exemple :



Renseigner le champ "Nom du taxon" puis appliquer le filtre . La liste du ou des taxons recherchés s'affiche.



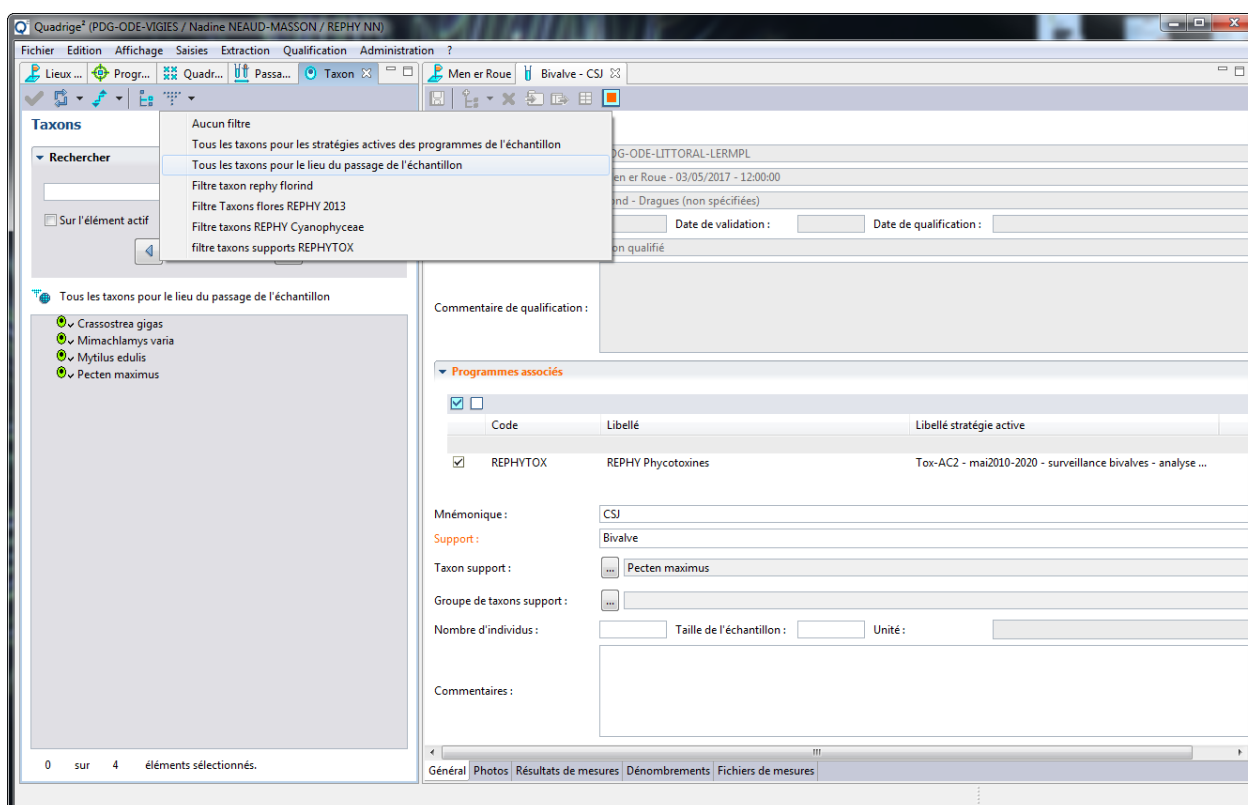
- clic sur 
- sélectionner le filtre dans lequel vous voulez ajouter un taxon.
- Clic sur  du filtre à modifier
- le dernier filtre appliqué s'affiche alors (dans l'exemple c'est le filtre NN temp).
- Sélectionner le taxon à ajouter (double clic, ou glissé)
- enregistrer le filtre.

Il est fortement conseillé aux utilisateurs d'intégrer leurs filtres de taxons dans les préférences de leur contexte (cf. 4.1)



3.4.2 COQUILLAGES

Lors de la saisie, la stratégie propose par défaut un et un seul taxon support. Si l'analyse de toxines est faite sur un autre taxon, un filtre des taxons supports intitulé : « Tous les taxons pour le lieu du passage de l'échantillon » donne accès à la liste des taxons présents sur le lieu telle qu'enregistrée dans le référentiel des lieux. **Attention**, dans ce cas, il est nécessaire de faire mettre à jour les taxons associés au lieu dans le référentiel Q² (voir 3.1.3)



Si le taxon support analysé n'existe pas dans ce filtre des taxons du lieu, un filtre existe sur :

http://wwwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mon-support-Quadrige/Je-telecharge-des-filtres-types/Taxons

Il concerne l'ensemble des taxons supports susceptibles d'être utilisés pour les analyses de toxines, il s'agit de : "Taxons support REPHYTOX (mise à jour juillet 2017)"⁹.

Cette liste actualisée en juillet 2017 est la suivante :

Acanthocardia (bucarde)
Acanthocardia echinata (bucarde rouge)
Aequipecten opercularis (pétoncle blanc-vanneau)
Callista chione (verniss)
Cerastoderma edule (coque)
Crassostrea gigas (huître creuse)
Donax (donace)

⁹il est possible aussi d'utiliser les filtres REMI correspondant aux trois groupes de « coquillages »



Donax trunculus (donace tronquée)
Donax vittatus (donace-olive)
Glycymeris glycymeris (amande)
Mactra (mactre)
Mactra stultorum (grande mactre)
Mimachlamys (pétoncle)
Mimachlamys varia (pétoncle noir)
Mytilus (moule)
Mytilus edulis (moule commune)
Mytilus galloprovincialis (moule méditerranéenne)
Ostrea edulis (huître plate)
Paracentrotus lividus (oursin violet)
Pecten maximus (coquille St Jacques)
Polititapes aureus (palourde dorée)
Polititapes rhomboides (palourde rose)
Ruditapes decussatus (palourde grise)
Ruditapes philippinarum (palourde japonaise)
Spisula (Spisula) ovalis (spisule)
Spisula solida (spisule)
Tapes (palourde)
Venus verrucosa (praire)

4 SAISIE

La saisie consiste à renseigner les entités suivantes :

- le **passage**, caractérisé par un lieu, une date et une heure
- le **prélèvement**, qui comporte des informations sur l'engin de prélèvement, le niveau de prélèvement, le préleveur, etc.
- l'**échantillon**, caractérisé par le support de l'échantillon
- le ou les **résultats**, saisis au travers d'une stratégie comportant déjà des informations par défaut, et pour lesquels il faut renseigner une valeur, et éventuellement une précision

Cas de la saisie multiprogrammes

Toutes les entités décrites ci-dessus sont susceptibles de servir à plusieurs programmes Q², [quelques](#) exemples en sont donnés ci-dessous :

- REPHY+REPHYTOX : un passage peut être commun à des prélèvements d'eau et de coquillages, il est donc multiprogrammes, mais les prélèvements, échantillons et résultats rattachés ne le sont pas
- REPHYTOX+REMI : des passages et des prélèvements de coquillages peuvent être faits en commun, mais les échantillons et les résultats ne doivent pas être saisis en multiprogrammes
- REPHY+RHLN : toute la filière passage – prélèvement – échantillon – résultat peut être en multiprogrammes
- REPHY-ETUDES+REPHY : [Des passages – prélèvements – échantillons peuvent être en multiprogrammes, mais tous les résultats ne sont pas obligatoirement multiprogrammes.](#)



Ceci nécessite d'être très vigilant et de contrôler les programmes cochés à tous les niveaux "passage/prélèvement/échantillon/résultat".



Il est théoriquement possible dans Q² de saisir des **résultats** sur les trois entités passage, prélèvement, échantillon ; mais pour les programmes REPHY, [REPHY-ETUDES](#) et REPHYTOX, seules les entités "**prélèvement**" et "**échantillon**" portent des résultats (c'est prévu comme cela dans les stratégies).

- Les résultats des mesures faites *in situ* doivent être saisis au niveau du prélèvement. Dans ce cas, l'engin de prélèvement est : "**Mesure in situ**".
- Les résultats des analyses faites au laboratoire sont saisis au niveau de l'échantillon.

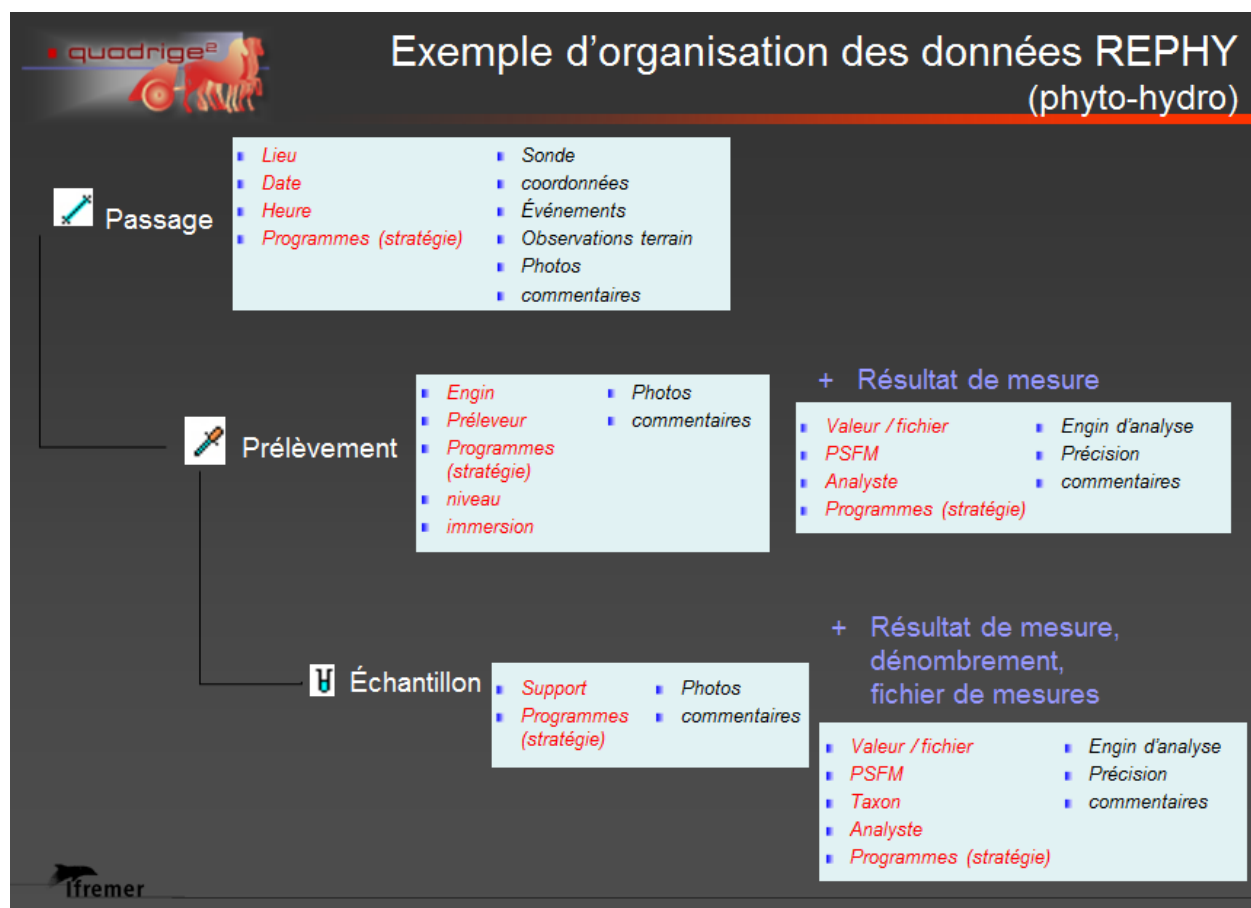
Les champs "**commentaire**" disponibles à tous les niveaux (passage/prélèvement/échantillon/résultat) peuvent être utilisés pour enregistrer des informations exceptionnelles qui pourraient apporter des éléments utiles à la qualification ou à l'interprétation des résultats. Dans tous les cas, rédiger de façon concise.

Pour les champs à texte libre comme les "mnémo" et "commentaires", ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée) car cela pose des problèmes lors des extractions.

La saisie est largement aidée par les nombreuses informations décrites par défaut dans les stratégies. Ceci ne doit cependant pas conduire à négliger de vérifier si ces informations correspondent bien aux résultats à saisir. Deux cas particuliers peuvent en effet se présenter :

- une des informations de la stratégie est ponctuellement incorrecte, par exemple, l'analyse a été faite dans un autre laboratoire que celui habituellement prévu : le laboratoire analyste par défaut doit donc être remplacé pour cette saisie par le laboratoire analyste réel
- une ou plusieurs informations de la stratégie sont invalides et le resteront, par exemple le laboratoire analyste a définitivement changé, ou bien une méthode a été remplacée par une autre : dans ce cas, la correction doit être faite pour les saisies en cours, mais il est indispensable d'envoyer une demande de modification de stratégie à [la coordination REPHY](#) (voir 3.3).

En **rouge** ce qui doit être obligatoirement renseigné, en noir saisie facultative



















Statut des données

La saisie doit être suivie de plusieurs opérations : contrôle puis validation, et enfin qualification. Le contrôle et la validation consistent à vérifier la cohérence entre le contenu du cahier de laboratoire et les résultats saisis dans Q², et sont faits à l'initiative du laboratoire saisisseur. La qualification par contre est faite à l'initiative du responsable de programme et de la cellule Q². L'état des données dans Q² est visualisé comme suit dans la base.

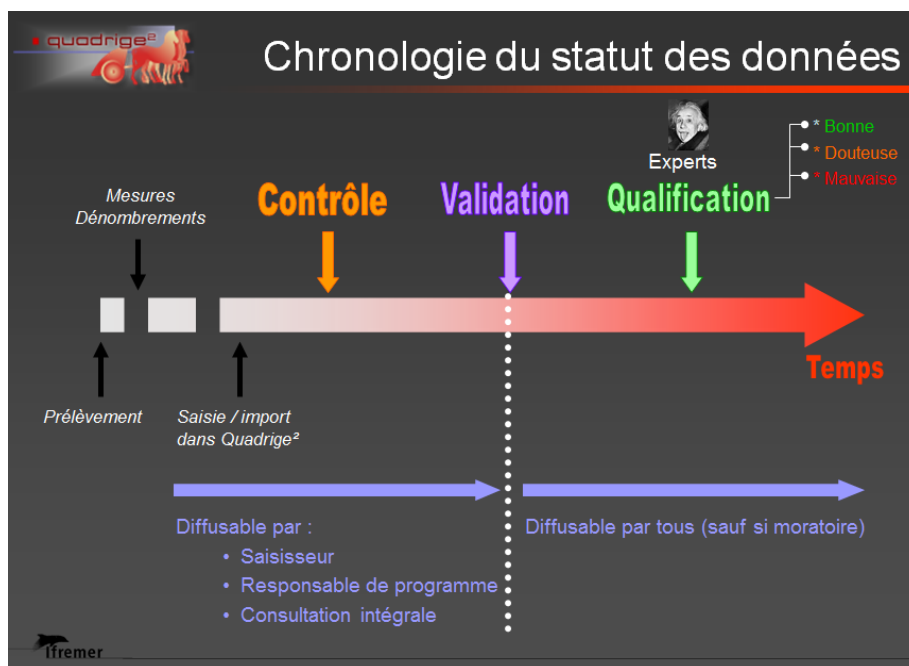
Symbologie spécifique pour les passages/prélèvements/échantillons

-  : Passage sans état
-  : Passage avec résultats
-  : Passage complètement contrôlé
-  : Passage complètement contrôlé avec résultats
-  : Passage partiellement contrôlé
-  : Passage partiellement contrôlé avec résultats
-  : Passage complètement qualifié
-  : Passage complètement qualifié avec résultats
-  : Passage partiellement qualifié
-  : Passage partiellement qualifié avec résultats
-  : Passage complètement validé
-  : Passage complètement validé avec résultats
-  : Passage partiellement validé
-  : Passage partiellement validé avec résultats

La même symbolique est mise en place pour les prélèvements et les échantillons.

La possibilité de consultation ou d'extraction des données est liée à leur état : visibles seulement par le laboratoire saisisseur, les responsables des programmes concernés, et les personnes ayant des droits de consultation intégrale avant validation, elles sont visibles par toute personne ayant un accès à Quadrige² après validation.

Une donnée validée n'est plus modifiable. Si nécessaire elle pourra être dévalidée (voir plus bas).





Saisie multi partenaires


Si des passages, prélèvements, mesures *in situ*, échantillons ou résultats d'analyses sont saisis par différentes entités (laboratoires Ifremer, sous-traitants ou partenaires), il est indispensable de bien gérer les différentes étapes, en particulier :

- les passages, prélèvements (avec leurs mesures *in situ* éventuelles) et échantillons devront être saisis le plus rapidement possible, pour ne pas bloquer la saisie des résultats d'analyses sur les échantillons
- les échantillons envoyés pour analyse à un autre laboratoire que celui qui a fait les prélèvements devront comporter toutes les informations nécessaires pour que ce laboratoire puisse retrouver facilement l'échantillon dans Quadrigé² : au minimum le mnémonique et le libellé du lieu, la date, le coquillage
- **Techniquement**, la validation de **tous les** résultats **peut** être faite par le service saisisseur du **Passage/Prélèvement/Echantillon (PPE)**. Les niveaux supérieurs (passage/prélèvement/échantillon) doivent être validés **pour permettre la validation des résultats**. **La validation ne doit être réalisée qu'après contrôle des données par le service qui les a saisies**. **Pour la validation, il peut être convenu entre les parties qu'elle soit réalisée totalement par le service qui a saisi le PPE après accord (contrôle) du service qui a saisi les résultats**. **Ou bien il peut être convenu que les services valident les données qu'ils ont saisies**.

4.1 CONTEXTES DE SAISIE

L'accès à l'interface de création ou modification des contextes s'effectue à partir du *menu Administration*, du *sous-menu Préférences Locales* et de son *sous-menu Contextes*.

Un contexte peut être défini au niveau de un ou plusieurs services ou au niveau individuel. S'il est défini au niveau service, il sera accessible par l'ensemble des personnes du service. S'il est défini au niveau individuel, il n'est accessible que par la personne qui l'a défini.

Si la case "par défaut" est cochée, le contexte est systématiquement rendu actif. Si non, à chaque session, le contexte souhaité doit être rendu actif (bouton )

Il est recommandé d'utiliser les contextes pour appliquer par défaut des filtres préférés ; particulièrement les filtres de lieux et de taxons ce qui réduit la durée d'attente de l'utilisateur.



Les informations contenues dans le contexte (personnel ou de service) sont prioritaires par rapport aux informations contenues dans les stratégies : il faut donc être très vigilant. Par exemple, dans le contexte, il ne faut pas mettre une valeur par défaut pour le préleveur ou l'analyste car elle écrase lors de la saisie toutes les valeurs de préleveurs et d'analystes renseignés dans les stratégies.

Etant donné la complexité des programmes REPHY et REPHYTOX pour le nombre de paramètres et d'analystes, il est fortement recommandé de s'appuyer au maximum sur les stratégies.

4.2 RÈGLES DE CONTRÔLE

Afin de limiter les erreurs de saisie, plusieurs règles de contrôle ont été définies par la coordination REPHY (voir la liste en ANNEXE I, état à la date de ce manuel).

En cas d'incohérences entre les données saisies et les règles, un message d'alerte s'affiche.

Ces règles de contrôles peuvent être bloquantes ou non. Une règle bloquante empêche l'enregistrement des données tant qu'elles ne sont pas conformes à la règle.

Les utilisateurs sont invités à signaler tout problème lié aux règles de contrôle.



4.3 PASSAGE

Un passage peut être décrit par un lieu / date / heure, sur lequel on fait un ou des prélèvement(s).

Cas des lieux surfaciques

Attention, après transformation d'un lieu ponctuel en lieu surfacique, il faut être vigilant lors des premières saisies : si vous dupliquez un passage saisi alors que le lieu était ponctuel, vous aurez le message suivant :



Il faut répondre NON : ainsi le passage héritera de la géométrie du lieu, c'est à dire qu'il sera appliqué à la surface (si vous répondiez OUI, le passage aurait les coordonnées ponctuelles du passage précédent)

Duplication d'un passage et ses fils



Attention :

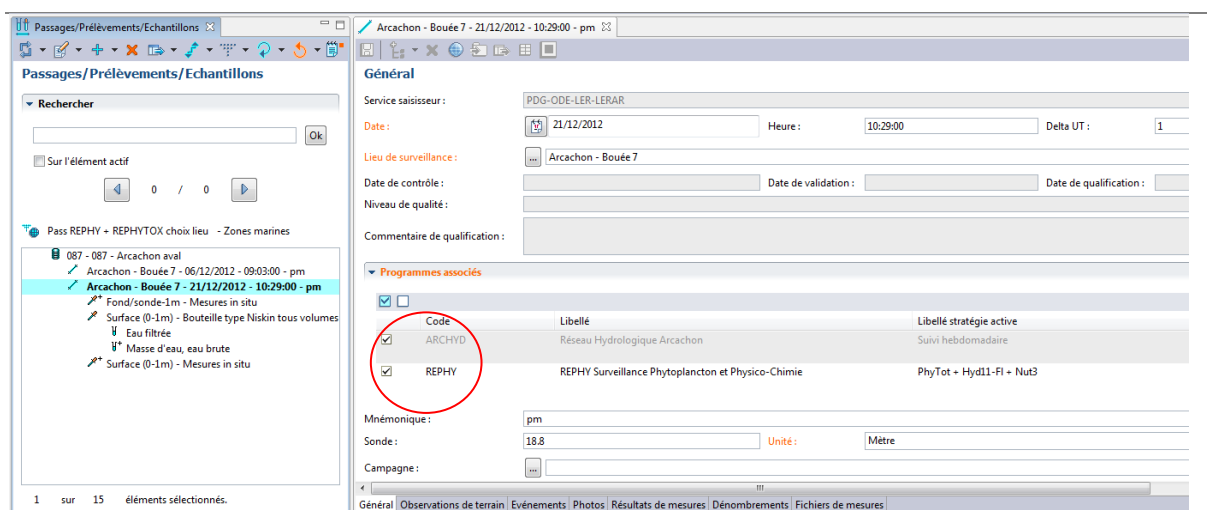
Lors de cette duplication, le service préleveur est celui du prélèvement dupliqué et non pas celui renseigné dans la stratégie. Veiller à le corriger le cas échéant.

Lors de la duplication d'un passage et ses fils, les informations saisies dans les champs "commentaire" sont conservées (attention au risque d'oubli de suppression ou de modification des commentaires, et de conserver indéfiniment des commentaires obsolètes)

4.3.1 PASSAGE / ONGLET GÉNÉRAL

Multi programmes : lors de la saisie d'un passage sur un lieu, tous les programmes pour lesquels le saisisseur a des droits et auxquels le lieu est rattaché, sont cochés par défaut, par exemple ci-dessous un saisisseur ayant les droits sur ARCHYD et REPHY aurait automatiquement les deux programmes cochés.

Dans certains cas, un ou des programmes peuvent être décochés : ceci est à voir au cas par cas, en fonction des résultats qui seront saisis sur les prélèvements et échantillons rattachés à ce passage. Par exemple, si ceux ci concernent exclusivement un seul programme, le ou les autres programmes doivent être décochés. Il est donc recommandé d'être très vigilant et de veiller à la cohérence de la saisie dans son ensemble.

Passages/Prélèvements/Echantillons

Rechercher

Sur l'élément actif

Pass REPHY + REPHYTOX choix lieu - Zones marines

087 - 087 - Arcachon aval

Arcachon - Bouée 7 - 06/12/2012 - 09:03:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 21/12/2012 - 10:29:00 - pm

Fond/sonde-1m - Mesures in situ

Surface (0-1m) - Bouteille type Niskin tous volumes

Eau filtrée

Masse d'eau, eau brute

Surface (0-1m) - Mesures in situ

1 sur 15 éléments sélectionnés.

Général

Service saisisseur : PDG-ODE-LER-LERAR

Date : 21/12/2012 Heure : 10:29:00 Delta UT : 1

Lieu de surveillance : Arcachon - Bouée 7

Date de contrôle : Date de validation : Date de qualification :

Niveau de qualité :

Commentaire de qualification :

Programmes associés

Code	Libellé	Libellé stratégie active
<input checked="" type="checkbox"/> ARCHYD	Réseau Hydrologique Arcachon	Suivi hebdomadaire
<input checked="" type="checkbox"/> REPHY	REPHY Surveillance Phytoplancton et Physico-Chimie	PhyTot + Hyd11-Fi + Nut3

Mnémonique : pm

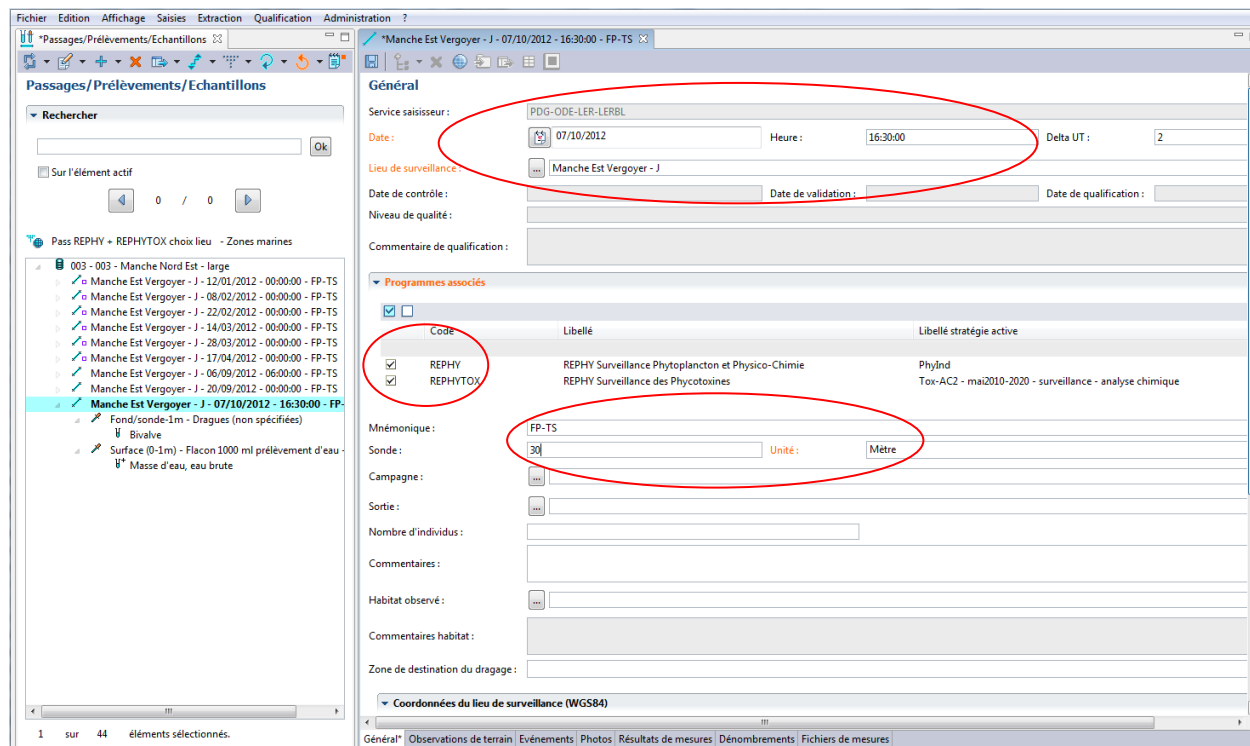
Sonde : 18.8 Unité : Mètre

Campagne :

Général Observations de terrain Evénements Photos Résultats de mesures Dénombrements Fichiers de mesures

⚠ bien veiller à cocher le(s) programme(s) associé(s).

haut de l'écran



Passages/Prélèvements/Echantillons

Rechercher

Sur l'élément actif

Pass REPHY + REPHYTOX choix lieu - Zones marines

003 - 003 - Manche Nord Est - large

Manche Est Vergoyer - J - 12/01/2012 - 00:00:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 08/02/2012 - 00:00:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 22/02/2012 - 00:00:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 14/03/2012 - 00:00:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 28/03/2012 - 00:00:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 17/04/2012 - 00:00:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 06/09/2012 - 06:30:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 20/09/2012 - 00:00:00 - FP-TS

Manche Est Vergoyer - J - 07/10/2012 - 16:30:00 - FP-TS

Fond/sonde-1m - Dragages (non spécifiées)

Bivalve

Surface (0-1m) - Flacon 1000 ml prélèvement d'eau

Masse d'eau, eau brute

1 sur 44 éléments sélectionnés.

Général

Service saisisseur : PDG-ODE-LER-LERBL

Date : 07/10/2012 Heure : 16:30:00 Delta UT : 2

Lieu de surveillance : Manche Est Vergoyer - J

Date de contrôle : Date de validation : Date de qualification :

Niveau de qualité :

Commentaire de qualification :

Programmes associés

Code	Libellé	Libellé stratégie active
<input checked="" type="checkbox"/> REPHY	REPHY Surveillance Phytoplancton et Physico-Chimie	PhyInd
<input checked="" type="checkbox"/> REPHYTOX	REPHY Surveillance des Phycotoxines	Tox-AC2 - mai2010-2020 - surveillance - analyse chimique

Mnémonique : FP-TS

Sonde : 30 Unité : Mètre

Campagne :

Sortie :

Nombre d'individus :

Commentaires :

Habitat observé :

Commentaires habitat :

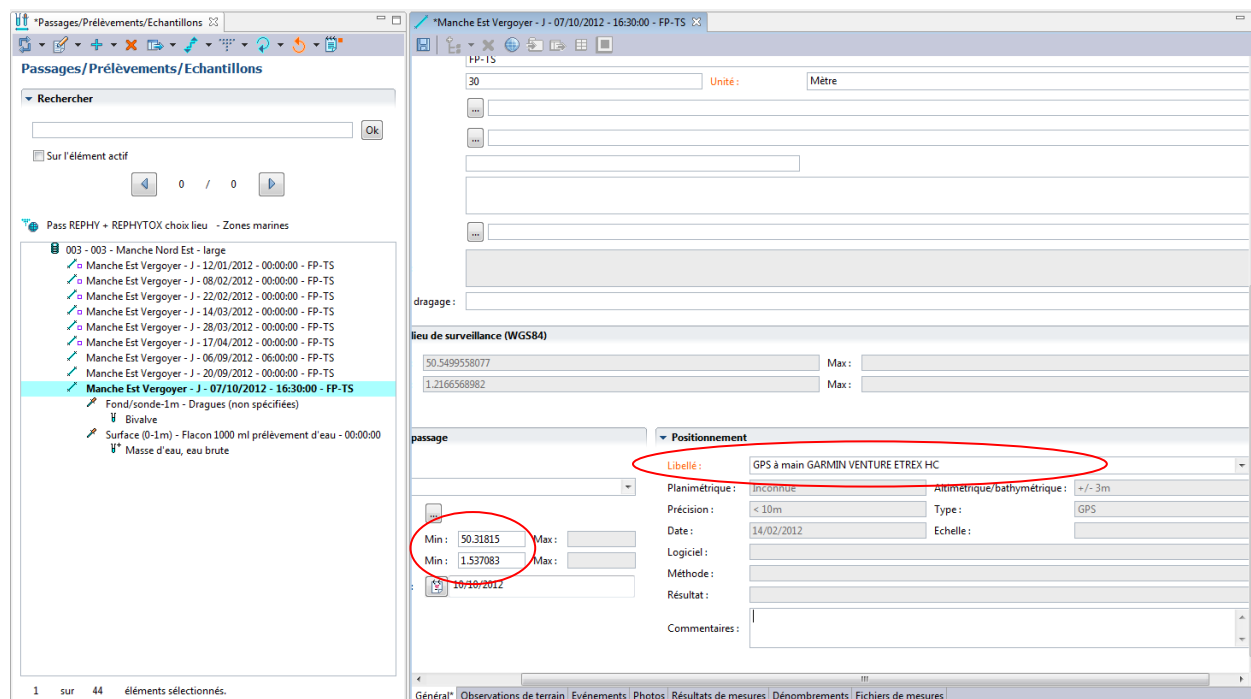
Zone de destination du dragage :

Coordonnées du lieu de surveillance (WG584)

Général Observations de terrain Evénements Photos Résultats de mesures Dénombrements Fichiers de mesures

lieu, date, heure	obligatoire	sauf "Heure" si inconnue le delta UT est renseigné automatiquement
sonde	conseillée si c'est possible	hauteur d'eau au moment du passage
unité de la sonde	si sonde saisie	Obligatoirement en Mètre
mnémonique, commentaires	facultatif et libre	⚠ le mnémo et le commentaire du passage dupliqué sont conservés ⚠ ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)

bas de l'écran



coordonnées du passage

saisie inutile pour un lieu ponctuel, ~~sauf si le passage a été réalisé à plus de 200 m du lieu tel qu'il est décrit dans Q²~~. Si le passage a été réalisé au delà des limites tolérées autour des coordonnées du lieu, les données doivent être saisies sur un autre lieu *ad hoc*.

saisie fortement conseillée pour un lieu surfacique : en effet, sans cela, le passage sera associé à la surface entière, et l'information précise de la localisation du passage sera perdue

lorsque des coordonnées sont saisies, il est **obligatoire** de choisir l'engin de positionnement dans la liste du champ « Positionnement / Libellé »


4.3.2 PASSAGE / ONGLET OBSERVATIONS DE TERRAIN

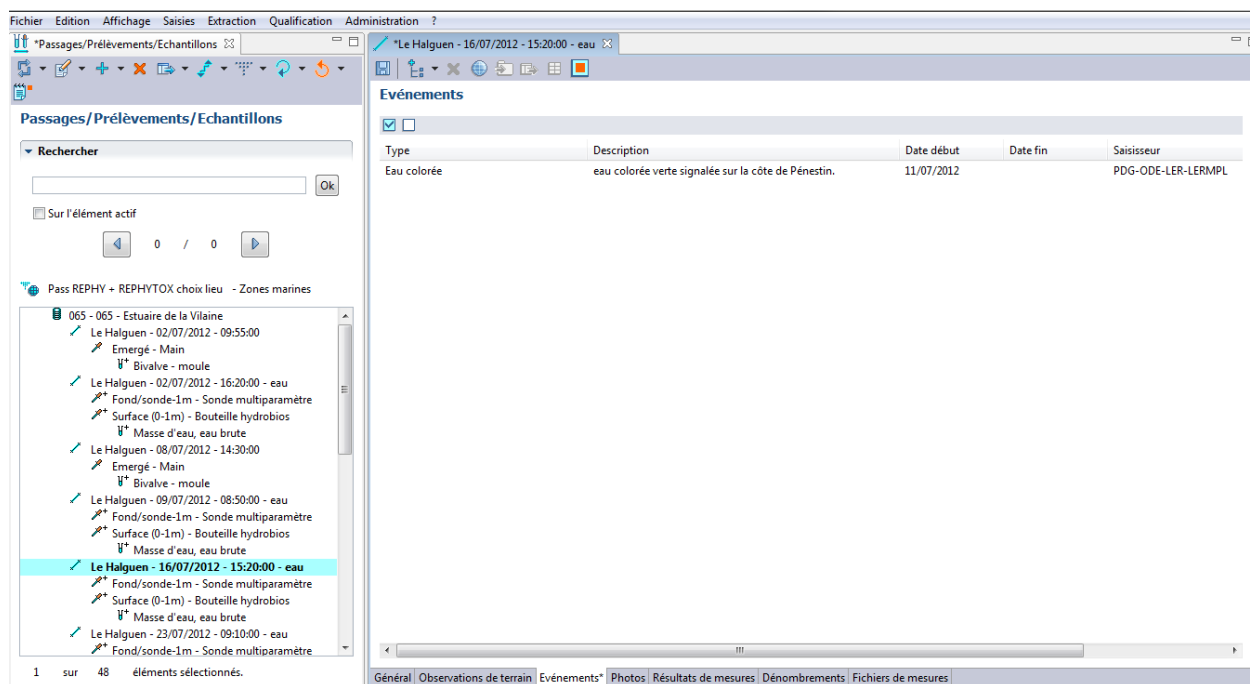
Ne rien saisir.



4.3.3 PASSAGE / ONGLET ÉVÉNEMENTS

Il est possible de rattacher un événement au passage : cet événement doit avoir été décrit auparavant (voir chapitre 4.6 Événements)

Pour rattacher un événement clic droit dans l'onglet « Événements » puis « ajouter à partir du navigateur » ou bouton  bouton



The screenshot shows the 'Evénements' (Events) tab in the Quadrige2 software. The left sidebar displays a list of passages, with 'Le Halguen - 16/07/2012 - 15:20:00 - eau' selected. The main area displays a table of events for this passage.

Type	Description	Date début	Date fin	Saisisseur
Eau colorée	eau colorée verte signalée sur la côte de Pénestin.	11/07/2012		PDG-ODE-LER-LERMPL

The bottom of the interface shows a navigation bar with tabs: Général, Observations de terrain, Événements*, Photos, Résultats de mesures, Dénombrements, and Fichiers de mesures. The 'Événements*' tab is currently active.

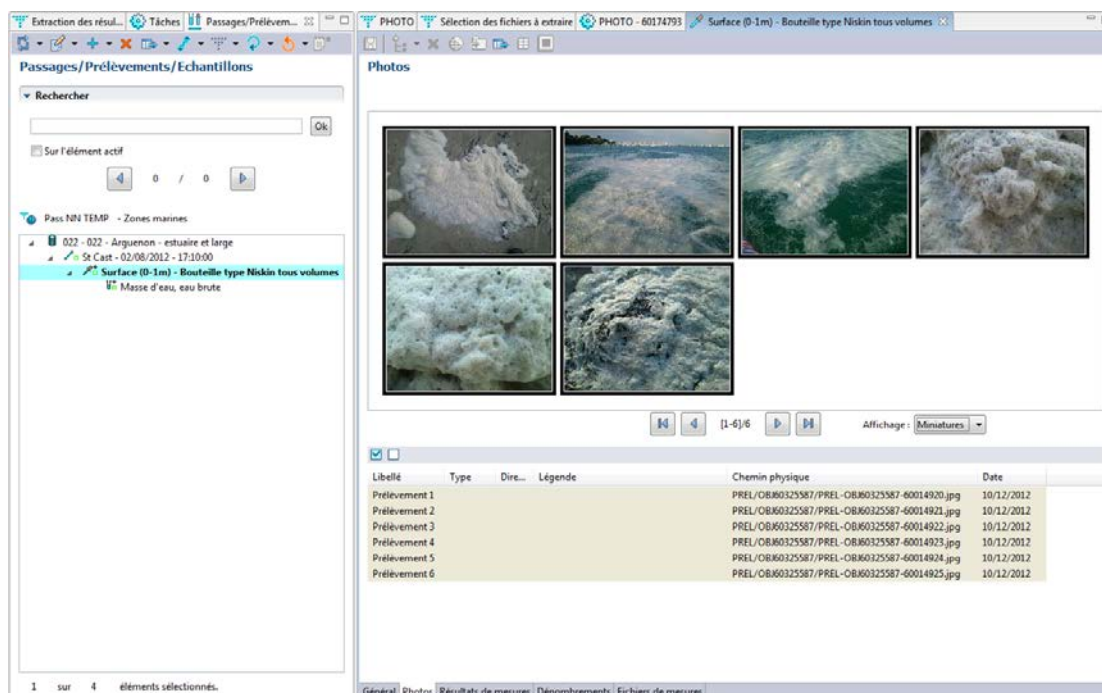
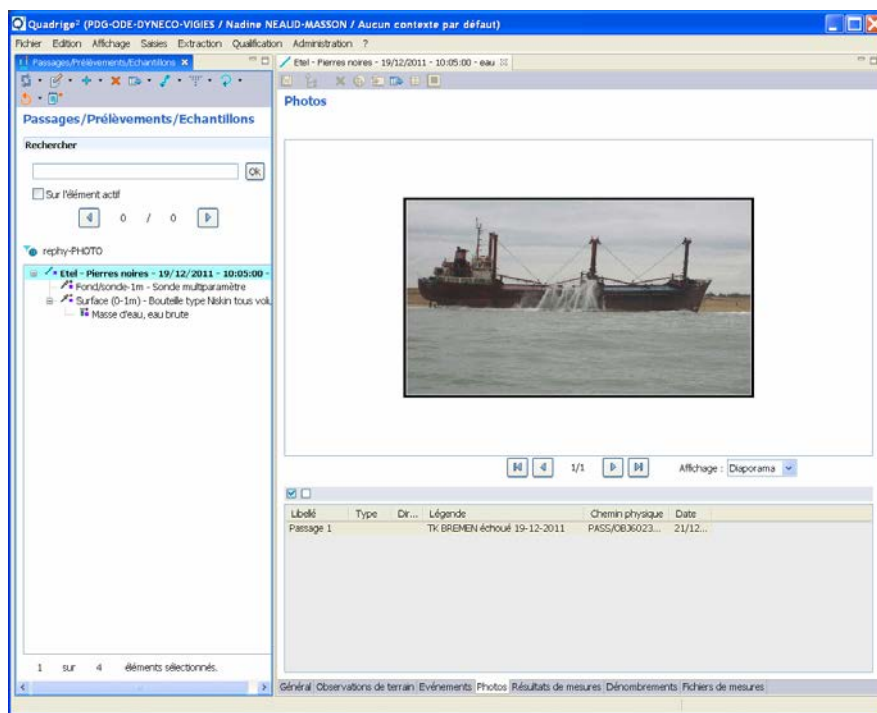


4.3.4 PASSAGE / ONGLET PHOTOS

Il est possible de rattacher une ou des photo(s) au passage : quelques informations sur ces photos doivent alors être saisies. Attention la taille de la photo ne peut pas dépasser 10Mo, il est conseillé de ne pas dépasser 1Mo par photo.

Il est souhaitable d'indiquer le nom du photographe qui a pris la photo ou tout autre Copyright en incrustant la mention souhaitée dans l'image AVANT IMPORT dans Quadrigé²

Pour rattacher une photo clic droit dans l'onglet « Photos » puis « importer » ou bouton 





4.3.5 PASSAGE / ONGLET RÉSULTATS DE MESURES

Ne rien saisir. Aucun paramètre mesure n'est décrit sur le passage dans les stratégies REPHY et REPHYTOX.

4.3.6 PASSAGE / ONGLET DÉNOMBREMENTS

Ne rien saisir. Aucun paramètre dénombrement n'est décrit sur le passage dans les stratégies REPHY et REPHYTOX.

4.3.7 PASSAGE / ONGLET FICHIERS DE MESURES

Ne rien saisir

4.4 PRÉLÈVEMENT

Un prélèvement peut être décrit comme une action consistant à :

- mesurer des paramètres *in situ*,
- prélever un ou des échantillon(s) d'eau ou de coquillages.

Si un passage concerne les deux programmes REMI et REPHYTOX, pour le même taxon prélevé, deux prélèvements distincts doivent être saisis (un REMI, l'autre REPHYTOX) pour héberger les résultats des analyses spécifiques à chaque programme.



Dans la stratégie appliquée au lieu, le **service préleveur** est renseigné. Toutefois, lors de la duplication d'un passage et de ses fils, le service préleveur du prélèvement dupliqué est conservé. Faire donc attention lors d'un changement de service préleveur.

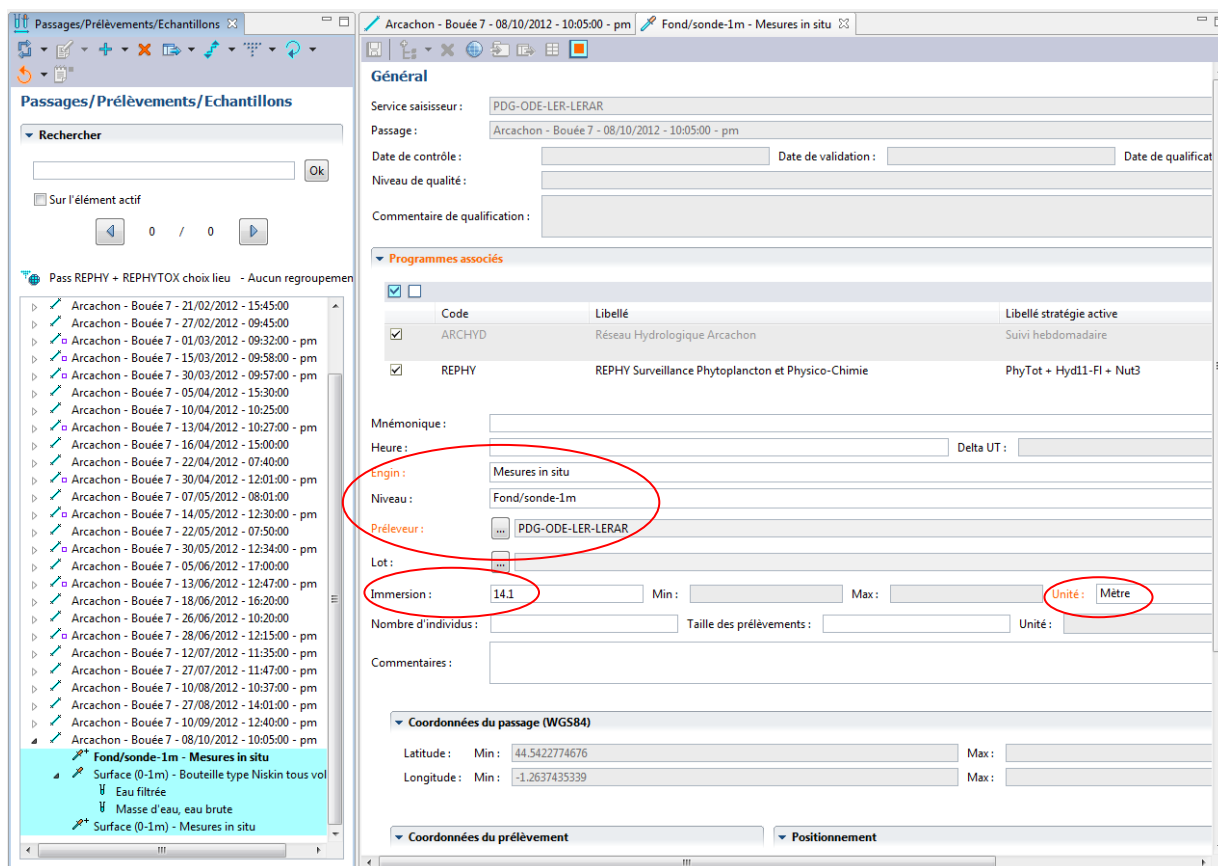
Concernant le **niveau du prélèvement**, la valeur de ce champ est particulièrement importante pour les données servant aux **évaluations DCE**. Les niveaux utilisés doivent être :

- "surface (0-1m)", ou "surface-fond (profondeur <3m)" pour tous les paramètres sauf l'oxygène
- "fond/sonde-1m" ou "surface-fond (profondeur <3m)" pour l'oxygène



4.4.1 PRÉLÈVEMENT / ONGLET GÉNÉRAL

haut de l'écran



Passages/Prélèvements/Echantillons

Rechercher

Sur l'élément actif

Pass REPHY + REPHYTOX choix lieu - Aucun regroupement

Arcachon - Bouée 7 - 21/02/2012 - 15:45:00

Arcachon - Bouée 7 - 27/02/2012 - 09:45:00

Arcachon - Bouée 7 - 01/03/2012 - 09:32:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 15/03/2012 - 09:58:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 30/03/2012 - 09:57:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 05/04/2012 - 15:30:00

Arcachon - Bouée 7 - 13/04/2012 - 10:25:00

Arcachon - Bouée 7 - 16/04/2012 - 10:27:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 16/04/2012 - 15:00:00

Arcachon - Bouée 7 - 22/04/2012 - 07:40:00

Arcachon - Bouée 7 - 30/04/2012 - 12:01:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 07/05/2012 - 08:01:00

Arcachon - Bouée 7 - 14/05/2012 - 12:30:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 22/05/2012 - 07:50:00

Arcachon - Bouée 7 - 30/05/2012 - 12:34:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 05/06/2012 - 17:00:00

Arcachon - Bouée 7 - 13/06/2012 - 12:47:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 18/06/2012 - 16:20:00

Arcachon - Bouée 7 - 26/06/2012 - 10:20:00

Arcachon - Bouée 7 - 28/06/2012 - 12:15:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 12/07/2012 - 11:35:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 27/07/2012 - 11:47:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 10/08/2012 - 10:37:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 27/08/2012 - 14:01:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 10/09/2012 - 12:40:00 - pm

Arcachon - Bouée 7 - 08/10/2012 - 10:05:00 - pm

Fond/sonde-1m - Mesures in situ

Surface (0-1m) - Bouteille type Niskin tous vol

Eau filtrée

Masse d'eau, eau brute

Surface (0-1m) - Mesures in situ

Général

Service saisisseur : PDG-ODE-LER-LERAR

Passage : Arcachon - Bouée 7 - 08/10/2012 - 10:05:00 - pm

Date de contrôle : Date de validation : Date de qualification :

Niveau de qualité :

Commentaire de qualification :

Programmes associés

Code	Libellé	Libellé stratégie active
<input checked="" type="checkbox"/> ARCHYD	Réseau Hydrologique Arcachon	Suivi hebdomadaire
<input checked="" type="checkbox"/> REPHY	REPHY Surveillance Phytoplancton et Physico-Chimie	PhyTot + Hyd11-Fl + Nut3

Mnémonique :

Heure : Delta UT :

Engin : Mesures in situ

Niveau : Fond/sonde-1m

Préleveur : PDG-ODE-LER-LERAR

Lot :

Immersion : 14.1 Min : Max : Unité : Mètre

Nombre d'individus : Taille des prélèvements : Unité :

Commentaires :






Coordonnées du passage (WGS84)

Latitude : Min : 44.5422774676 Max :

Longitude : Min : -1.2637435339 Max :

Coordonnées du prélèvement **Positionnement**



programme(s)	Obligatoire	 Vérifier : REPHY pour prélèvement d'eau surtout pour les lieux communs avec un réseau régional , REPHYTOX pour prélèvement de coquillages
mnémonique	facultatif et libre	 le mnémo du prélèvement dupliqué est conservé  ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)
heure	facultatif	l'heure du passage suffit
engin	Obligatoire	Pour les mesures <i>in situ</i> l'engin = "Mesures in situ" . Voir la liste des engins de prélèvement autorisés dans l'ANNEXE I. "Règles de contrôle REPHY N° 13"
niveau	obligatoire pour les prélèvements d'eau et mesure in situ.	Voir la liste des niveaux dans l'ANNEXE I. "Règles de contrôle REPHY N° 14" Attention pour les données servant à la DCE, Les niveaux utilisés doivent être : (i) "surface (0-1m)", ou "surface-fond (profondeur <3m)" pour tous les paramètres, (ii) à l'exception de l'oxygène pour lequel le niveau doit être "fond/sonde-1m)" ou "surface-fond (profondeur <3m)"
préleveur	Obligatoire	mis par défaut dans la stratégie, modifiable si besoin ( au contexte de saisie)
immersion	obligatoire pour les mesures in situ et les prélèvements d'eau,	saisie facultative pour les coquillages
unité d'immersion	Obligatoire	Obligatoirement en " Mètre "
taille des prélèvements, unité	obligatoire quand l'engin de prélèvement n'a pas de volume	saisie indiquée (par exemple : Bouteille Niskin, la taille peut être 1L, 2L, etc.)
commentaires	facultatif et libre	 ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)
coordonnées du prélèvement	inutile	Les coordonnées du passage suffisent. Si des coordonnées doivent néanmoins être saisies, respecter les mêmes consignes que pour les coordonnées du passage

4.4.2 PRÉLÈVEMENT / ONGLET PHOTOS

Il est possible de rattacher une ou des photo(s) au prélèvement : quelques informations sur ces photos doivent alors être saisies.

4.4.3 PRÉLÈVEMENT / ONGLET RÉSULTATS DE MESURES

Seuls les résultats de mesures *in situ* sont à saisir dans cet onglet qui ne concerne donc que le programme REPHY (mais pas REPHYTOX)

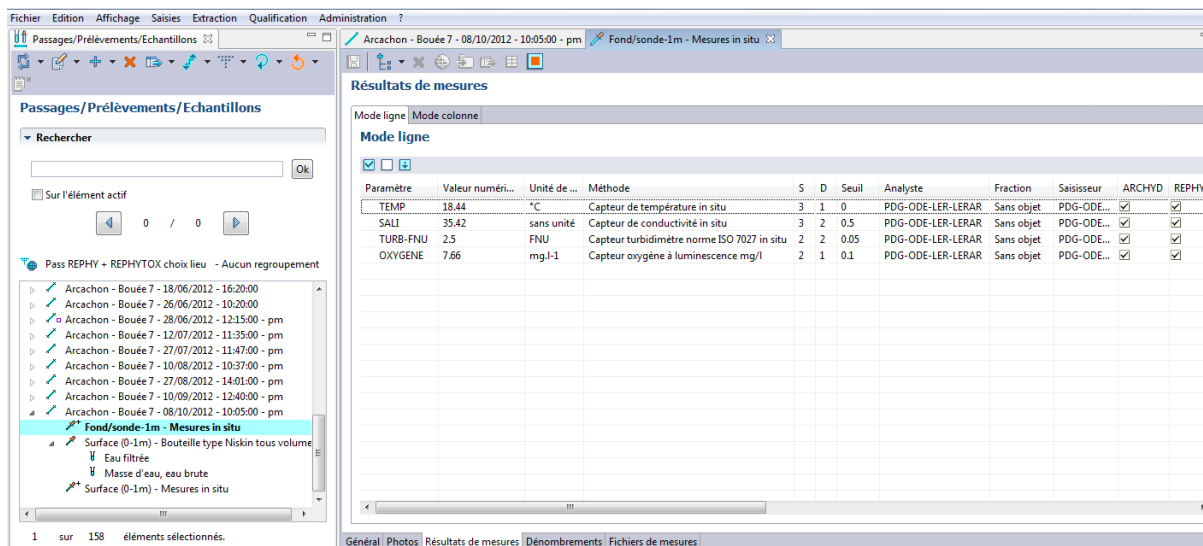
Les informations proposées dans cet onglet proviennent de plusieurs sources, par exemple :

- la stratégie appliquée au lieu / programme est renseignée déjà par : (i) les PSFM pour les mesures *in situ*, (ii) les analystes pour chacun des paramètres. Dans ce cas le service analyste est le même que le service préleveur.
- le référentiel PSFM comporte pour chaque PSFM : l'unité, le nombre significatif de chiffres pour la valeur numérique (S), le nombre maximum conseillé de décimales (D) et le seuil de détection (Seuil)

S et D sont des informations indicatives, mais non bloquantes, il est cependant conseillé de s'y référer pour éviter la saisie de valeurs qui n'ont pas de sens (par exemple avec trop de décimales)

Les valeurs des Seuils indiqués dans les PSFM sont désormais invalides car très variables selon les engins d'analyse (*cf.* les explications sur les LD et les LQ plus bas)

1^{ère} partie de l'écran

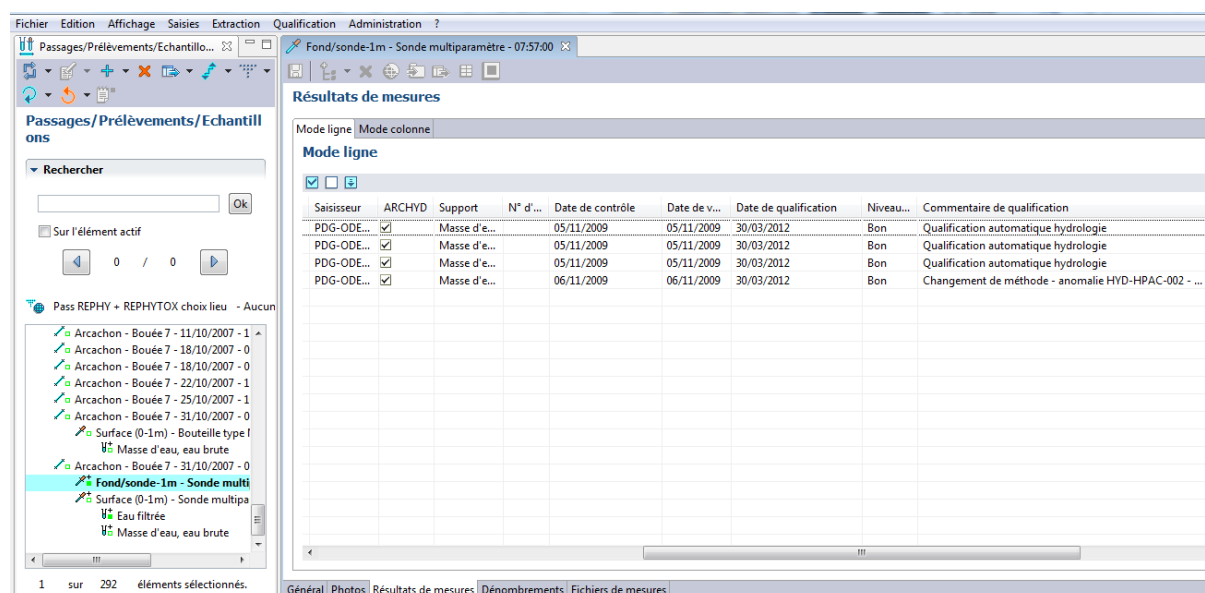



The screenshot shows the REPHY software interface. The top menu bar includes 'Fichier', 'Edition', 'Affichage', 'Saisies', 'Extraction', 'Qualification', and 'Administration'. The main window is titled 'Arcachon - Bouée 7 - 08/10/2012 - 10:05:00 - pm' and 'Fond/sonde-1m - Mesures in situ'. The left sidebar shows a tree view of sample locations, with 'Fond/sonde-1m - Mesures in situ' selected. The main area displays a table of measurement results.

Paramètre	Valeur numéri...	Unité de ...	Méthode	S	D	Seuil	Analyste	Fraction	Saisisseur	ARCHYD	REPHY
TEMP	18.44	°C	Capteur de température in situ	3	1	0	PDG-ODE-LER-LERAR	Sans objet	PDG-ODE...	✓	✓
SALI	35.42	sans unité	Capteur de conductivité in situ	3	2	0.5	PDG-ODE-LER-LERAR	Sans objet	PDG-ODE...	✓	✓
TURB-FNU	2.5	FNU	Capteur turbidimètre norme ISO 7027 in situ	2	2	0.05	PDG-ODE-LER-LERAR	Sans objet	PDG-ODE...	✓	✓
OXYGENE	7.66	mg/l-1	Capteur oxygène à luminescence mg/l	2	1	0.1	PDG-ODE-LER-LERAR	Sans objet	PDG-ODE...	✓	✓



2^{ème} partie de l'écran : informations sur les opérations de contrôle, validation, qualification, etc. (cf. 5)



Paramètre – Support - Fraction – méthode - unité de la mesure (PSFM)	A vérifier	<p>mis par défaut dans la stratégie appliquée au lieu modifiable si besoin en choisissant un autre PSFM</p> <p>si à modifier, un autre PSFM doit être ajouté puis renseigné (en cas de modification définitive prévenir la coordination pour mise à jour de la stratégie à appliquer au lieu)</p> <p>Si un paramètre hors stratégie est ajouté, le programme et l'analyste sont à renseigner (un message le rappelle)</p>
analyste	A vérifier	<p>mis par défaut dans la stratégie, modifiable si besoin</p> <p>(en cas de modification définitive prévenir la coordination pour mise à jour de la stratégie à appliquer au lieu)</p>
programme(s)	A vérifier	<p>les résultats sur le prélèvement ne concernant que REPHY, seul celui ci doit être coché (plus éventuellement un autre réseau hydrologie), mais pas REPHYTOX</p>
valeur numérique	obligatoire	<p>Si le résultat d'un paramètre de la stratégie n'est pas renseigné, il sera supprimé à l'enregistrement (un message le rappelle) mais il pourra à tout moment être réinséré dans la fenêtre de saisie :</p> <ul style="list-style-type: none"> ▪ clic droit : ajouter à partir de la liste ▪ PSFMs des stratégies applicables non saisis ▪ double clic sur les paramètres à ajouter
précision		<p>Concernant les mesures in situ, ne rien saisir¹⁰</p>
commentaires sur le résultat	facultatif	<p>ce champ doit être renseigné si une information est importante pour une future qualification, par exemple : "résultat a priori douteux pour telle ou telle raison..."</p> <p> ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)</p>
engin d'analyse	facultatif	<p>si cette information n'est pas déjà renseignée dans la stratégie</p>

¹⁰ Précision A. Daniel : il est prématuré de remplir le champ précision qui pourrait être utilisé pour saisir une LD ou une LQ , en effet, très peu de labos connaissent les LQ réelles de leur sonde. Il y a bien les précisions et LQ « constructeur » mais il vaudrait mieux dans ce cas les préciser avec le matériel d'analyse quand celui-ci est renseigné




4.4.4 PRÉLÈVEMENT / ONGLET DÉNOMBREMENTS

Ne rien saisir

Aucun paramètre de dénombrement n'est décrit sur le prélèvement dans les stratégies REPHY et à *fortiori* REPHYTOX.

4.4.5 PRÉLÈVEMENT / ONGLET FICHIERS DE MESURES

La grille de saisie des fichiers de mesure s'initialise avec la liste des mêmes PSFMs que dans l'onglet Résultats de mesure.  Tous les PSFMs ne sont pas destinés à la saisie de fichiers. Le PSFM adapté est "SONDE_MULTIPAR_FIC"

Un fichier de mesure ne devra concerner qu'un seul lieu à une seule date. Par exemple, mesures de profils sur la colonne d'eau ou série temporelle de mesures à un même niveau sur même lieu à une même date.

Un fichier de mesure peut être obtenu à l'aide d'une sonde *in situ* munie d'un système enregistreur et qui génère des fichiers de données transférables vers un PC.

Les mesures doivent être sous forme chronologique de la surface au fond puis du fond à la surface pour un profil sur la colonne d'eau, ou chronologique à une même immersion.

Les résultats de mesures devront avoir fait l'objet d'une qualification par le laboratoire analyste avant la saisie dans Quadrige (vérifier que la vitesse de descente ou de montée de la sonde dans la colonne d'eau est compatible avec la fréquence de mesure des capteurs, éventuelle correction des données suite au retour de calibration des capteurs, suppression de toute donnée aberrante, etc...).

L'importation de ces fichiers de mesures dans Q² ne dispense pas de saisir les paramètres ponctuels habituels de la stratégie dans les prélèvements de surface ou de fond dans l'onglet "résultats de mesures".

Le PSFM correspondant à un fichier de mesure *in situ* à l'aide d'une sonde multiparamètres est :

SONDE_MULTIPAR_FIC

Pour les fichiers de mesure, un prélèvement spécifique doit être créé avec :

engin	obligatoire	"Mesure in situ"
niveau	obligatoire	"Colonne d'eau" pour un profil sur la colonne d'eau Ou le niveau correspondant pour une série de mesures temporelles à un même niveau
immersion (en m)	Facultatif	L'information figure dans le fichier de mesure



Passages/Prélèvements/Echantillons

Rechercher

☐ Sur l'élément actif

0 / 0

Pass NN TEMP - Zones marines

061 - 061 - Golfe du Morbihan

Roche Colas - 14/06/2016 - 14:50:00 - eau

Colonne d'eau - Mesures in situ

Fond/sonde-1m - Mesures in situ

Surface (0-1m) - Bouteille type Niskin tous

Masse d'eau, eau brute

Surface (0-1m) - Mesures in situ

Colonne d'eau - Mesures in situ

Général

Service saisisseur : PDG-ODE-LITTORAL-LERMPL

Passage : Roche Colas - 14/06/2016 - 14:50:00 - eau

Date de contrôle : 02/08/2016

Date de validation : 02/08/2016

Date de qu

Programmes associés

☒
☐

Code

Libellé

Libellé stratégie active

☒ REPHY

REPHY Phytoplancton et Physico-Chimie

PhyInd + Hyd11-Sp + Nut3

Mnémonique :

Heure :

Delta UT :

Engin :

Mesures in situ

Niveau :

Colonne d'eau

Préleveur :

LER/MPL/TM

Lot :

Immersion :

Min :

Max :

Unité :

Nombre d'individus :

Taille des prélèvements :

Unité :

Commentaires :

Coordonnées du passage (WGS84)

Général

Photos

Résultats de mesures

Dénombrements

Fichiers de mesures

Format du fichier de mesure avant importation dans Q² : **préparer un seul fichier txt pour tous les paramètres** comprenant dans l'ordre les colonnes :

Date, Heure, Profondeur (m), Valeur mesurée pour le paramètre / unité (les unités doivent être les mêmes que celles des PSFM de la stratégie)

Exemple d'un fichier de mesures :


Date	Heure	Profondeur (m)	Salinité (g/l)	Turbidité (FNU)	Température (°C)
27/12/2016	14:08:27	24.87	35.08	1.1	11.23
27/12/2016	14:08:37	24.81	35.07	1.1	11.24
27/12/2016	14:08:47	24.86	35.06	1.3	11.24
27/12/2016	14:08:57	24.82	35.06	21.5	11.24
27/12/2016	14:09:07	24.83	35.06	1.1	11.23
27/12/2016	14:09:17	24.93	35.07	2.6	11.24
27/12/2016	14:09:27	24.9	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:09:37	24.85	35.07	3.5	11.24
27/12/2016	14:09:47	24.86	35.06	5.8	11.24
27/12/2016	14:09:57	24.96	35.06	8.8	11.24
27/12/2016	14:10:07	24.95	35.06	3	11.24
27/12/2016	14:10:17	24.93	35.07	1.1	11.24
27/12/2016	14:10:27	24.85	35.07	1	11.23
27/12/2016	14:10:37	25.03	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:10:47	25.04	35.07	2.2	11.23
27/12/2016	14:10:57	24.99	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:11:07	25.02	35.07	6.9	11.24
27/12/2016	14:11:17	24.92	35.06	7.2	11.24
27/12/2016	14:11:27	24.9	35.06	23.6	11.23
27/12/2016	14:11:37	24.95	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:11:47	25	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:11:57	24.99	35.06	23.7	11.23
27/12/2016	14:12:07	24.98	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:12:17	25.02	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:12:27	24.99	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:12:37	24.89	35.07	16.4	11.23
27/12/2016	14:12:47	25.01	35.07	23.7	11.23



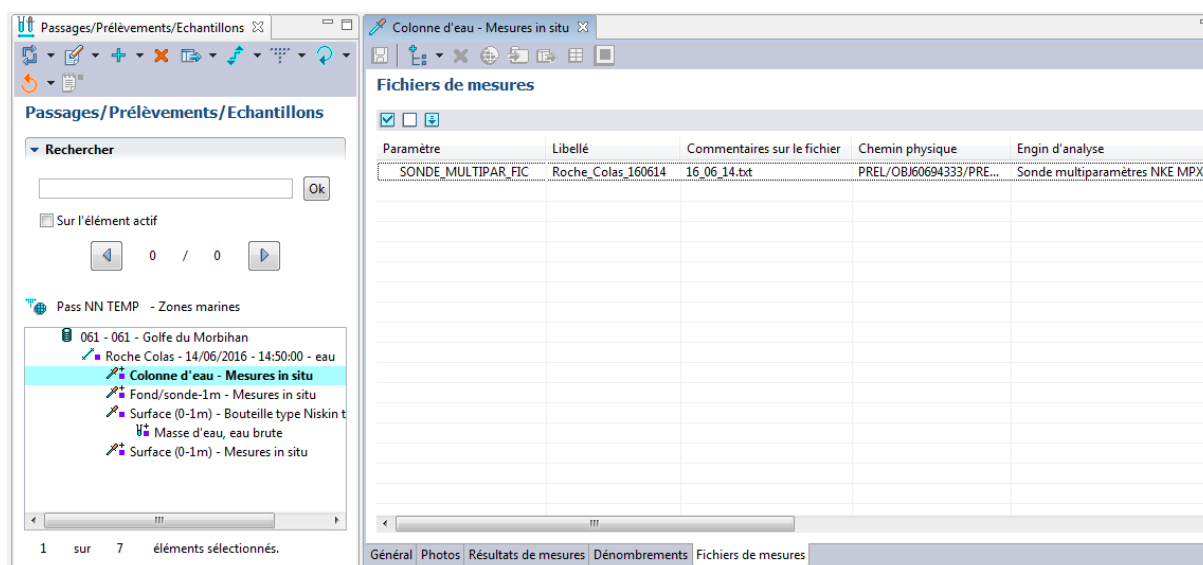
Date	Heure	Profondeur (m)	Salinité (g/l)	Turbidité (FNU)	Température (°C)
27/12/2016	14:12:57	24.99	35.07	23.7	11.23
27/12/2016	14:13:07	24.94	35.07	23.2	11.23
27/12/2016	14:13:17	24.87	35.07	8.4	11.23
27/12/2016	14:13:27	24.91	35.05	22.1	11.23
27/12/2016	14:13:37	25.09	35.06	23.7	11.23
27/12/2016	14:13:47	24.54	35.07	11.1	11.23
27/12/2016	14:13:57	23.95	35.07	1	11.23
27/12/2016	14:14:07	22.96	35.07	0.9	11.22
27/12/2016	14:14:17	21.89	35.06	0.9	11.22
27/12/2016	14:14:27	21.25	35.06	1.2	11.22
27/12/2016	14:14:37	20.67	35.07	0.9	11.22
27/12/2016	14:14:47	19.91	35.07	1	11.22
27/12/2016	14:14:57	18.72	35.06	1	11.21
27/12/2016	14:15:07	17.76	35.04	1	11.2
27/12/2016	14:15:17	17.19	35.03	0.9	11.18
27/12/2016	14:15:27	16.56	35.04	1	11.19
27/12/2016	14:15:37	15.69	35.03	0.9	11.18
27/12/2016	14:15:47	15.12	35.03	0.7	11.18
27/12/2016	14:15:57	14.24	35.02	0.9	11.16
27/12/2016	14:16:07	13.4	34.97	1	11.14
27/12/2016	14:16:17	12.7	35.01	0.7	11.13
27/12/2016	14:16:27	11.86	34.9	0.7	11.08
27/12/2016	14:16:37	11.07	34.85	0.6	11.04
27/12/2016	14:16:47	10.35	34.87	0.7	11.05
27/12/2016	14:16:57	9.72	34.83	0.7	11.01
27/12/2016	14:17:07	9.09	34.86	0.8	11.01
27/12/2016	14:17:17	8.28	34.89	0.7	11.03
27/12/2016	14:17:27	7.37	34.83	0.7	10.99
27/12/2016	14:17:37	6.54	34.86	0.7	11
27/12/2016	14:17:47	6.16	34.85	0.7	10.99
27/12/2016	14:17:57	5.31	34.85	0.8	10.99
27/12/2016	14:18:07	3.83	34.85	0.8	10.99
27/12/2016	14:18:17	3.22	34.85	0.6	11
27/12/2016	14:18:27	2.49	34.85	0.7	11
27/12/2016	14:18:37	1.48	34.85	0.5	11
27/12/2016	14:18:47	1.36	34.85	0.7	10.99
27/12/2016	14:18:57	1.48	34.85	0.7	10.99
27/12/2016	14:19:07	1.35	34.85	0.6	10.99
27/12/2016	14:19:17	1.33	34.85	0.6	10.99
27/12/2016	14:19:27	1.36	34.85	0.8	10.99
27/12/2016	14:19:37	1.34	34.85	0.6	11
27/12/2016	14:19:47	1.29	34.85	0.7	11
27/12/2016	14:19:57	1.28	34.85	0.7	11
27/12/2016	14:20:07	1.24	34.85	0.7	11
27/12/2016	14:20:17	1.3	34.84	0.6	10.99
27/12/2016	14:20:27	1.28	34.84	0.6	10.99
27/12/2016	14:20:37	1.37	34.84	0.6	10.99
27/12/2016	14:20:47	1.26	34.84	0.7	10.99
27/12/2016	14:20:57	1.33	34.85	0.6	11
27/12/2016	14:21:07	1.4	34.84	0.8	11
27/12/2016	14:21:17	1.25	34.84	0.6	10.99
27/12/2016	14:21:27	1.35	34.85	0.6	10.99
27/12/2016	14:21:37	1.21	34.84	0.6	10.99




Dans l'onglet fichier de mesure du prélèvement, on retrouve par défaut **tous** les PSFMs de la stratégie appliquée au lieu dont le PSFM "SONDE_MULTIPAR_FIC" (les seuils, unités, nombre de chiffres significatifs ou de décimales ne sont pas renseignés).

Pour importer le fichier de mesure, sélectionner le paramètre "SONDE_MULTIPAR_FIC", et surtout pas l'un des autres PSFM affiché, puis avec le bouton  ou en effectuant un clic droit et en cliquant sur « importer », un explorateur s'ouvre pour vous permettre de sélectionner le fichier dans vos répertoires. Cliquer sur « Ouvrir » et le fichier sera rattaché, vous devez alors saisir un libellé pour le fichier. Puis enregistrez la saisie et le champ "Chemin physique" sur le serveur Quadrigé sera renseigné automatiquement.






Ecran de saisie après enregistrement



libellé	obligatoire	doit être renseigné par l'intitulé du fichier de mesure qui a été importé car, après l'enregistrement, un nouveau chemin physique est attribué par Q ² sur le serveur de fichiers de la base.
commentaires	facultatif	exemple : N° d'inventaire de la sonde...  ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)

Pour récupérer ces fichiers de mesure, 2 solutions :

- directement dans la fenêtre de mesure : sélection du paramètre puis bouton exporté
- par extraction des résultats : l'extraction contient le(s) fichier(s) TXT correspondant au fichier de mesure importé et qui porte le numéro d'identifiant du prélèvement, 1 fichier CSV comprenant les infos du passage et qui fait le lien avec les fichiers txt via le numéro identifiant et un fichier zip qui contient le tout.

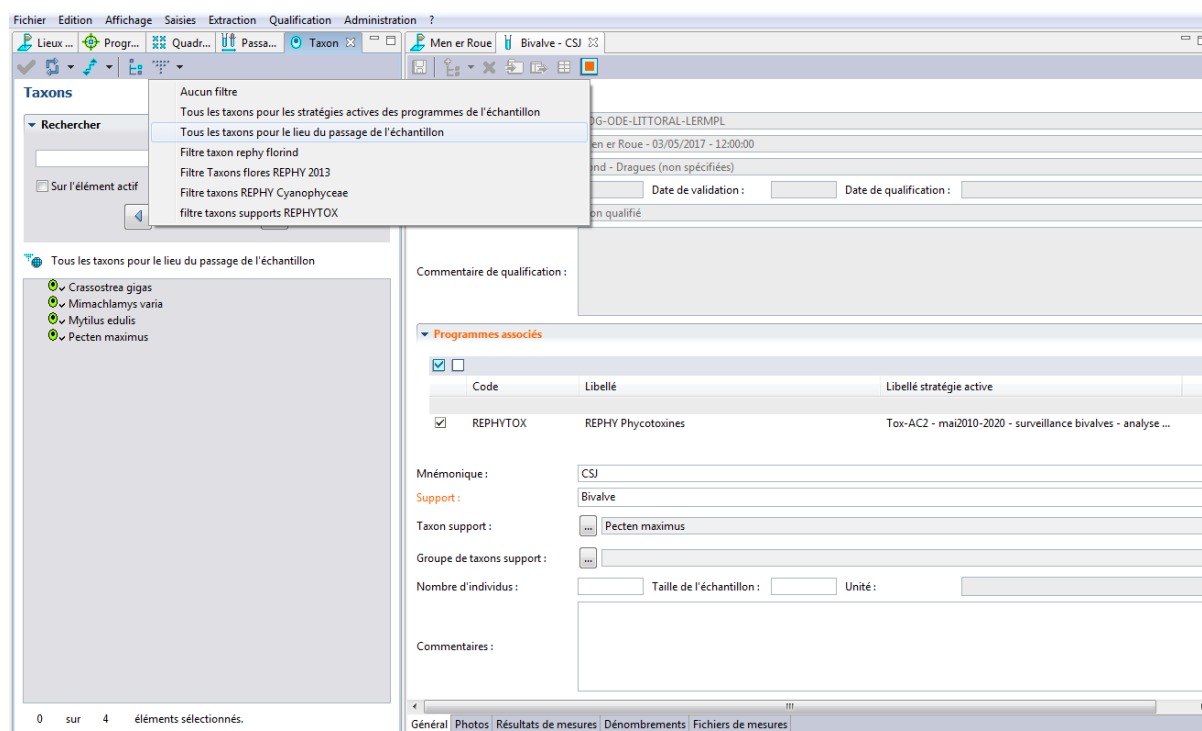
	PREL-OBJ60711622-60025500.TXT	15/09/2017 10:12	Document texte	5 Ko
	PREL-OBJ60711904-60025159.TXT	15/09/2017 10:12	Document texte	6 Ko
	PREL-OBJ60711915-60025160.TXT	15/09/2017 10:12	Document texte	4 Ko
	Q2_170915_60174776_REPHY Fichier mesures_FILEMEAS.csv	15/09/2017 10:12	Fichier CSV Micro...	19 Ko
	Q2_170915_60174776_REPHY Fichier mesures_FILEMEAS.zip	15/09/2017 10:12	Filzip file	414 Ko



4.5 ECHANTILLON

Un échantillon est décrit par son support, et, par son taxon support lorsque le support représente un groupe de taxons (Bivalve, Gastéropode, etc.).

Le filtre « Tous les taxons pour le lieu du passage de l'échantillon » donne la liste des taxons présents sur le lieu (indépendamment du programme).



Taxons

Rechercher

☐ Sur l'élément actif

Tous les taxons pour le lieu du passage de l'échantillon

- Crassostrea gigas
- Mimachlamys varia
- Mytilus edulis
- Pecten maximus

0 sur 4 éléments sélectionnés.

Commentaire de qualification :

Programmes associés

Code	Libellé	Libellé stratégie active
<input checked="" type="checkbox"/>	REPHYTOX	REPHY Phycotoxines

Mnémonique : CSJ

Support : Bivalve

Taxon support : Pecten maximus

Groupe de taxons support :

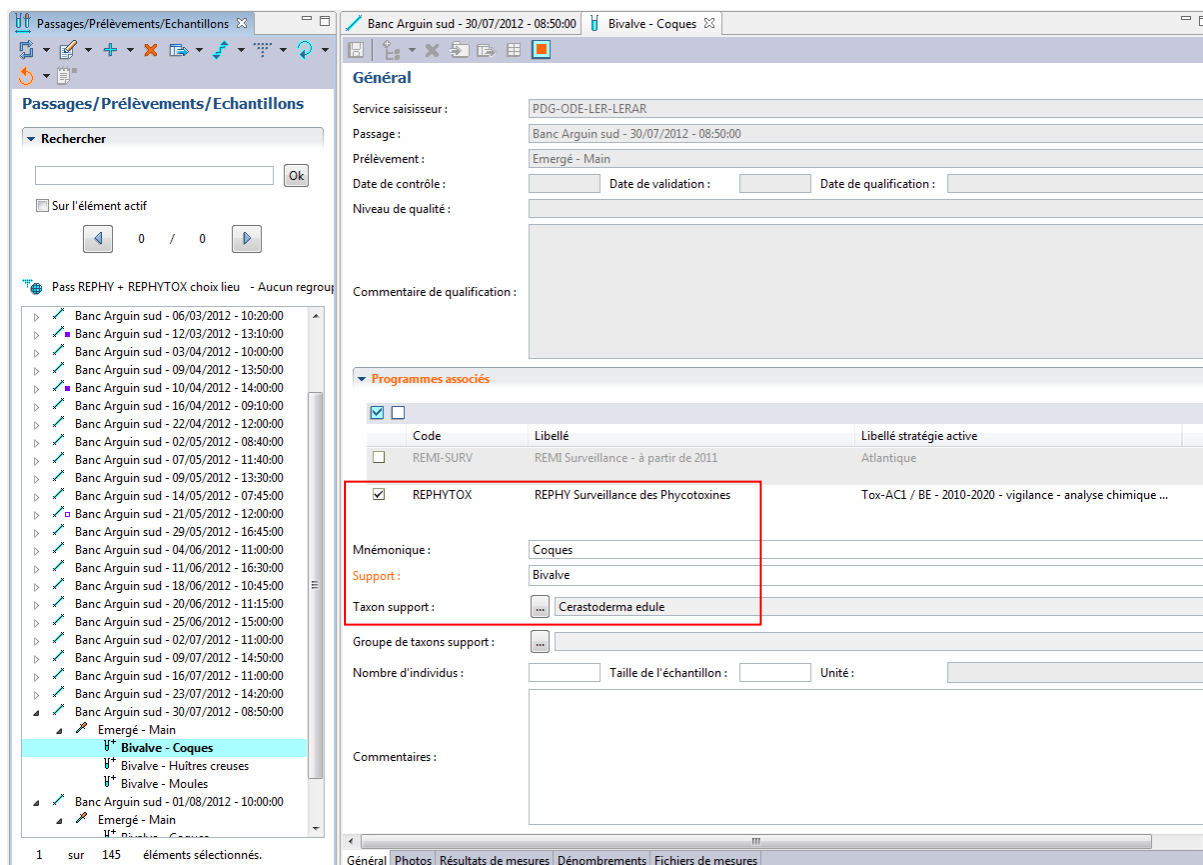
Nombre d'individus : Taille de l'échantillon : Unité :



Commentaires :

Général Photos Résultats de mesures Dénombrements Fichiers de mesures



4.5.1 ECHANTILLON / ONGLET GÉNÉRAL



programme(s)	A vérifier	REPHY pour échantillon d'eau, REPHYTOX pour échantillon de coquillages
mnémonique	facultatif et libre	 ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)
support	obligatoire	Masse d'eau, eau brute Macrophytes (ex : échantillons epi-benthique pour recherche d' <i>Ostreopsis</i>) Eau filtrée (ex : échantillons pour analyse des nutriments) Bivalve Gastéropode etc.
taxon support	obligatoire	si le support représente un groupe de taxons (Bivalve, Gastéropode, etc.)
commentaires	facultatif et libre	 ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)
nombre d'individus, taille de l'échantillon, unité		ne pas renseigner



4.5.2 ECHANTILLON / ONGLET PHOTOS

Il est possible de rattacher une ou des photo(s) à l'échantillon : quelques informations sur ces photos doivent alors être saisies

4.5.3 ECHANTILLON / ONGLET RÉSULTATS DE MESURES

Tous les résultats de mesures en dehors de celles *in situ* sont à saisir dans cet onglet, qui peut donc concerner l'un ou l'autre des deux programmes REPHY et REPHYTOX.

Les informations proposées dans cet onglet proviennent de plusieurs sources, par exemple :

- la stratégie appliquée au lieu / programme renseigne déjà : (i) les PSFM pour les mesures à l'exception de celles *in situ*, (ii) les analystes pour chacun des paramètres
- le référentiel PSFM comporte pour chaque PSFM : l'unité, le nombre significatif de chiffres pour la valeur numérique (S), le nombre maximum conseillé de décimales (D) et le seuil de détection (Seuil)

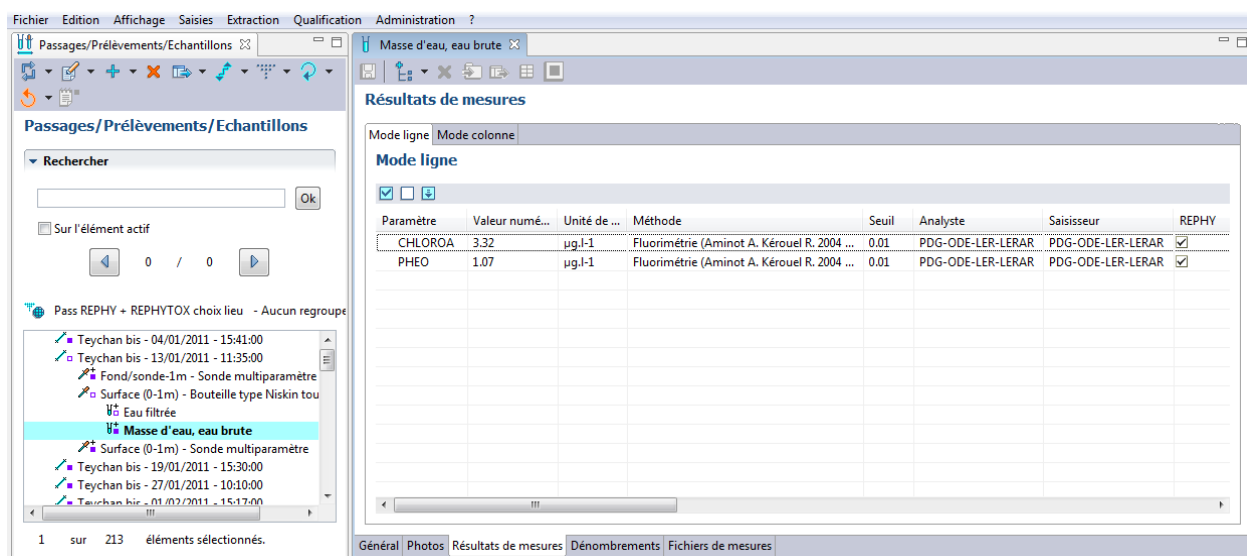
S et D sont des informations indicatives, mais non bloquantes, il est cependant conseillé de s'y référer pour éviter la saisie de valeurs qui n'ont pas de sens (par exemple avec trop de décimales)

le Seuil est une information désormais invalide (*cf.* les explications sur les LD et les LQ plus bas).



ECHANTILLON EAU

1^{ère} partie de l'écran pour un échantillon (exemples avec support masse d'eau, eau brute)



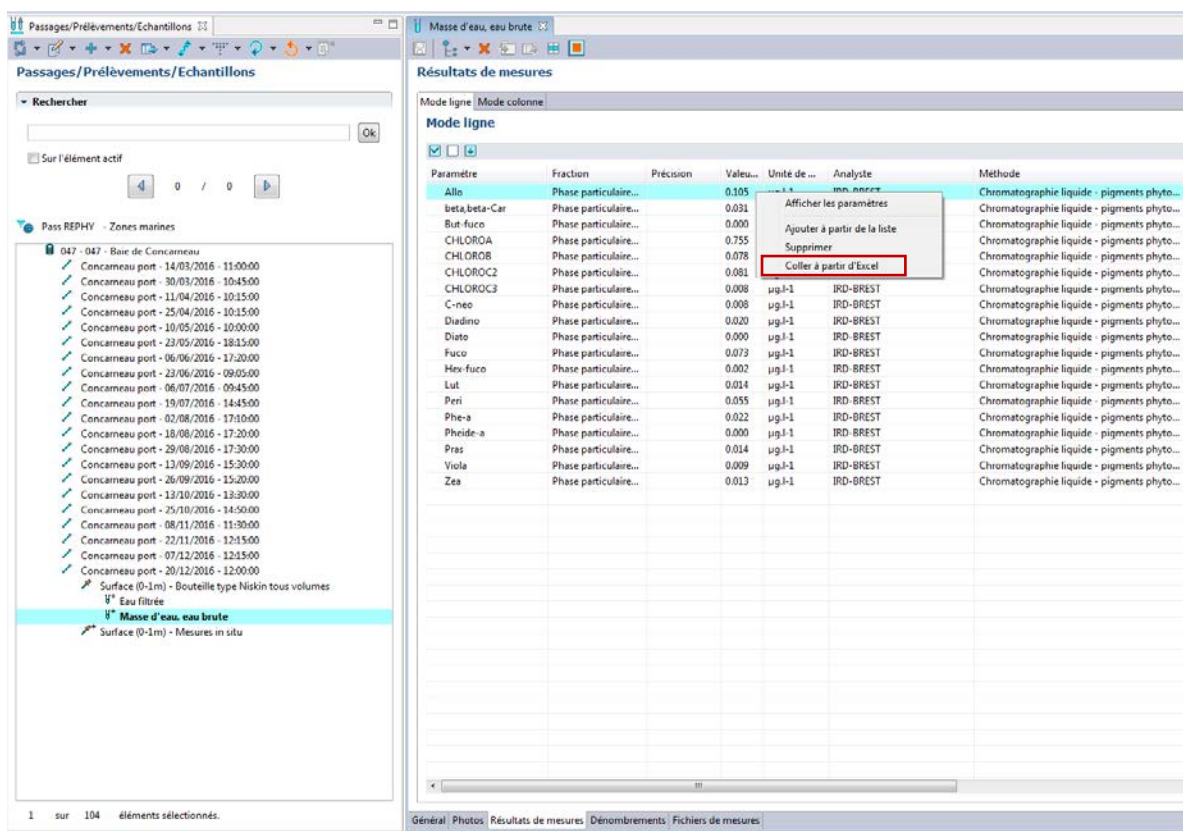
Résultats de mesures

Mode ligne | Mode colonne

Mode ligne

Paramètre	Valeur numé...	Unité de ...	Méthode	Seuil	Analyste	Saisisseur	REPHY
CHLOROA	3.32	µg.l-1	Fluorimétrie (Aminot A. Kéruec R. 2004 ...)	0.01	PDG-ODE-LER-LERAR	PDG-ODE-LER-LERAR	✓
PHEO	1.07	µg.l-1	Fluorimétrie (Aminot A. Kéruec R. 2004 ...)	0.01	PDG-ODE-LER-LERAR	PDG-ODE-LER-LERAR	✓

Général | Photos | Résultats de mesures | Dénombrements | Fichiers de mesures



Résultats de mesures

Mode ligne | Mode colonne

Mode ligne

Paramètre	Fraction	Précision	Valeur...	Unité de ...	Analyste	Méthode
Allo	Phase particulaire...		0.105	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
beta, beta-Car	Phase particulaire...		0.031	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
But-fuco	Phase particulaire...		0.000	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
CHLOROA	Phase particulaire...		0.755	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
CHLOROB	Phase particulaire...		0.078	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
CHLOROC2	Phase particulaire...		0.081	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
CHLOROC3	Phase particulaire...		0.008	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
C-neo	Phase particulaire...		0.008	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Diadino	Phase particulaire...		0.020	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Diato	Phase particulaire...		0.000	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Fuco	Phase particulaire...		0.073	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Hex-fuco	Phase particulaire...		0.002	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Lut	Phase particulaire...		0.014	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Peri	Phase particulaire...		0.055	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Phe-a	Phase particulaire...		0.022	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Pheide-a	Phase particulaire...		0.000	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Pras	Phase particulaire...		0.014	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Viola	Phase particulaire...		0.009	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...
Zea	Phase particulaire...		0.013	µg.l-1	IRD-BREST	Chromatographie liquide - pigments phyto...

Général | Photos | Résultats de mesures | Dénombrements | Fichiers de mesures


Lorsqu'on dispose d'un tableau d'une liste de résultats on peut utiliser la fonction copier/coller.

Il faut bien veiller à ce que l'ordre des paramètres soit identique.

Pour appliquer cette fonction, consulter le tutoriel en ligne sur le site de la cellule Quadrige²

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/FAQ2



Paramètre – Support - Fraction – méthode - unité de la mesure (PSFM)	A vérifier	<p>mis par défaut dans la stratégie appliquée au lieu modifiable si besoin en choisissant un autre PSFM</p> <p>si à modifier, un autre PSFM doit être ajouté puis renseigné (en cas de modification définitive prévenir la coordination pour mise à jour de la stratégie à appliquer au lieu)</p> <p>Si un paramètre hors stratégie est ajouté, le programme et l'analyste sont à renseigner (un message le rappelle)</p>
analyste	A vérifier	<p>mis par défaut dans la stratégie, modifiable si besoin</p> <p>(en cas de modification définitive prévenir la coordination pour mise à jour de la stratégie à appliquer au lieu)</p>
programme(s)	A vérifier	<p>les résultats sur un échantillon d'eau ne concernant que REPHY, seul celui ci doit être coché (plus éventuellement un autre réseau hydrologie), mais pas REPHYTOX</p>
valeur numérique	obligatoire	<p>Si le résultat d'un paramètre de la stratégie n'est pas renseigné, il sera supprimé à l'enregistrement (un message le rappelle) mais il pourra à tout moment être réinséré dans la fenêtre de saisie :</p> <ul style="list-style-type: none"> ▪ clic droit : ajouter à partir de la liste ▪ PSFMs des stratégies applicables non saisis ▪ double clic sur les paramètres à ajouter
précision	obligatoire dans les deux seuls cas suivants	<p>s'il s'agit d'une valeur inférieure à une limite de détection (LD), choisir la précision "Inf. LD" et renseigner la valeur numérique avec la limite de détection valide pour le paramètre et pour le laboratoire d'analyse</p> <p>s'il s'agit d'une valeur inférieure à une limite de quantification (LQ), choisir la précision "Inf. LQ" et renseigner la valeur numérique avec la limite de quantification valide pour le paramètre et pour le laboratoire d'analyse</p>
commentaires sur le résultat	facultatif	<p>ce champ doit être renseigné si une information est importante pour une future qualification, par exemple : "résultat a priori douteux pour telle ou telle raison..."</p> <p> ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)</p>
engin d'analyse	facultatif	<p>si cette information n'est pas déjà renseignée dans la stratégie</p>



ECHANTILLON COQUILLAGES

Si un même échantillon de coquillages est testé ou analysé pour plusieurs familles de toxines, tous les résultats doivent être saisis dans le même échantillon y compris si la fraction analysée est différente (cas des muscles et gonades des coquilles saint jacsques).

Exemples d'écrans pour un échantillon avec support bivalve

Résultats de mesures

Mode ligne | Mode colonne

Mode ligne

Paramètre	Fraction	Précision	Valeu...	Unité de ...	Valeur qualitative	S	Analyste	Méthode
SVSOURMED	Glande digestive (...)		374	min		3	PDG-ODE-LITTORAL-LERPC	ANSES LNRBN
SVSOURIL	Glande digestive (...)		395	min		3	PDG-ODE-LITTORAL-LERPC	ANSES LNRBN
SVSOURI2	Glande digestive (...)		374	min		3	PDG-ODE-LITTORAL-LERPC	ANSES LNRBN
SVSOURB	Glande digestive (...)		343	min		3	PDG-ODE-LITTORAL-LERPC	ANSES LNRBN
SYMPTSOUL	Glande digestive (...)			sans unité	typique sans diarrhée		PDG-ODE-LITTORAL-LERPC	Examen visuel
SYMPTSOU2	Glande digestive (...)			sans unité	typique sans diarrhée		PDG-ODE-LITTORAL-LERPC	Examen visuel
SYMPTSOU3	Glande digestive (...)			sans unité	typique sans diarrhée		PDG-ODE-LITTORAL-LERPC	Examen visuel
AO-libre	Glande digestive (...)		75.5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
AO-total	Glande digestive (...)		130.7	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
DTX-2-libre	Glande digestive (...)	Inf. LD	7	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
DTX-2-total	Glande digestive (...)	Inf. LD	7	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
DTX-1-libre	Glande digestive (...)	Inf. LD	7	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
DTX-1-total	Glande digestive (...)	Inf. LD	7	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
PTX-1	Glande digestive (...)	Inf. LD	3	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
PTX-2	Glande digestive (...)	Inf. LQ	10	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
AO+DTXs+PTXs-TEFs	Glande digestive (...)		131	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
AZA-1	Glande digestive (...)	Inf. LD	3	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
AZA-2	Glande digestive (...)	Inf. LD	3	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
AZA-3	Glande digestive (...)	Inf. LD	3	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
AZAs-TEFs	Glande digestive (...)	Inf. LD	3	µg.kg-1		4	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
YTX	Glande digestive (...)	Inf. LD	5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
Homo-YTX	Glande digestive (...)	Inf. LD	5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
45-OH-YTX	Glande digestive (...)	Inf. LD	5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
45-OH-homo-YTX	Glande digestive (...)	Inf. LD	5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
YTXs-TEFs	Glande digestive (...)	Inf. LD	5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
GVM-A	Glande digestive (...)	Inf. LD	1.5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
GVM-B	Glande digestive (...)	Inf. LD	1.5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B
SPX-desMe-C	Glande digestive (...)	Inf. LD	0.5	µg.kg-1		3	PDG-ODE-DYNECO-PHYC	ANSES PBM B

Général | Photos | Résultats de mesures | Dénombrements | Fichiers de mesures

Résultats de mesures


Mode ligne | Mode colonne

Mode ligne

Paramètre	Fraction	Préci...	Valeu...	Seuil	Unité de ...	Analyste	Méthode	Support	REPH
TOXPSP	Chair totale égouttée	< val...	350	350	µg.kg-1	PDG-ODE-LER-LERLR	Test souris PSP / quantification...	Bivalve	✓
ASP	Chair totale égouttée		19.7	0.15	mg.kg-1	LAVD76	CL/UV toxines amnésiantes	Bivalve	✓
ASP	Muscle + gonade	Inf. LQ	1	0.15	mg.kg-1	LAVD76	CL/UV toxines amnésiantes	Bivalve	✓
AO-libre	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
AO-to...	Chair totale égouttée	Inf. LQ	12.5	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
DTX-2...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
DTX-2...	Chair totale égouttée	Inf. LD	4.2	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
DTX-1...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
DTX-1...	Chair totale égouttée	Inf. LD	4.2	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
PTX-1...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	1.5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
PTX-2	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	1.5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
AO+D...	Chair totale égouttée	Inf. LQ	12.5	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
AZA-1	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	1	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
AZA-2	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	1	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
AZA-3	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	1	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
AZAs...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	1	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
YTX	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
Homo...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
45-OH...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
45-OH...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
YTXs...	Chair totale égouttée	Inf. LD	3.3	5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
GVM-A	Chair totale égouttée	Inf. LD	1.0	1.5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓
CDV...	Chair totale égouttée	Inf. LD	2.2	0.5	µg.kg-1	LDFD	CL-SM/SM toxines lipophiles 2...	Bivalve	✓

Général | Photos | Résultats de mesures | Dénombrements | Fichiers de mesures



Paramètre – Support - Fraction – méthode - unité de la mesure (PSFM)	A vérifier	<p>mis par défaut dans la stratégie appliquée au lieu</p> <p>modifiable si besoin en choisissant un autre PSFM</p> <p>si à modifier, un autre PSFM doit être ajouté puis renseigné (en cas de modification définitive prévenir la coordination pour mise à jour de la stratégie à appliquer au lieu)</p> <p>Si un paramètre hors stratégie est ajouté, le programme et l'analyste sont à renseigner (un message le rappelle)</p>
analyste	A vérifier	<p>mis par défaut dans la stratégie, modifiable si besoin</p> <p>(en cas de modification définitive prévenir la coordination pour mise à jour de la stratégie à appliquer au lieu)</p>
programme(s)	A vérifier	<p>les résultats sur un échantillon de coquillages ne concernant que REPHYTOX, seul celui ci doit être coché</p>
valeur numérique	Obligatoire (sauf pour PSFMs demandant une valeur qualitative)	<p>Si le résultat d'un paramètre de la stratégie n'est pas renseigné, il sera supprimé à l'enregistrement (un message le rappelle) mais il pourra à tout moment être réinséré dans la fenêtre de saisie :</p> <ul style="list-style-type: none"> ▪ clic droit : ajouter à partir de la liste ▪ PSFMs des stratégies applicables non saisis ▪ double clic sur les paramètres à ajouter
valeur qualitative	Obligatoire dans les seuls cas suivants	<p>pour les paramètres "symptômes souris" demandant une valeur qualitative</p>
précision	obligatoire dans les seuls cas suivants	<p>s'il s'agit d'une valeur inférieure à une limite de détection (LD), choisir la précision "Inf. LD", une limite de quantification (LQ), choisir la précision "Inf. LQ" et renseigner la valeur numérique avec la limite de détection ou la limite de quantification valide pour le paramètre et pour le laboratoire d'analyse</p> <p>pour les bio-essais toxines lipophiles, les résultats des paramètres SVSOURI1, SVSOURI2, SVSOURI3 et SVSOURMED, sont saisis avec une précision "> valeur" et une valeur numérique = 1440 lorsque la souris est survivante</p> <p>pour les bio-essais PSP, lorsque le temps de survie médian des souris est supérieur à une heure, le paramètre TOXPSP est saisi avec la précision "Inf. LD"</p>
commentaires sur le résultat	facultatif	<p>ce champ doit être renseigné si une information est importante pour une future qualification, par exemple : "résultat a priori douteux pour telle ou telle raison..."</p> <p> ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)</p>
engin d'analyse	facultatif	<p>si cette information n'est pas disponible dans la stratégie</p>



Informations supplémentaires

Cas des résultats pour les Bio-essais toxines lipophiles : le temps de survie de chacune des souris est calculé en fonction de l'heure de l'injection et de l'heure de la mort. Si la mort survient pendant une période d'absence (la nuit par exemple), le temps de survie est estimée en milieu de la période d'absence d'observation (exemple : entre 18h et 8h du matin, le moment de la mort est estimée à 1 heure du matin), et le symptôme souris est "non observée : mort nocturne". Le temps de survie médian est déduit des temps de survie des trois souris.

Le paramètre qualitatif pour les symptômes souris est à saisir depuis 2013 pour chaque souris, avec les trois paramètres suivants : **SYMPTSOU1**, **SYMPTSOU2**, **SYMPTSOU3**, correspondant respectivement à SVSOURI1, SVSOURI2 et SVSOURI3. [Cette information figure sur le rapport d'essai du laboratoire analyste.](#)

La liste des valeurs qualitatives associées à ces symptômes souris est la suivante :

Valeurs qualitatives associées

☒ ☐

Libellé

typique avec diarrhée
typique sans diarrhée
atypique : neurologique, convulsion
non observée : mort nocturne
survie affaiblie

Cas des bio-essais toxines lipophiles sur **glandes digestives cuites** : ne pas saisir ces résultats, car ce sont des résultats d'études.

Pour les résultats des analyses chimiques des toxines lipophiles, ne plus jamais utiliser la précision "< valeur". Il faut utiliser "Inf. LD" et "Inf. LQ"

Pour faciliter la saisie des valeurs des résultats des analyses chimiques des toxines lipophiles, qui comprennent de nombreux paramètres, consulter le tutoriel en ligne sur le site de la cellule Quadrige²

http://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/FAQ2

Copier une colonne de Excel vers Quadrige : quelles sont les contraintes?

Copier une colonne de Excel vers Quadrige : comment saisir des limites de détection à répétition?

Pour appliquer ces techniques de saisie, il faut préparer le tableau Excel des résultats avec les échantillons en colonne et les paramètres en ligne et dans le même ordre que dans la grille de saisie

En cas de nécessité de modification du service analyste, voir aussi :

Comment modifier l'analyste de plusieurs lignes de résultats en même temps?



4.5.4 ECHANTILLON / ONGLET DÉNOMBREMENTS


Tous les résultats de dénombrements de phytoplancton sont à saisir dans cet onglet, qui ne concerne que le programme REPHY, mais pas REPHYTOX.

Les trois paramètres concernés sont : FLORTOT, FLORIND et FLORPAR.

Ces trois paramètres sont disponibles pour un lieu à stratégie PhyTot


Seuls les paramètres FLORIND et FLORPAR sont disponibles pour un lieu à stratégie PhyInd

Seul le paramètre FLORPAR est disponible pour un lieu à stratégie PhyTox

 Dans le programme REPHY, ne pas saisir une FLORTOT sur les lieux à stratégie PhyInd, et ne pas saisir une FLORTOT ni une FLORIND sur les lieux à stratégie PhyTox.

Pour chaque paramètre, saisir **chaque taxon dénombré** et **sa valeur numérique**

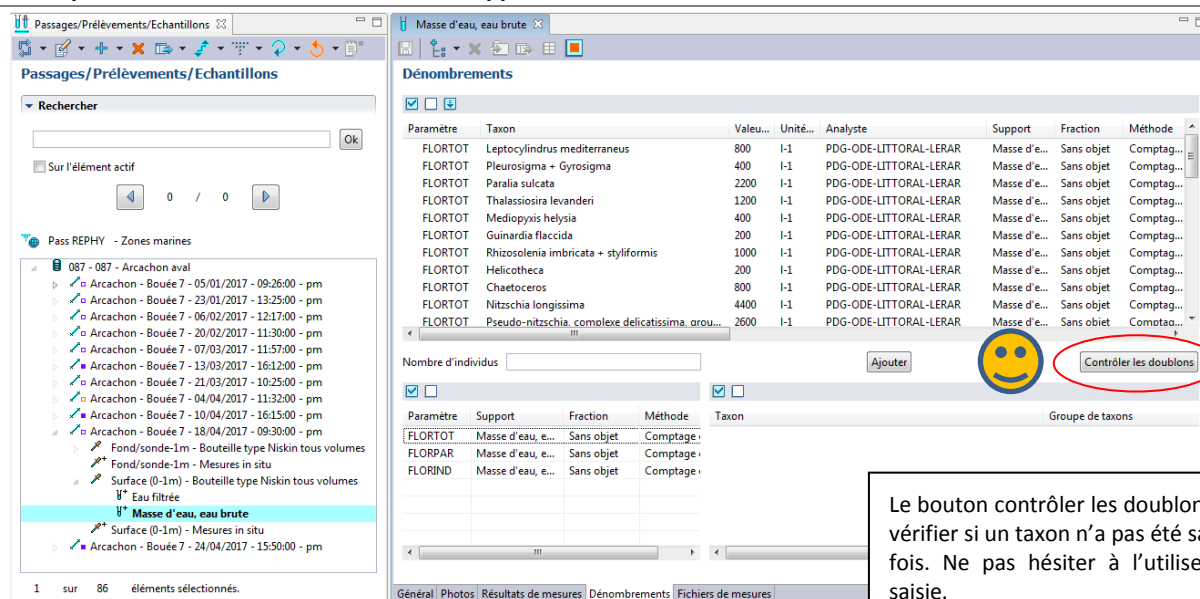
- FLORTOT : saisir *a minima* tous les taxons identifiés et dénombrés
- FLORIND : saisir toute espèce dont l'abondance est supérieure à 100 000 cel/L et **obligatoirement** : *Alexandrium*, *Dinophysis*, *Pseudo-nitzschia*, et **facultativement** *Ostreopsis*, *Gonyaulax spinifera*, *Lingulodinium polyedra*, *Protoceratium reticulatum*, *Prorocentrum lima*
- FLORPAR : pas de liste minimale imposée. Ces flores sont le plus souvent à visée sanitaire et comprennent généralement les genres ou espèces des : *Alexandrium*, *Dinophysis* et *Pseudo-nitzschia*.

 Lorsqu'en raison des délais de rendu de résultats imposés pour la surveillance sanitaire, une flore partielle a été réalisée, puis une flore totale sur le même échantillon, il faut compiler les résultats et ne saisir qu'une flore totale comprenant tous les taxons dénombrés.




Ceci pour deux raisons :

1. Tous les taxons présents dans l'échantillon doivent être saisis dans la flore totale. Si ce n'est pas le cas, lors d'une extraction des flores totales, les taxons présents dans l'échantillon, mais non saisis sur le paramètre FLORTOT, sont perdus.
2. Le financement de la surveillance sanitaire par le ministère ne comprend pas les échantillons objets de flores totales. En conséquence, le rapport d'exécution ne doit comporter que les échantillons destinés strictement au sanitaire, soient uniquement les flores partielles.

exemple d'écran de dénombrement, sur support masse d'eau, eau brute



Le bouton contrôler les doublons permet de vérifier si un taxon n'a pas été saisi plusieurs fois. Ne pas hésiter à l'utiliser en fin de saisie.

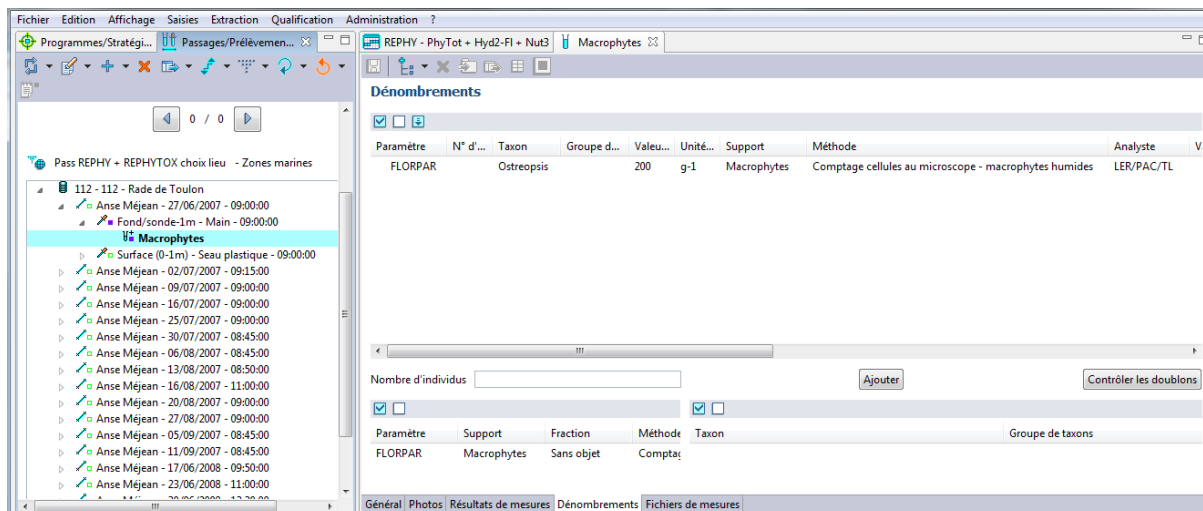
PSFM	décrit dans la stratégie	 Veillez à cliquer sur le bon paramètre. De nombreuses erreurs ont été détectée avec des saisies de flore totale sur le paramètre FLORPAR ou FLORIND et inversement.
analyste	A vérifier	mis par défaut dans la stratégie, modifiable si besoin (en cas de modification définitive prévenir la coordination pour mise à jour de la stratégie à appliquer au lieu)
programme(s)	A vérifier	 Bien veillez à ce que le programme REPHY soit coché lorsque les résultats sont communs avec un réseau régional. En aucun cas le programme REPHYTOX ne doit être coché. Cela ne doit pas pouvoir arriver mais il y a eu des cas!
valeur numérique	Obligatoire	Les valeurs doivent être arrondies avec 4 chiffres significatifs au maximum, et jamais de décimale (on en a trouvé dans les données 😊)
précision	ne rien saisir	
commentaires sur le résultat	facultatif	ce champ doit être renseigné si une information est importante pour une future qualification, par exemple : "résultat a priori douteux pour telle ou telle raison", "expertise phyto n° # xx/aaaa",...  ne pas utiliser de ";" ni de "retour à la ligne" (touche Entrée)
engin d'analyse	facultatif	si cette information n'est pas disponible dans la stratégie

Il est fortement conseillé d'utiliser un filtre de taxon permettant de réduire le nombre de taxons disponibles à la saisie (voir les explications sur les filtres des taxons phytoplancton au chapitre 3.4.1.)



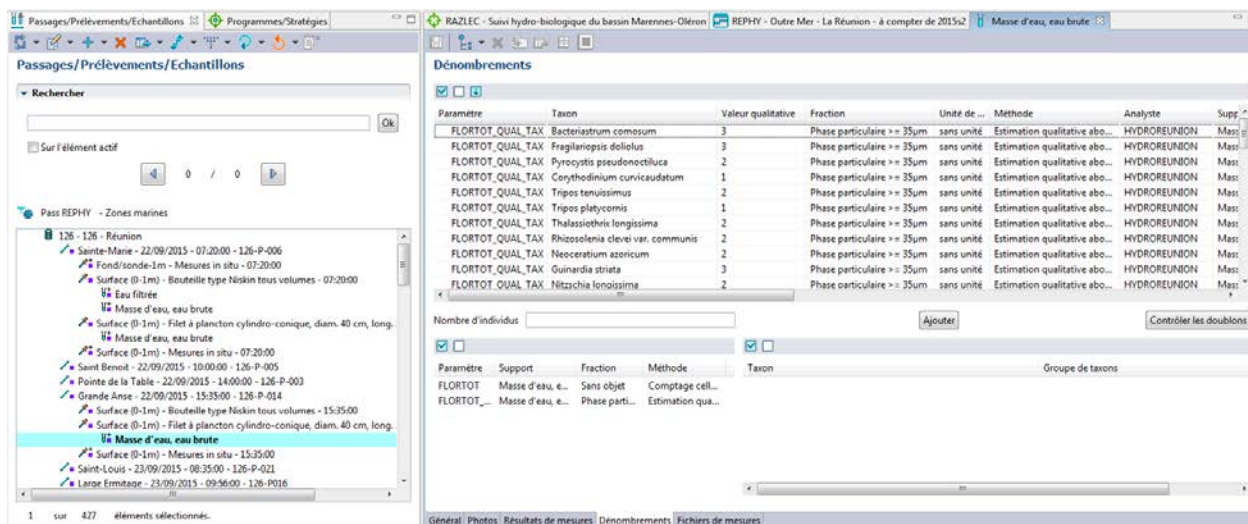
Cas particuliers :

Exemple d'écran de dénombrement, sur support macrophytes. Utilisé en Méditerranée pour la recherche d'*Ostreopsis* ou autres espèces épi-benthiques



Exemple d'écran de dénombrement, Qualitatif. Utilisé en Outre Mer

PSFM



4.5.5 ECHANTILLON / ONGLET FICHIERS DE MESURES

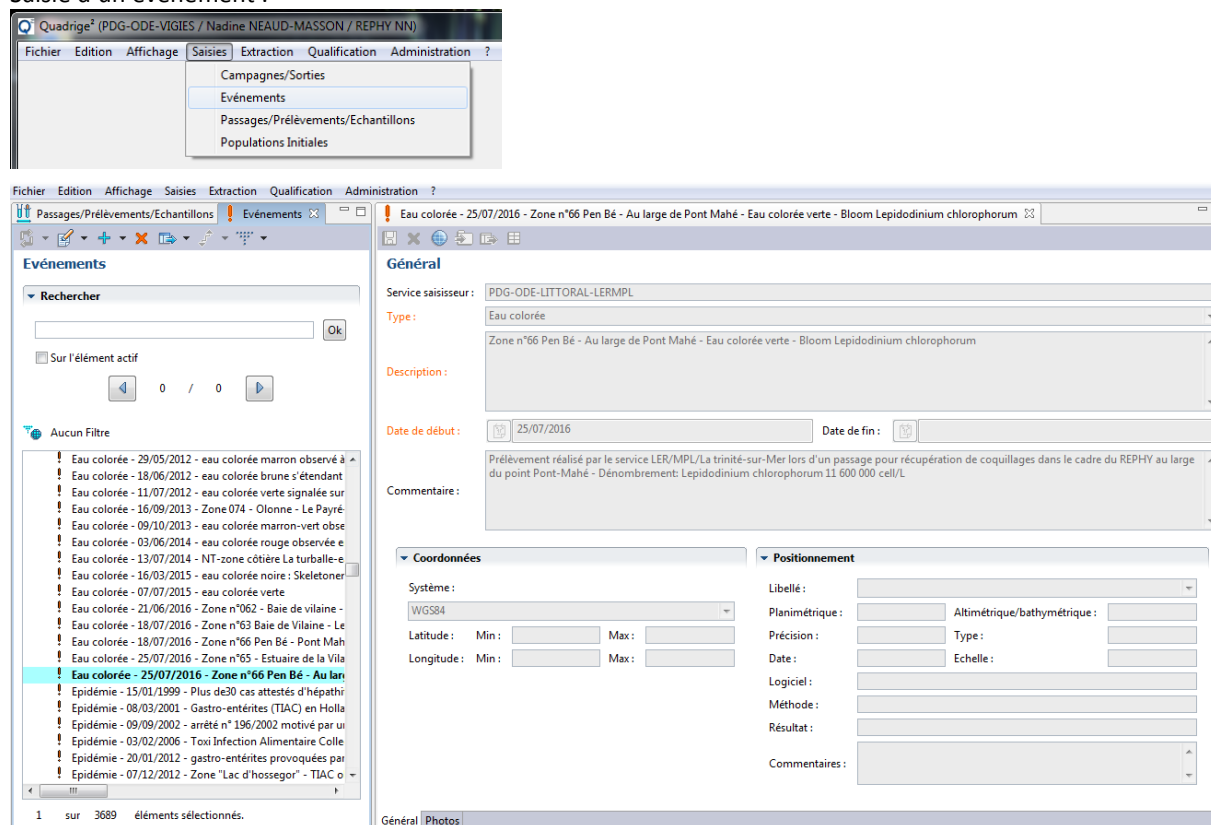
Ne rien saisir



4.6 ÉVÉNEMENTS

Lorsqu'un passage est lié à un événement il est fortement recommandé de rattacher l'événement à ce passage (cf. 4.3.2).

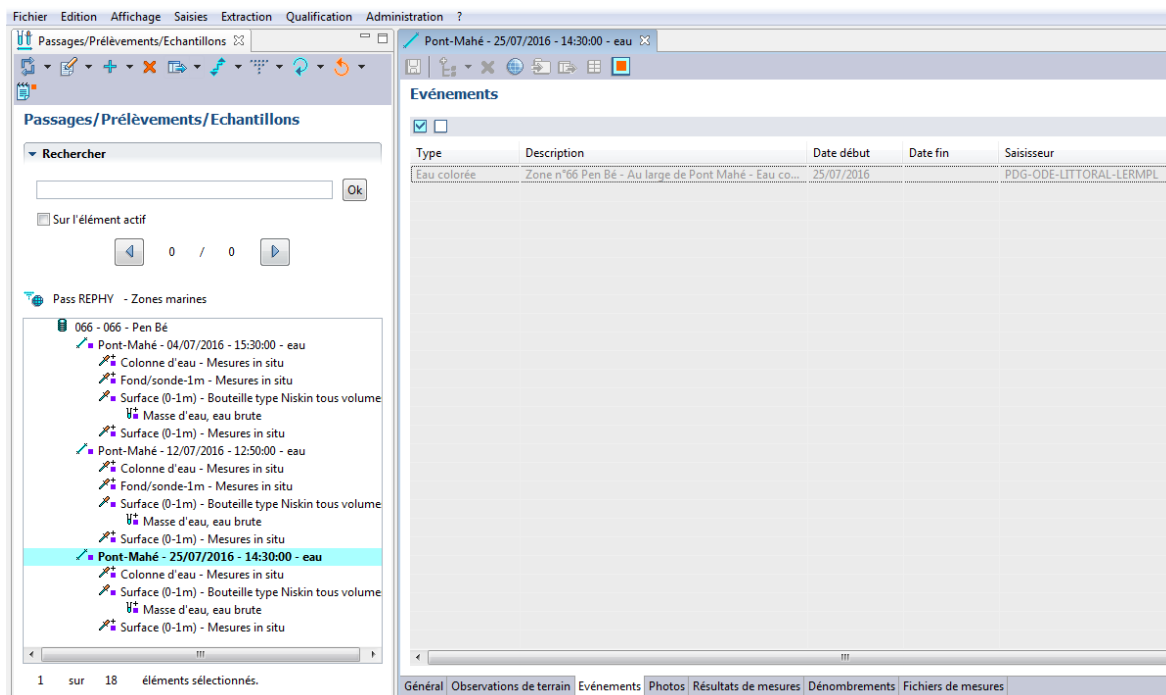
Saisie d'un événement :



Type	obligatoire	Liste déroulante permettant de sélectionner le type de l'événement Les types d'événements pouvant être en relation avec le REPHY/REPHYTOX sont : « Eau colorée », « Mortalité d'animaux marins » et « Prélèvement exceptionnel phycotoxines ». <i>Sur demande à la cellule Q², de nouveaux types d'événements peuvent être ajoutés à cette liste.</i>
Description	obligatoire	Champ de saisie de la description de l'événement. Format de rédaction exemple : Zone n° XXX – libellé de la zone – Eau colorée couleur – Bloom espèce
Date de début	obligatoire	Champ de saisie de la date de début de l'événement
Service saisisseur	mis par défaut	Champ d'information contenant le service ayant les droits en saisie sur l'événement
Commentaires	facultatif mais recommandé	Champ de saisie des commentaires de l'événement.
Coordonnées	facultatif mais recommandé	Volet permettant de renseigner ou de consulter les coordonnées de l'événement
Date de fin	facultatif mais recommandé	Champ de saisie de la date de fin de l'événement



Exemple de passage lié à l'évènement



5 VALIDATION DES SAISIES

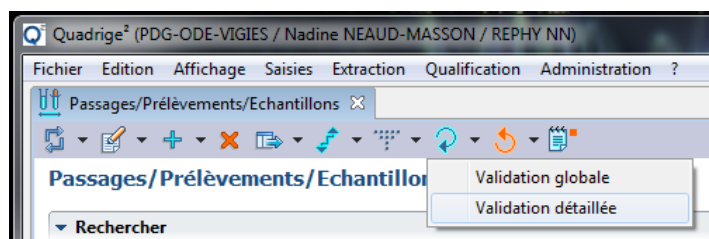
Les validations sont à réaliser **après un contrôle des données saisies**, opération qui consiste à vérifier que ce qui est saisi correspond bien aux données recueillies (cahiers terrain ou paillasse...).

Penser à vérifier que tout ce qui est saisi existe bien, et que tout ce qui existe est bien saisi.

La validation d'un élément peut être réalisée par le service qui a saisi cet élément ou les éléments supérieurs.

Tant que le niveau « passage » n'est pas validé, les niveaux inférieurs ne peuvent pas l'être et ainsi de suite. Pour pouvoir valider un résultat, les niveaux « passage/prélèvement/échantillon » pères doivent être validés.

La validation détaillée permet de sélectionner des éléments à valider (passage-prélèvement-échantillon-résultats).



Exemple de sélection pour validation détaillée :

Pour valider uniquement le passage – prélèvement – échantillon et mesures in situ (pas les CHLORO, PHEO et FLORTOT qui ne sont pas encore contrôlés par exemple) : décocher « Sélection Récursive » et sélectionner seulement les lignes à valider (touche CTRL enfoncée)



Passages/Prélèvements/Echantillons

Rechercher

Sur l'élément actif

Pass REPHY - Aucun regroupement

Passages/Prélèvements/Echantillons

Données à valider

Niveaux

☐ Sélection Récurive ☐ Passage ☐ Prélèvement ☐ Echantillon

☐ Population Initiale ☐ Lot

PSFM	Prélèvement	Validé	Co...	Passage	Echantillon
<input checked="" type="checkbox"/>	Fond/sonde-1m - Sonde mult...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	TEMP-Masse d'eau, e...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	SALI-Masse d'eau, ea...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	OXYGENE-Masse d'ea...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	Surface (0-1m) - Boutelle typ...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	TEMP-Masse d'eau, e...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	SALI-Masse d'eau, ea...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	OXYGENE-Masse d'ea...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input checked="" type="checkbox"/>	Surface (0-1m) - Boutelle typ...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	
<input type="checkbox"/>	CHLOROA-Masse d'e...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	Masse d'e...
<input type="checkbox"/>	TURB-FNU-Masse d'e...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	Masse d'e...
<input type="checkbox"/>	PHEO-Masse d'eau, e...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	Masse d'e...
<input type="checkbox"/>	FLORTOT-Masse d'ea...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	Masse d'e...
<input type="checkbox"/>	FLORTOT-Masse d'ea...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	Masse d'e...
<input type="checkbox"/>	FLORTOT-Masse d'ea...	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	Quest Loscolo - 16/07/2012 - ...	Masse d'e...

La validation permet de rendre les données accessibles à l'ensemble des personnes ayant accès à Q² ainsi que leur mise à disposition sur internet via SURVAL où elles peuvent être téléchargées. Le délai entre la validation et l'intégration dans SURVAL est de 24 heures, il est donc très important de ne valider que des données correctement contrôlées.

Toute donnée validée ne peut être modifiée qu'après dévalidation.

Les demandes de dévalidation sont à envoyer à la coordination. Pour cela fournir tous les éléments suivants : lieu (mnémo et libellé), date du passage et éléments précis à corriger.

6 QUALIFICATION DES DONNÉES

La qualification des données a pour objectif d'attribuer un niveau de qualité aux données : Bon, Douteux ou Faux. C'est une opération qui est faite à l'initiative des responsables de programmes Q² et de la cellule Q². Il s'agit d'un processus complexe qui comprend des allers et retours entre producteurs de données (responsables et saisisseurs) d'une part, et les responsables de programmes + la cellule Q² d'autre part. Les producteurs de données sont donc sollicités quand c'est nécessaire, et toutes les explications utiles leur sont fournies à cette occasion. La qualification ne peut se faire que sur des données validées.



ANNEXE I. RÈGLES DE CONTRÔLE COORDINATION REPHY

PROGRAMME REPHY

N° de la règle	Élément contrôlé	Champ contrôlé	PSFM	Valeurs autorisées	Bloquant
1	Passage	Zone de destination de dragage	---	aucune	Oui
2	Prélèvement	Nombre d'individus	---	aucune	Oui
3	Passage	Heure	---	De 6h à 20h	Non
6	Prélèvement	Lot	---	aucune	Oui
7	Echantillon	Taxon support	---	aucune	Oui
8	Echantillon	Groupe de taxons support	---	aucune	Oui
9	Echantillon	Taille de l'échantillon	---	aucune	Oui
10	Echantillon	Nombre d'individus	---	aucune	Oui
11	Résultat de mesure	Valeur d'incertitude	Paramètres OXIGENE, PHEO, PO4, SALI, SIOH, TEMP, TURB, TURB-FNU, CHLOROA, NH4, NO2, NO3, NO3+NO2	aucune	Non
12	Prélèvement	Unité immersion	---	Mètre	Non
13	Prélèvement	Engin	---	Bouteille à prélèvement horizontal, Bouteille hydrobios, Bouteille type Niskin tous volumes, Flacon plastique sur perche, Bouteille go-flo, Flacon polypropylène, Seau plastique, Pompe, Mesures in situ	Non
14	Prélèvement	Niveau	---	2 mètres, de 3 à 5 mètres, de 6 à 10 mètres, de 11 à 15 mètres, de 16 à 20 mètres, de 21 à 25 mètres, de 31 à 40 mètres, de 41 à 50 mètres, Fond/sonde-1m, Mi-profondeur, Surface (0-1m), Surface-Fond (profondeur <3m) colonne d'eau	Non
15	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre TEMP	[1 ; 32[Non
16	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre SALI	[0.05 ; 41[Non
17	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre TURB	[0.05 ; 70[Non
18	Résultat de	Valeur numérique	Paramètre TURB-	[0.05 ; 70[Non



N° de la règle	Élément contrôlé	Champ contrôlé	PSFM	Valeurs autorisées	Bloquant
	mesure		FNU		
19	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre OXYGENE	[0.1 ; 20[Non
20	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre CHLOROA	[0.05 ; 70[Non
21	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre PHEO	[0.05 ; 5[Non
22	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre NH4	[0.05 ; 40[Non
23	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre NO3+NO2	[0.1 ; 800[Non
24	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre NO3	[0.1 ; 800[Non
25	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre NO2	[0.01 ; 5[Non
26	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre PO4	[0.02 ; 15[Non
27	Résultat de mesure	Valeur numérique	Paramètre SIOH	[0.1 ; 400[Non
28	Passage	Sonde	---]0 ; 100]	Non
29	Prélèvement	Immersion	---]0 ; 50]	Non
30	Passage	Unité de la Sonde		Mètre	Non

PROGRAMME REPHYTOX

N° de la règle	Élément à contrôler	Caractéristiques de l'élément à contrôler	PSFM	Valeurs autorisées	Bloquant
1	Echantillon	Taxon support	---	Doit être renseigné par le nom latin du bivalve	Non
2	Passage	Heure	---	De 6h à 20h	Non
3	Résultat de mesure	Valeur numérique	SVSOUR1 SVSOUR2 SVSOUR3 SVSOURMED	[1 ; 1440]	Non



ANNEXE II. EXTRAIT DU GLOSSAIRE QUADRIGE²

Le glossaire est téléchargeable à l'adresse suivante:

http://wwwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mon-support-Quadrige/J-e-consulte-les-manuels/Dictionnaire

Terme	Définition
Espèce (taxinomie)	Ensemble d'individus potentiellement interféconds (= hologammodème selon la terminologie en '-dème' de Gilmour et Gregor). L'espèce est l'unité systématique centrale de toute taxinomie et l'unité écologique de base. C'est aussi l'entité occupant le dernier rang (ou le premier) dans la hiérarchie systématique si on néglige le niveau de la sous-espèce (race animale ou variété végétale). Le libellé de l'espèce obéit à la nomenclature binominale de Linné, le premier mot du libellé désignant le genre et commençant par une majuscule, le second, en minuscule, désignant l'espèce, le tout étant écrit en italique (exemple : <i>Solaster endeca</i>).
Événement	Terme employé lorsqu'un événement inattendu est observé sur le littoral, que cela provoque ou non une opération de prélèvement. Il a paru utile de considérer que la simple observation d'un événement (eau colorée, mortalité ...) soit en elle-même une donnée, même si aucun résultat n'a été acquis à cette occasion.
Groupe de taxons	<p>Il désigne un ensemble de taxons ayant les mêmes caractéristiques pour un critère donné. Ce critère peut être morpho-anatomique (par exemple les strates algales ou la taille des organismes), comportemental (par exemple des groupes trophiques ou des modes de déplacement), ou encore basé sur des notions plus complexes comme la polluo-sensibilité (exemple des groupes écologiques définis pour les macroinvertébrés benthiques). Pour un critère donné, les groupes de taxons sont rassemblés dans un regroupement de taxons appelé groupe de taxons père. Les groupes de taxons sont de deux catégories:</p> <ul style="list-style-type: none"> - Descriptif : c'est à dire surtout utilisé pour l'extraction, - Identification : Il s'agit de regroupements utilisés pour identifier des catégories de taxons, lorsqu'il est difficile d'opérer une identification précise (jusqu'à l'espèce) ou lorsque celle-ci s'avère tout simplement impossible ou non pertinente. Certains groupes peuvent être figés, c'est à dire qu'ils sont définis une bonne fois pour toute dans un document. Pour ce dernier cas particulier, il n'y a donc, a priori, pas besoin de mise à jour, et encore moins de pouvoir les supprimer. Liste des groupes de taxons au 15/12/2005 pour le benthos: <ul style="list-style-type: none"> - mobilité, - association congénérique, - thermosensibilité, - halosensibilité, - taille organisme, - distance au substrat. <p>Tous ces groupes sont de type descriptif. En plus de ceux-ci, on trouve les groupes de taxons suivant:</p> <ul style="list-style-type: none"> - groupe trophique - défini dans la fiche REBENT n°10, - groupe écologique - défini dans la fiche REBENT n°10, - strates algales (LEBHAM) - défini dans la fiche REBENT n°11, - faune intertidale rocheux (LEMAR) - - défini dans la fiche REBENT n°5. <p>Les trois premiers regroupements sont de type "descriptif", le dernier est de type</p>



Terme	Définition
	<p>"identification". Un groupe père non modifiable ne peut contenir que des groupes fils non modifiables. Pour chaque regroupement de taxons existe une liste de groupes de taxons:</p> <ul style="list-style-type: none"> - regroupement de taxons "halosensibilité":-- groupe "euryhalin",-- groupe "sténohalin". - regroupement de taxons "thermosensibilité":-- groupe "eurytherme",-- groupe "sténotherme". - regroupement de taxons "mobilité":-- groupe "mobile",-- groupe "peu mobile",-- groupe "fixé/sédentaire". - regroupement de taxons "association congénérique":-- groupe "libre solitaire",--groupe "libre grégaire",-- groupe "colonial". - regroupement de taxons "taille organisme":-- groupe "mégabenthos",-- groupe "macrobenthos",-- groupe "méiobenthos",--groupe "microbenthos".- regroupement de taxons "distance au substrat":-- groupe "suprabenthos",-- groupe "epibenthos",-- groupe "endobenthos". <p>Dans tous les cas, les groupes de taxons sont disponibles pour l'extraction.</p>
Libellé de référence (taxinomie)	C'est le libellé du Taxon dans les référentiels externes reconnus par l'Ifremer comme listes de référence.
Libellé valide (taxinomie)	C'est le libellé retenu (officiel) pour désigner les entités biologiques référencées que sont les Taxons Référents (taxons et groupes de taxons). Les libellés des taxons obéissent à des règles de nomenclature précise. Le libellé valide est unique pour un règne, deux entités différentes ne pouvant être désignées par le même libellé valide à l'intérieur d'un règne ; les autres dénominations de l'entité (libellés non valides) sont des Synonymes et sont référencées par le même Identifiant Taxon dans Quadrige ² .
Niveau systématique (taxinomie)	<p>C'est le nom du rang dans la classification systématique ; les niveaux systématiques sont désignés par des termes consacrés (ex. : espèce, genre, famille, etc.). Le niveau systématique d'un taxon peut changer avec l'évolution de la classification ; dans ce cas, son libellé est susceptible de changer également car les suffixes notamment obéissent à des règles strictes de nomenclature. Les niveaux systématiques pris en compte dans le référentiel taxinomique Quadrige² sont (par ordre de rang) (le nom anglais de chaque niveau est indiqué entre parenthèses) :</p> <ul style="list-style-type: none"> - Règne (kingdom) - Sous-règne (subkingdom) - Division (division) / Embranchement (phylum) - Subdivision (subdivision) / Sous-embranchement (subphylum) - Super-classe (superclass) - Classe (class) - Sous-classe (subclass) - Infra-classe (infraclass) - Super-ordre (superordo) - Ordre (ordo) - Sous-ordre (subordo) - Infra-ordre (infraordo)



Terme	Définition
	<ul style="list-style-type: none"> - Section (section) - Sous-section (subsection) - Super-famille (superfamily) - Famille (family) - Sous-famille (subfamily) - Tribu (tribe) - Sous-tribu (subtribe) - Genre (genus) - Sous-genre (subgenus) - Espèce (species) - Sous-espèce (subspecies) - Variété (variety) - Sous-variété (subvariety) - Forme (forma) - Sous-forme (subforma) - Incertae sedis (dummy = taxons inclassables)
Résultat de mesure sur taxons	<p>C'est ce que produit la mesure, dans un prélèvement/échantillon, sur des individus biologiques d'un même taxon (ou de plusieurs taxons dans le cas d'un dénombrement phytoplancton par exemple) ou d'un même groupe de taxons. Ce résultat peut être qualitatif ou quantitatif et il peut être exprimé par un nombre entier ou un pourcentage, selon le paramètre mesuré. Ce peut être une abondance (nombre d'individus dans le prélèvement/échantillon), une densité (nombre d'individus par unité de surface ou de volume), une mesure biométrique (longueur, poids, etc), une biomasse, un taux de recouvrement (exprimé en pourcentage), ou toute autre mesure permettant de quantifier les taxons et/ou groupes de taxons.</p>
Stratégie	<p>La stratégie définit a priori ce que devront être les données présentes dans la base en fonction du programme à l'origine de la collecte des données. Il s'agit de la liste des paramètres à mesurer sur chaque point de prélèvement, ainsi que des méthodes préconisées pour chacun de ces paramètres. La stratégie permet ainsi d'aider à la saisie des données sur un point en personnalisant les écrans, et facilite la consultation rapide du contenu théorique de la base.</p>
Synonyme (taxinomie)	<p>Est appelé 'synonyme' tout libellé autre que le libellé valide désignant une entité. Les synonymes peuvent avoir plusieurs origines :</p> <ul style="list-style-type: none"> - cas n°1 : plusieurs scientifiques, éloignés géographiquement, ont décrit le même taxon sous des noms différents. Dans ce cas, le libellé valide (taxon référent) doit être le premier nom attribué, la date de publication de la description faisant foi. Dans Quadrige², le libellé valide doit toutefois appartenir au référentiel reconnu. - cas n°2 : la description d'un taxon est éclatée pour créer de nouveaux taxons. Le taxon d'origine devient synonyme des nouveaux taxons référents. Le synonyme est ce que l'on appelle un taxon obsolète. - cas n°3 : un taxon change de niveau taxinomique (par exemple une variété devient espèce). Le synonyme est référencé sous le même Identifiant Taxon (code permanent) que son taxon référent. Toute entité biologique, taxon, peut avoir un synonyme. Un synonyme ne peut en revanche être rattaché qu'à un

Terme	Définition
	seul taxon référent.
Taxon	Entité biologique de valeur systématique = unité systématique = ensemble d'entités biologiques appartenant au même phylum et occupant un niveau hiérarchique précis dans la classification systématique adoptée ; un taxon désigne ainsi un niveau systématique donné dans un phylum donné. Un taxon est désigné par un nom ; ce nom est unique pour un règne donné (par exemple, le genre <i>Spinachia</i> est employé à la fois dans le nom d'espèce de l'épinoche de mer <i>Spinachia spinachia</i> et dans celui de l'épinard <i>Spinachia oleracea</i> , une plante de la famille des Chenopodiacees). Une espèce donnée, un genre donné, une famille donnée, etc. sont des taxons. Très précisément, la taxinomie établit la nomenclature qui régit la dénomination des taxons. Ces taxons sont en cohérence avec les référentiels externes comme l'ERMS ainsi que les référentiels interne Ifremer. Il existe une notion de hiérarchie dans les taxons (famille, sous-famille, ... espèce) et de niveaux. Les taxons peuvent avoir des synonymes. Les taxons de niveau espèce ont obligatoirement une seule autorité de classification
Taxon obsolète	Taxon qui disparaît en tant qu'entité biologique ; ses anciens constituants sont répartis en de nouveaux ensembles taxinomiques. Le taxon obsolète n'est pas simplement un taxon qui a changé de nom (dans ce cas, il change simplement de libellé, l'ancien libellé n'est pas conservé, tombe en synonymie et l'entité conserve ses liens (père et fils)). Le taxon obsolète est par exemple un taxon qui a éclaté en plusieurs taxons (ou a fusionné avec un autre taxon) ; les résultats qui y étaient rattachés ne peuvent pas être affectés aux nouveaux taxons et doivent continuer à être référencés sous l'ancien nom. Les taxons fils du taxon obsolète changent de père (le taxon obsolète perd ses fils mais conserve son père).
Taxon père	Premier taxon référencé de niveau supérieur au taxon considéré. Chaque taxon n'a qu'un seul taxon-père, mais un taxon-père peut avoir plusieurs taxons-fils, obligatoirement de niveau hiérarchique inférieur.
Taxon provisoire	Un taxon provisoire est un taxon dont le libellé est pour l'instant incertain, mais qui pourrait être identifié sous un libellé valide après des investigations supplémentaires. Cela concerne notamment les espèces qui ne sont pas identifiables sous les noms disponibles dans le référentiel, mais dont les caractéristiques peuvent être décrites. N'ayant pas de libellé valide (ni de synonyme), ces espèces sont nommées Genre spX.
Taxon référent	Taxon ayant un libellé valide (voir Libellé Valide). Cette classe définit la liste des taxons dont le libellé fait référence dans QUADRIGE ² (il n'est pas forcément le dernier libellé fourni par la littérature, car il est admis que le référentiel taxinomique Q ² ne sera pas mis à jour en temps réel, mais lors de sessions de mise à jour programmées). Les taxons ont de nombreuses appellations, outre leurs appellations vernaculaires qui ne sont pas gérées dans Quadrige2, il y a de nombreux synonymes pour un taxon en fonction de l'histoire du nom et des précisions qui sont apportées dans le temps.