

Création d'un filtre taxon dans Q² à partir d'un fichier Excel

1 Objectifs

Création d'un filtre taxon Q² à partir d'une liste importante de taxons (> 10 taxons) provenant d'un fichier Excel ou d'une Base Access.

Cette création de filtre se passe en 3 étapes :

- 1) Rechercher les équivalences de la liste des taxons dans le référentiel Q².
- 2) Récupération de l'identifiant des taxons et création du filtre (.xml).
- 3) Intégration du nouveau filtre dans Q².

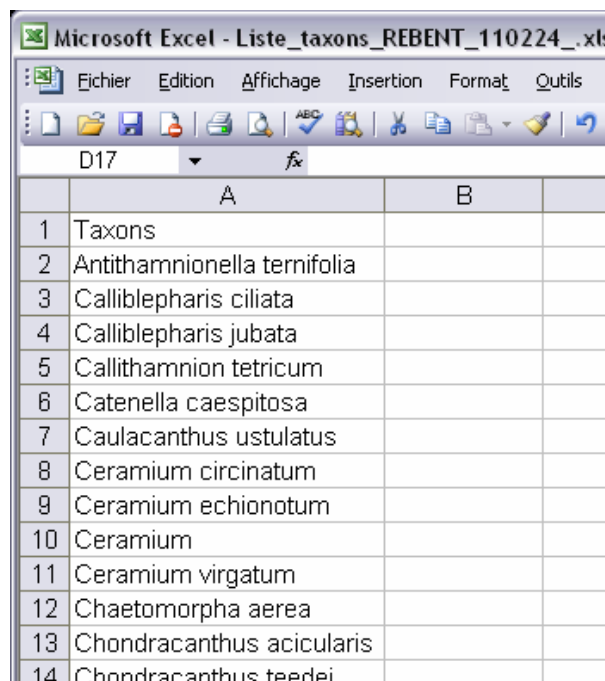
2 Recherche des équivalences taxinomiques

2.1 Récupérer les équivalences de libellés

- 1) Créer le fichier Excel contenant la liste des libellés taxons à rechercher : copier la liste des libellés de taxons dans la colonne A, **avec un en-tête de colonne** (peu importe le nom). **Aucune autre colonne ne doit être remplie.**
- 2) Utiliser l'outil « Recherche liste taxon » (cf. tutoriel « Rechercher une liste de taxons dans le référentiel Quadriges² »¹).
- 3) Récupérer le fichier d'équivalence généré dans le répertoire :

[\\nacelle\tampon\assistance_support_quadriges2\Referentiel_taxinomique\03_Outils\01_Recherche_liste_taxons\02_fichier_equivalence](#)

Fichier : « Liste_taxons » + texte choisi + « _equivalence.xls »



	A	B
1	Taxons	
2	Antithamnionella ternifolia	
3	Calliblepharis ciliata	
4	Calliblepharis jubata	
5	Callithamnion tetricum	
6	Catenella caespitosa	
7	Caulacanthus ustulatus	
8	Ceramium circinatum	
9	Ceramium echionotum	
10	Ceramium	
11	Ceramium virgatum	
12	Chaetomorpha aerea	
13	Chondracanthus acicularis	
14	Chondracanthus teedei	

¹\\nacelle\tampon\assistance_support_quadriges2\Referentiel_taxinomique\03_Outils\01_Recherche_liste_taxons\ Recherche_liste_taxon_wiki.pdf

Microsoft Excel - Liste_taxons_equivalence.xls

Echier Edition Affichage Insertion Format Outils Données Fenêtre ?

M41

	A	B	C	D	E	F	G	H	I	J	K
	Taxons	TAXON_NAME_ID	REF_TAXON_ID	TAXON_NAME_COMPLETE_NM	Commentaires	Ref	Pro	Vir	Obs	Synonyme	
2	Abludomelita obtusata	102788	102788	Abludomelita obtusata		1	0	0	0	Non	
3	Abra	138474	138474	Abra		1	0	0	0	Non	
4	Abra alba	141433	141433	Abra alba		1	0	0	0	Non	
5	Abra nitida	141435	141435	Abra nitida		1	0	0	0	Non	
6	Abra prismatica	141436	141436	Abra prismatica		1	0	0	0	Non	
7	Abyssoninoe scopa	130223	130223	Abyssoninoe scopa		1	0	0	0	Non	
8	Acanthochitona crinita	138675	138675	Acanthochitona crinita		1	0	0	0	Non	
9	Acidostoma obesum	102497	102497	Acidostoma obesum		1	0	0	0	Non	
10	Acmaea virginea	138688	138688	Acmaea virginea		1	0	0	0	Non	
11	Acrocnida brachiata	60001084	60001024	Acrocnida brachiata		1	0	0	0	Non	
12	Acteon tornatilis	138691	138691	Acteon tornatilis		1	0	0	0	Non	
13	Actiniaria	1360	1360	Actiniaria		1	0	0	0	Non	
14	Aequipecten opercularis	140687	140687	Aequipecten opercularis		1	0	0	0	Non	
15	Alitta succinea	60002041	60001981	Alitta succinea		1	0	0	0	Non	
16	Ampelisca	101445	101445	Ampelisca		1	0	0	0	Non	
17	Ampelisca armoricana	101888	101888	Ampelisca armoricana		1	0	0	0	Non	
18	Ampelisca brevicornis	101891	101891	Ampelisca brevicornis		1	0	0	0	Non	
19	Ampelisca diadema	101896	101896	Ampelisca diadema		1	0	0	0	Non	
20	Ampelisca sarsi	101923	101923	Ampelisca sarsi		1	0	0	0	Non	
21	Ampelisca spinimana	101927	101927	Ampelisca spinimana		1	0	0	0	Non	
22	Ampelisca spinipes	101928	101928	Ampelisca spinipes		1	0	0	0	Non	
23	Ampelisca tenuicornis	101930	101930	Ampelisca tenuicornis		1	0	0	0	Non	
24	Ampelisca typica	101933	101933	Ampelisca typica		1	0	0	0	Non	
25	Ampelisca	101455	101455	Ampelisca		1	0	0	0	Non	

Taxons : libellés taxons de départ

TAXON_NAME_ID : identifiant Q² du taxon

REF_TAXON_ID : identifiant du taxon référent Q²

TAXON_NAME_COMPLETE_NM : libellé Q² du taxon

Commentaires : vide (permet d'ajouter des remarques ou des actions à faire sur les taxons)

Ref : 1 = taxon référent, 0 = taxon synonyme

Pro : taxon provisoire (1 = oui, 0 = non)

Vir : taxon virtuel (1 = oui, 0 = non)

Obs : taxon obsolète (1 = oui, 0 = non)

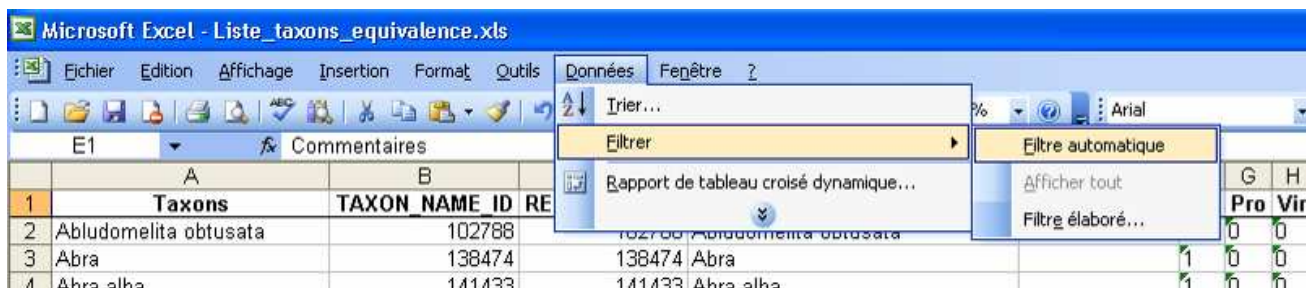
Synonyme : indique si le taxon de départ était un synonyme dans Q². Si Oui, alors le taxon équivalent indiqué dans les colonnes précédentes est le taxon référent Q² correspondant.

4) Enregistrer le fichier dans vos répertoires appropriés.

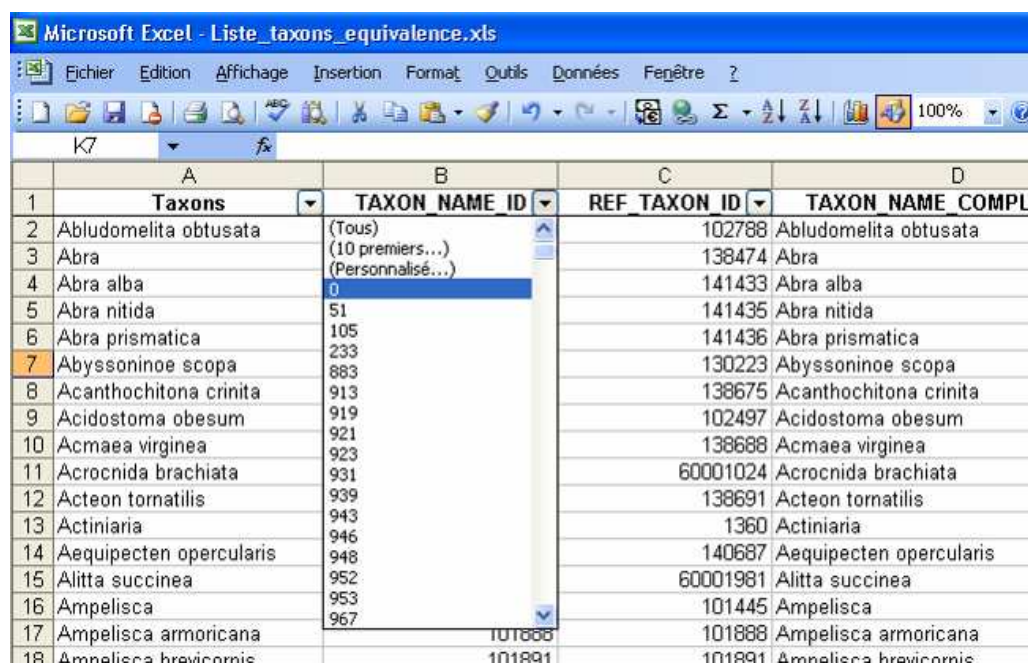
Remarque : il est conseillé de supprimer vos fichiers entrant et sortant après avoir enregistré le fichier sortant dans vos répertoires personnels.

2.2 Compléter les équivalences

1) Ouvrir le fichier d'équivalence. Appliquer un filtre automatique sur les données



2) Sélectionner tous les taxons dont le TAXON_NAME_ID = 0 : ce sont les taxons dont aucune équivalence n'a été trouvée dans le référentiel Quadrige².



Les explications sont **en général** les suivantes :

- Orthographe différente
- Nom commun (ex : Anémone au lieu de Actiniaria)
- Nom de genre contenant « sp. » à la fin si vous ne les avez pas changés au début.
- Espace à la fin du libellé de départ ou double espace entre le genre et l'espèce
- Sous-genre nom cité dans le libellé d'origine
- Synonymie non renseignée dans Q²

3) Vous pouvez alors rechercher dans le WoRMS le libellé exact :

<http://www.marinespecies.org/aphia.php?p=search> (pour quelques espèces)

<http://www.marinespecies.org/aphia.php?p=match> (pour une grande liste d'espèces)

ou demander à la cellule d'administration Q² de vous y aider.

- 4) Si vous avez SQL Developer, vous pouvez rechercher ces taxons en appliquant la requête suivante, en remplaçant la chaîne de caractère en rouge par tout ou partie du libellé du taxon recherché :

```
select taxon_name_id, ref_taxon_id, taxon_name_complete_nm, cit_nm, tax_level_cd,
parent_taxon_name_id, taxon_name_upper_rk
from taxon_name, citation
where taxon_name.cit_id = citation.cit_id (+)
and taxon_name_complete_nm like '%Hydr%'
and taxon_name_is_refer = 1
order by taxon_name_complete_nm
```

Dans SQL Developer, il suffit alors de copier le contenu des 3 premières colonnes dans le fichier Excel pour renseigner l'équivalence.

SQL Developer interface showing the query and results.

```
# Recherche d'un taxon
select taxon_name_id, ref_taxon_id, taxon_name_complete_nm, cit_nm, tax_level_cd, parent_taxon_name_id, taxon_name_upper_rk
from taxon_name, citation
where taxon_name.cit_id = citation.cit_id (+)
and taxon_name_complete_nm like '%Hydr%'
and taxon_name_is_refer = 1
order by taxon_name_complete_nm
```

	TAXON_NAME_ID	REF_TAXON_ID	TAXON_NAME_COMPLETE_NM	CIT_NM	TAX_LEVEL_CD	PARENT_TAXON_NAME_ID
1	117117	117117	Hydractinia	van Beneden, 1841	GENUS	1601
2	117639	117639	Hydractinia aculeata	(Wagner, 1833)	SPECIES	117117
3	117640	117640	Hydractinia allmani	Bonnevie, 1898	SPECIES	117117
4	117641	117641	Hydractinia arctica	(Kramp, 1932)	SPECIES	117117
5	60001740	60001680	Hydractinia areolata	Alder, 1862	SPECIES	117117

- 5) Indiquer dans le champ Commentaires du fichier d'équivalence les raisons de l'absence d'équivalence avec le référentiel Q² (synonymie, orthographe, espace, à ajouter dans Q²...).

3 Création du filtre

Une fois tous les équivalences récupérées dans votre fichier : « Liste_taxons » + texte choisi + « _equivalence.xls », vous devez :

- 1) Nommer la première colonne vide tout à droite : « Filtre Q² » et copier la formule suivante dans la première ligne sous le titre :

= "<criteriaValue value='\"&CTXT(B2;0;VRAI)&\"'/>"

où B2 = TAXON_NAME_ID

- 2) Etendre cette formule sur toutes les lignes (pour tous les taxons).

The screenshot shows an Excel spreadsheet titled 'Liste_taxons_REBENT_110224_equivalences.xls'. The table has columns A through J. Column A is 'Taxons', B is 'TAXON_NAME_ID', C is 'REF TAXON_ID', D is 'TAXON_NAME COMPLETE_NM', E is 'Commentaires', F is 'Ref', G is 'Pro', H is 'Vir', I is 'Obs', and J is 'Filtre Q²'. The formula bar shows the formula for cell J2: = "<criteriaValue value='\"&CTXT(B2;0;VRAI)&\"'/>". The table contains 32 rows of taxon data, including Antithamnionella, Calliblepharis, Callithamnion, Catenella, Caulacanthus, Ceramium, Chaetomorpha, Chondracanthus, Chondria, Chondrus, Cladophora, Corallina, Cryptopleura, Dictyota, Dictyopteris, Dilsea, Elachista, Fucus, Gastroclonium, Gelidium, and Gracilaria.

A	B	C	D	E	F	G	H	I	J
Taxons	TAXON_NAME_ID	REF TAXON_ID	TAXON_NAME COMPLETE_NM	Commentaires	Ref	Pro	Vir	Obs	Filtre Q ²
Antithamnionella ternifolia	144522	144522	Antithamnionella ternifolia		1	0	0	0	<criteriaValue value="144522"/>
Calliblepharis ciliata	145613	145613	Calliblepharis ciliata		1	0	0	0	<criteriaValue value="145613"/>
Calliblepharis jubata	145614	145614	Calliblepharis jubata		1	0	0	0	<criteriaValue value="145614"/>
Callithamnion tetricum	144530	144530	Callithamnion tetricum		1	0	0	0	<criteriaValue value="144530"/>
Catenella caespitosa	145605	145605	Catenella caespitosa		1	0	0	0	<criteriaValue value="145605"/>
Caulacanthus ustulatus	145606	145606	Caulacanthus ustulatus		1	0	0	0	<criteriaValue value="145606"/>
Ceramium circinatum	144540	144540	Ceramium circinatum		1	0	0	0	<criteriaValue value="144540"/>
Ceramium echionotum	144547	144547	Ceramium echionotum		1	0	0	0	<criteriaValue value="144547"/>
Ceramium	143834	143834	Ceramium		1	0	0	0	<criteriaValue value="143834"/>
Ceramium virgatum	178915	178915	Ceramium virgatum		1	0	0	0	<criteriaValue value="178915"/>
Chaetomorpha aerea	145020	145020	Chaetomorpha aerea		1	0	0	0	<criteriaValue value="145020"/>
Chondracanthus acicularis	145623	145623	Chondracanthus acicularis		1	0	0	0	<criteriaValue value="145623"/>
Chondracanthus teedei	145624	145624	Chondracanthus teedei		1	0	0	0	<criteriaValue value="145624"/>
Chondria coerulescens	144796	144796	Chondria coerulescens		1	0	0	0	<criteriaValue value="144796"/>
Chondrus crispus	145625	145625	Chondrus crispus		1	0	0	0	<criteriaValue value="145625"/>
Cladophora laetevirens	145051	145051	Cladophora laetevirens		1	0	0	0	<criteriaValue value="145051"/>
Cladophora rupestris	145064	145064	Cladophora rupestris		1	0	0	0	<criteriaValue value="145064"/>
Corallina elongata	145107	145107	Corallina elongata		1	0	0	0	<criteriaValue value="145107"/>
Corallina officinalis	145108	145108	Corallina officinalis		1	0	0	0	<criteriaValue value="145108"/>
Cryptopleura ramosa	144743	144743	Cryptopleura ramosa		1	0	0	0	<criteriaValue value="144743"/>
Dictyota dichotoma	145367	145367	Dictyota dichotoma		1	0	0	0	<criteriaValue value="145367"/>
Dictyopteris polypodioides	145360	145360	Dictyopteris polypodioides	Orthographe					<criteriaValue value="145360"/>
Dilsea carnea	145222	145222	Dilsea carnea		1	0	0	0	<criteriaValue value="145222"/>
Elachista fucicola	144937	144937	Elachista fucicola		1	0	0	0	<criteriaValue value="144937"/>
Fucus serratus	145546	145546	Fucus serratus		1	0	0	0	<criteriaValue value="145546"/>
Fucus spiralis	145547	145547	Fucus spiralis		1	0	0	0	<criteriaValue value="145547"/>
Fucus vesiculosus	145548	145548	Fucus vesiculosus		1	0	0	0	<criteriaValue value="145548"/>
Gastroclonium ovatum	145810	145810	Gastroclonium ovatum		1	0	0	0	<criteriaValue value="145810"/>
Gelidium pusillum	145590	145590	Gelidium pusillum		1	0	0	0	<criteriaValue value="145590"/>
Gelidium spinosum	145594	145594	Gelidium spinosum		1	0	0	0	<criteriaValue value="145594"/>
Gracilaria gracilis	145700	145700	Gracilaria gracilis		1	0	0	0	<criteriaValue value="145700"/>

- 3) Copier toutes les cellules contenant <criteriaValue value="..." /> de la colonne « Filtre Q² » (ne pas copier le titre).

- 4) Ouvrir un ancien filtre taxons Q² (format .xml) avec WordPad (ou TextPad)

Q2_Filtre_Taxon_Herbiers.xml - WordPad

Fichier Edition Affichage Insertion Format ?

```
<?xml version='1.0' encoding='ISO-8859-1'?>
<Filter name="Taxons HZN" originExtract="0" filterTypeId="fr.ifremer.quadrige.filterTypeId.Taxon" minX="-1" minY="-1" maxX="-1" maxY="-1">
  <block>
    <criteria operatorId="opInTaxonName.In" criteriaTypeId="TaxonName.taxonName">
      <criteriaValue value="141801"/>
      <criteriaValue value="141359"/>
      <criteriaValue value="140262"/>
      <criteriaValue value="140126"/>
      <criteriaValue value="139054"/>
      <criteriaValue value="145795"/>
      <criteriaValue value="145796"/>
      <criteriaValue value="21263"/>
      <criteriaValue value="830"/>
      <criteriaValue value="802"/>
    </criteria>
    <criteria operatorId="opEgalText.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.taxonNameCompleteNm">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opLdTaxonYesNo.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.taxonNameTempor">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opLdTaxonYesNo.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.taxonNameIsRefer">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opLdTaxonYesNo.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.Synonymic.taxonNameIsRefer">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opLdTaxonYesNo.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.taxonNameObsol">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opLdTaxonYesNo.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.taxonNameIsVirtual">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opLdTaxonomicLevel.Equal" criteriaTypeId="TaxonomicLevel.taxLevel">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opEgalText.Equal" criteriaTypeId="TaxonomicLevel.taxLevelCd">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opInTaxonName.In" criteriaTypeId="TaxonName.TaxonName.taxonName">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opEgalText.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.TaxonName.taxonNameCompleteNm">
    </criteria>
  </block>
</Filter>
```

Appuyez sur F1 pour obtenir de l'aide

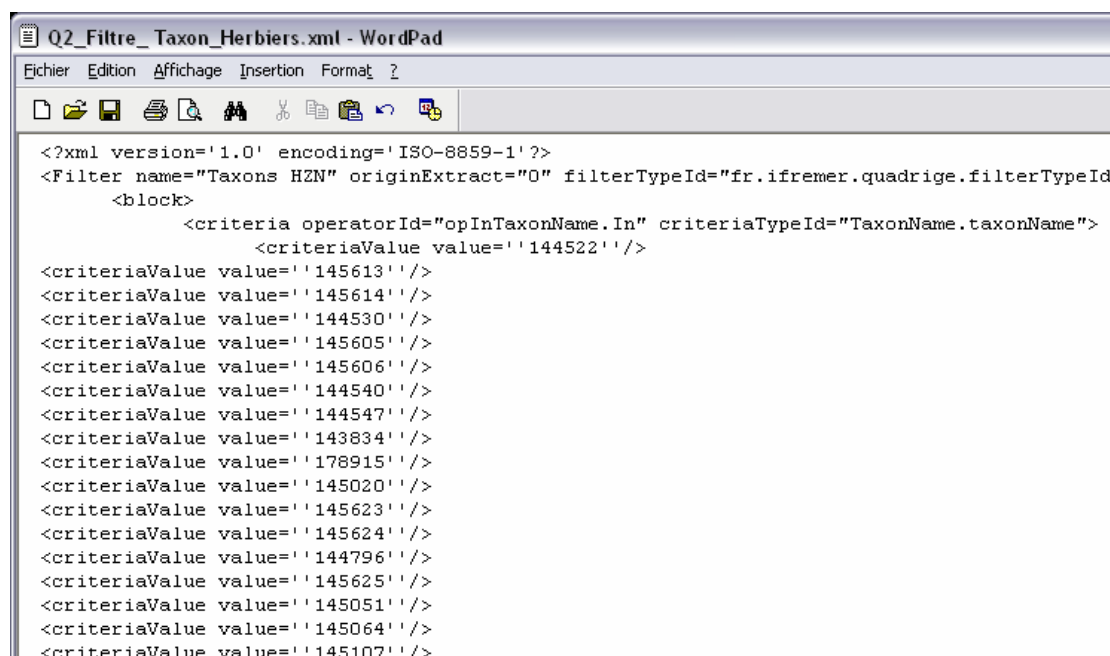
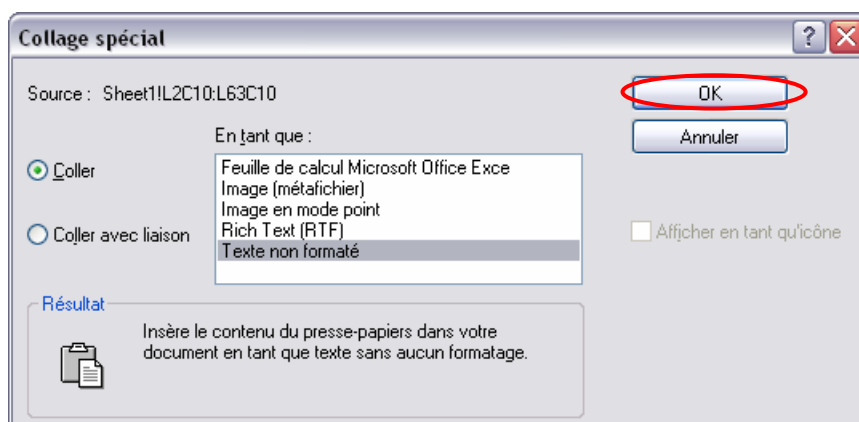
5) Sélectionner toutes les lignes `<criteriaValue value="..." />` du filtre.

Q2_Filtre_Taxon_Herbiers.xml - WordPad

Fichier Edition Affichage Insertion Format ?

```
<?xml version='1.0' encoding='ISO-8859-1'?>
<Filter name="Taxons REBENT" originExtract="0" filterTypeId="fr.ifremer.quadrige.filterTypeId.Taxon" r
  <block>
    <criteria operatorId="opInTaxonName.In" criteriaTypeId="TaxonName.taxonName">
      <criteriaValue value="141801"/>
      <criteriaValue value="141359"/>
      <criteriaValue value="140262"/>
      <criteriaValue value="140126"/>
      <criteriaValue value="139054"/>
      <criteriaValue value="145795"/>
      <criteriaValue value="145796"/>
      <criteriaValue value="21263"/>
      <criteriaValue value="830"/>
      <criteriaValue value="802"/>
    </criteria>
    <criteria operatorId="opEgalText.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.taxonNameCompleteNm">
    </criteria>
    <criteria operatorId="opLdTaxonYesNo.Equal" criteriaTypeId="TaxonName.taxonNameTempor">
```


6) Cliquer sur Edition > Collage spécial ... > « Texte non formaté » > OK



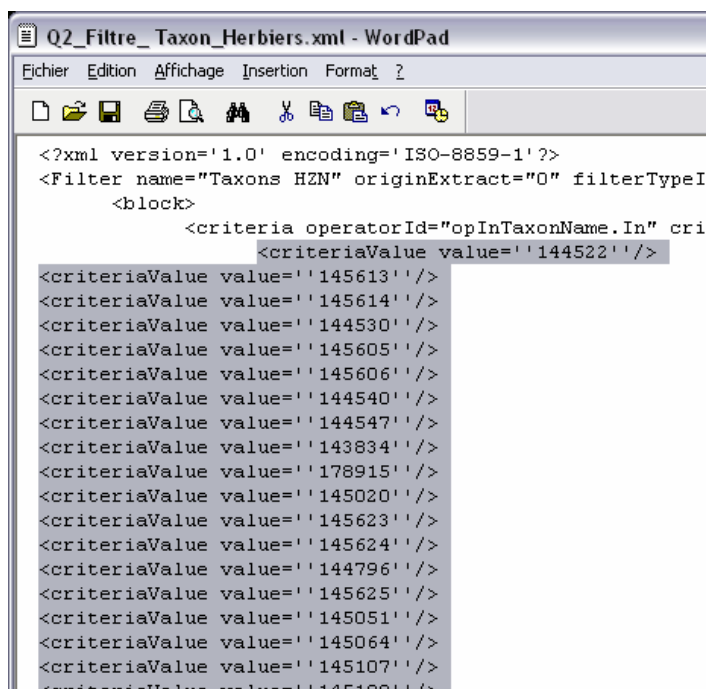
7) Sélectionner tous les nouveaux
<criteriaValue value="..." /> du
filtre.

Attention à ne pas oublier la 1ère
ligne qui est parfois décalée !

8) Cliquer sur Edition > Remplacer... >

Rechercher : 2 simples côtes (sans
espace) : " (touche 4)

Remplacer par : 1 double côte : "
(touche 3)



Q2_Filtre_Taxon_Herbiers.xml - WordPad

Fichier Edition Affichage Insertion Format ?

```
<?xml version='1.0' encoding='ISO-8859-1'?>
<Filter name="Taxons HZN" originExtract="0" filterTypeId="fr.ifremer.quadrige.filterTypeId."
  <block>
    <criteria operatorId="opInTaxonName.In" criteriaTypeId="TaxonName.taxonName">
      <criteriaValue value="144522"/>
    <criteriaValue value="145613"/>
    <criteriaValue value="145614"/>
    <criteriaValue value="144530"/>
    <criteriaValue value="145605"/>
    <criteriaValue value="145606"/>
    <criteriaValue value="144540"/>
    <criteriaValue value="144547"/>
    <criteriaValue value="143834"/>
    <criteriaValue value="178915"/>
    <criteriaValue value="145020"/>
    <criteriaValue value="145623"/>
    <criteriaValue value="145624"/>
    <criteriaValue value="144796"/>
    <criteriaValue value="145625"/>
    <criteriaValue value="145051"/>
    <criteriaValue value="145064"/>
    <criteriaValue value="145107"/>
    <criteriaValue value="145108"/>
  </block>
</Filter>
</xml>
```

9) Modifier le nom du filtre qui apparaîtra dans Q² :

Q2_Filtre_Taxon_Herbiers.xml - WordPad

Fichier Edition Affichage Insertion Format ?

```
<?xml version='1.0' encoding='ISO-8859-1'?>
<Filter name="Taxons HZN" originExtract="0" filterTy
  <block>
    <criteria operatorId="opInTaxonName.In"
      <criteriaValue value="141801"/>
      <criteriaValue value="141359"/>
    </criteria>
  </block>
</Filter>
</xml>
```

Q2_Filtre_Taxon_Herbiers.xml - WordPad

Fichier Edition Affichage Insertion Format ?

```
<?xml version='1.0' encoding='ISO-8859-1'?>
<Filter name="Taxons REBENT" originExtract="0" filter
  <block>
    <criteria operatorId="opInTaxonName.In" c
      <criteriaValue value="141801"/>
      <criteriaValue value="141359"/>
    </criteria>
  </block>
</Filter>
</xml>
```

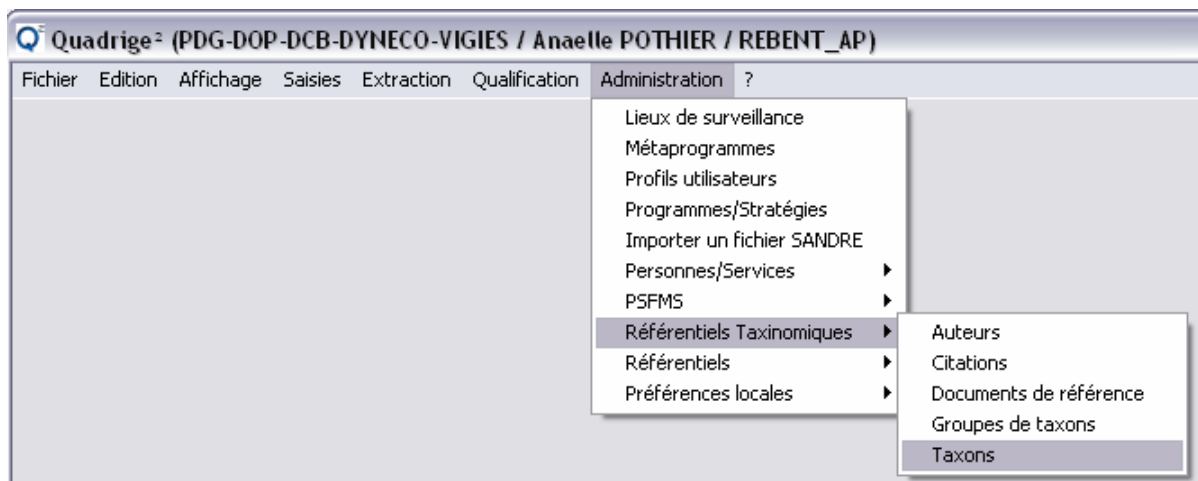
Ex :

10) Enregistrer le nouveau filtre (ex : « Q2_Filtre_Taxons_REBENT.xml »).

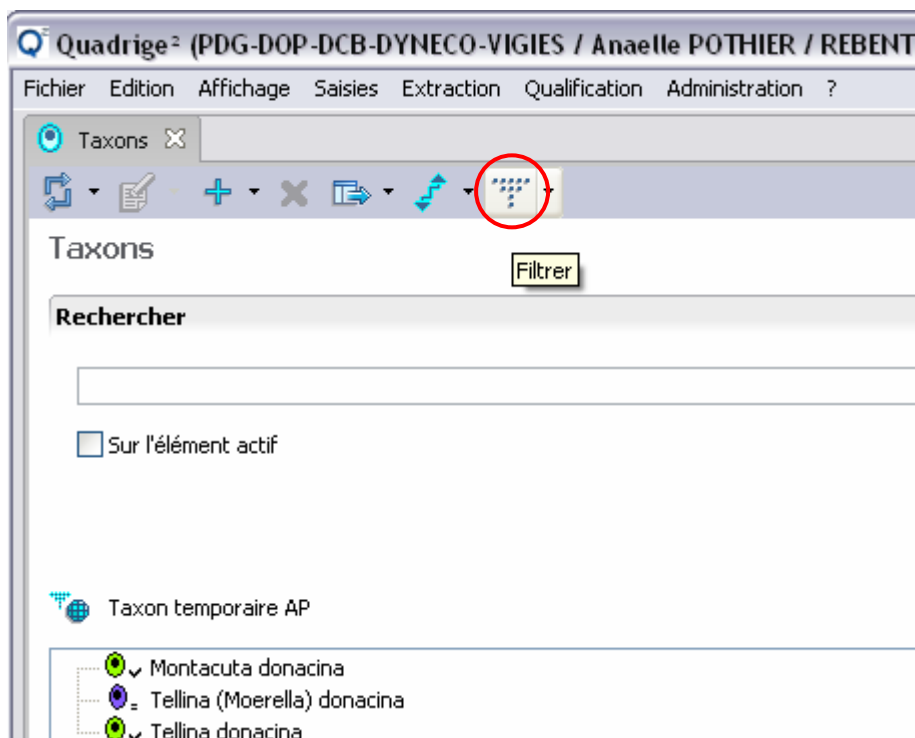
4 Intégration du filtre dans Q²

Une fois Quadriges² ouvert, vous devez :

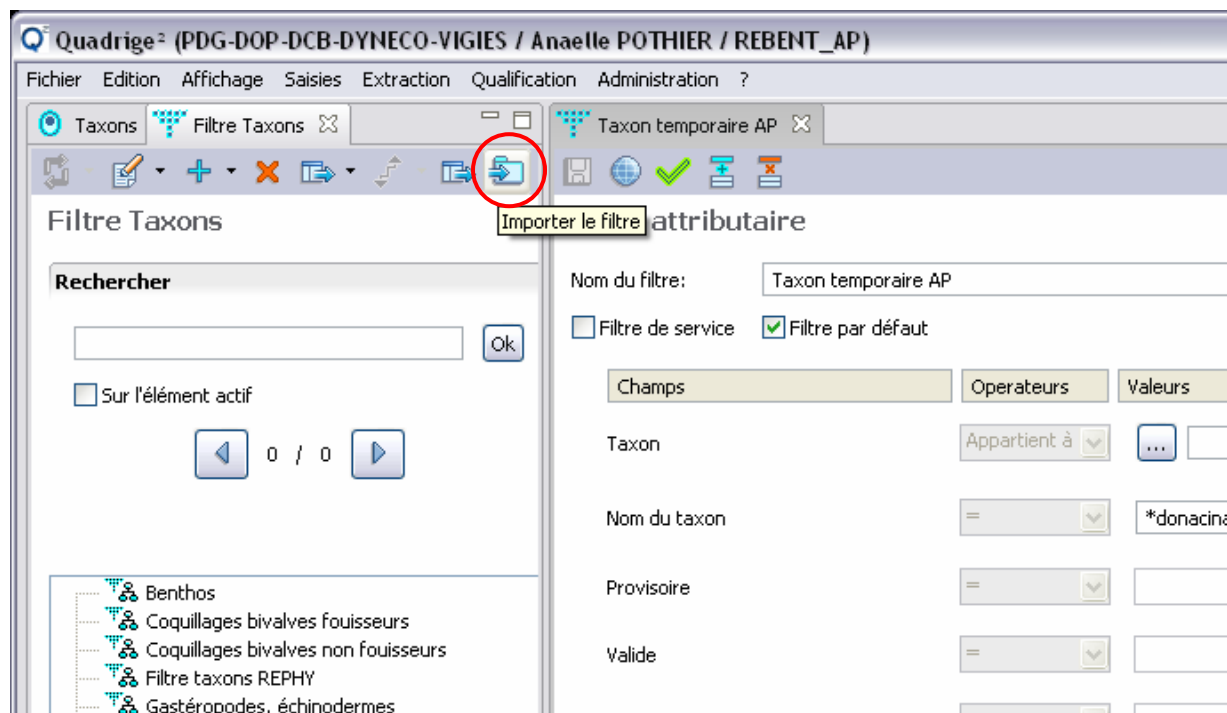
- 1) Cliquer sur Administration > Référentiels Taxinomiques > Taxons



- 2) Cliquer sur le bouton « Filtrer ».



- 3) Importer le filtre.



4) Enregistrer le filtre.

