



**Quadriges<sup>2</sup>** - Référentiel National de gestion des données de la surveillance littorale

Amandine THOMAS, Anaëlle POTHIER, Emilie GAUTHIER

Août 2022

---

## ■ Reprise automatique des résultats taxinomiques dans Quadriges

Mode d'emploi pour l'élaboration et l'intégration du fichier Excel **V4**

## Sommaire

1. Objectifs .....	3
2. Saisie manuelle des métadonnées dans Quadrigé .....	3
3. Saisie via le masque « Résultats taxons » .....	5
3.1. Présentation du fichier Excel .....	5
3.2. Saisie du fichier Excel de données .....	8
3.2.1. Saisie des métadonnées .....	8
3.2.2. Saisie des résultats .....	9
3.2.3. Saisie des identifiants des taxons / groupes de taxons .....	11
3.2.3.1. Identifiants des taxons .....	<b>Erreur ! Signet non défini.</b>
3.2.3.2. Identifiants des groupe de taxons .....	<b>Erreur ! Signet non défini.</b>
3.2.4. Finalisation de la saisie .....	12
3.2.5. Vérifications des saisies avant l'envoi .....	13
4. Test de la conformité du fichier .....	13
5. Intégration des données dans Quadrigé .....	15
6. Contrôle/Validation des données .....	15
7. Recherche des identifiants et codes .....	16
7.1.1. Recherche de l'AphiaID des taxons .....	16
7.1.2. Recherche du TAXON_NAME_ID Quadrigé .....	20
7.1.3. Recherche du GROUPE_TAXONS_ID Quadrigé .....	20
7.1.4. Recherche des identifiants des lieux de surveillance .....	21
7.1.4.1. Consulter les lieux de votre programme .....	21
7.1.4.2. Filtre lieux de surveillance .....	22
7.1.4.3. Extraire les lieux sous forme de csv ou de shape .....	23

## 1. Objectifs

Une fois les métadonnées saisies manuellement dans Quadrigé via les interfaces dédiées (Quadrigé<sup>2</sup> ou BD Récif), ce fichier type permet une reprise automatique **des données taxinomiques** telles que :

- les abondances ;
- les biomasses spécifiques ;
- la présence/absence d'espèces,
- les taux de recouvrement
- etc.

Cette reprise des données se passe en plusieurs étapes :

- 1) **Saisir manuellement les métadonnées** : passages/observations, prélèvements/réplicats et échantillons s'il y en a.
- 2) Rechercher les identifiants de l'ensemble des taxons présents dans les résultats (Aphia\_ID ou Taxon\_name\_id\_Q2 ou Groupe\_taxons\_id\_Q2) et les identifiants des lieux de surveillance ;
- 3) Remplir le tableau de reprise des données.
- 4) **Tester la conformité du fichier** sur le site de la cellule Quadrigé
- 5) Retour par mail automatique sur la conformité ou non du fichier.
- 6) Eventuellement corriger le fichier ou demander des ajouts à la cellule Quadrigé en cas d'échec de l'intégration du fichier initial puis redéposer le fichier.
- 7) **Déposer le fichier** sur le site de la cellule d'administration Quadrigé.
- 8) Retour par mail automatique sur la réussite de l'intégration du fichier.
- 9) **Contrôler et valider ces résultats manuellement dans Quadrigé<sup>2</sup>.**

## 2. Saisie manuelle des métadonnées dans Quadrigé

La saisie manuelle des métadonnées est nécessaire pour que les données taxinomiques puissent être intégrées dans Quadrigé.

Il faut que l'arborescence soit créée dans Quadrigé avant la reprise automatique des résultats.

**Important** : la saisie de certains champs est indispensable à l'intégration des données :

- **Passage** : lieu + date + programme(s). Le mnémonique est facultatif mais permet de distinguer plusieurs passages sur le même lieu à la même date s'il y en a.
- **Prélèvement** : engin de prélèvement + mnémonique (= n° replicat) + programme(s).
- **Echantillon** : support (= Macrofaune) + programme(s). Le mnémonique est facultatif mais permet de distinguer plusieurs échantillons sur le même support et le même prélèvement s'il y en a.

## Exemples :

### Endofaune de substrat meuble :

- Boyardville SM - 11/04/2011 - 13:20:00 ← Passage : lieu – date (- heure)
- Benne Van Veen 0,1 m<sup>2</sup> - SMF\_1 - 13:25:00
  - Macrofaune
  - Benne Van Veen 0,1 m<sup>2</sup> - SMF\_2 - 13:27:00 ← Prélèvement : engin de prélèvement - mnémonique du prélèvement (- heure)
  - Macrofaune
  - Benne Van Veen 0,1 m<sup>2</sup> - SMF\_3 - 13:30:00
  - Macrofaune
  - Benne Van Veen 0,1 m<sup>2</sup> - SMF\_4 - 13:33:00
  - Macrofaune
  - Benne Van Veen 0,1 m<sup>2</sup> - SMF\_5 - 13:36:00 ← Echantillon : support
  - Macrofaune
  - Main - Granulo
  - Sédiment, substrat meuble

### Macroalgues intertidales substrat vaseux Masse d'Eau de Transition

- Elorn\_IV - 07/07/2017 - Quadrat 1 ← Passage : lieu – date – mnémonique (n°quadrat)
- Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 1
  - Algue - Pincée 1
    - Algue - Pincée 2
    - Algue - Pincée 3
  - Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 2 ← Prélèvement : engin de prélèvement - mnémonique du prélèvement (n°sous-quadrat)
  - Algue - Pincée 1
    - Algue - Pincée 2
    - Algue - Pincée 3
  - Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 3 ← Echantillon : support – mnémonique (n°pincée)
  - Algue - Pincée 1
    - Algue - Pincée 2
    - Algue - Pincée 3
- Elorn\_IV - 07/07/2017 - Quadrat 2
- Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 1
  - Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 2
  - Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 3
- Elorn\_IV - 07/07/2017 - Quadrat 3
- Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 1
  - Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 2
  - Quadrat 33 x 33 cm (0,1 m<sup>2</sup>) - Sous quadrat 3
- Elorn\_IV - 07/07/2017 - Quadrat 4
- Elorn\_IV - 07/07/2017 - Quadrat 5

### BD Récif – BELT Poissons

2/ Liste des observations

Station *	Numéro	Date *	Heure de l'observation	Profondeur (m)	Programme
126-P-026 - L'Ermitage_Le Toboggan - Trois chameaux (Pente ext...		17/02/2016	11:15	12,1 - 15 m	GCRMN_LAREUNION_BELT_POISS
126-P-027 - L'Ermitage_Le Toboggan_Trois chameaux (Platier)		24/02/2016	12:30	00 - 03 m	GCRMN_LAREUNION_BELT_POISS
126-P-028 - La Saline_Planch'Alizés (Platier)		02/02/2016	10:10	00 - 03 m	GCRMN_LAREUNION_BELT_POISS
126-P-029 - La Saline_Planch'Alizés (Pente externe)		16/02/2016	09:08	12,1 - 15 m	GCRMN_LAREUNION_BELT_POISS
126-P-030 - Saint-Leu_La Corne (Pente externe)		17/02/2016	09:02	12,1 - 15 m	GCRMN_LAREUNION_BELT_POISS
126-P-031 - Saint-Leu_La Corne (Platier)		09/03/2016	10:05	00 - 03 m	GCRMN_LAREUNION_BELT_POISS
126-P-032 - Saint-Leu_La Varangue (Platier)		09/03/2016	10:40	00 - 03 m	GCRMN_LAREUNION_BELT_POISS

Nouveau Dupliquer Editer Changer Etat Supprimer Suivant

3/ Liste des réplicats

Numéro *	Moyens d'acquisition *	Longueur transect (m)	Commentaire	Largeur observation (m)	Programme
1	Transect (toute longueur, toute largeur)	50		5	GIPRNMR - Groupement d'Intérêt Public -
3	Transect (toute longueur, toute largeur)	50		5	GIPRNMR - Groupement d'Intérêt Public -
2	Transect (toute longueur, toute largeur)	50		5	GIPRNMR - Groupement d'Intérêt Public -

Nouveau Dupliquer Editer Supprimer Suivant

**ATTENTION :**

- ❗ L'heure du passage n'est pas prise en compte dans la reprise des données ! Il faut donc qu'il n'y ait qu'un **seul passage** pour un même **lieu / date / mnémonique**.
- ❗ De même, le mnémonique des prélèvements doit être unique au sein d'un même passage et le mnémonique des échantillons unique par prélèvement.
- ❗ Pour BD Récif, les métadonnées doivent être validées et synchronisées dans le système central car le script de chargement des données ne peut rechercher les métadonnées que dans la base Quadrige, et pas sur le poste local de l'utilisateur.

Les autres résultats qui ne sont pas sur taxon :

- la granulométrie,
- le taux de MO,
- les prélèvements azoïques,
- etc.,

**doivent être saisis manuellement dans les applications dédiées** et peuvent être saisis en même temps que les métadonnées, c'est-à-dire avant que la reprise des résultats taxinomiques ne soit faite.

### 3. Saisie via le masque « Résultats taxons »

Ce masque de type Excel est accessible depuis le site de la cellule Quadrige :

[https://wwz.ifremer.fr/quadrige2\\_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques](https://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques)

#### 3.1. Présentation du fichier Excel

Le fichier de données d'entrée doit être **un fichier Excel .xls (format Excel 97-2003)**.

Depuis la v2 de ce format :

- **Le nom des colonnes doit être respecté** (« \_ » compris)
- **TOUTES les colonnes doivent figurer** dans le fichier, mais leur ordre n'a pas d'importance
- Il est **possible d'ajouter des colonnes supplémentaires** : elles ne seront pas utilisées pour l'import des données dans Quadrige, mais elles peuvent améliorer la lisibilité ou la constitution du fichier.

**Attention : Tous les onglets du fichier Excel sont repris** lors de l'intégration, ils doivent donc tous être sous ce même format ou vides. Ce fichier ne doit donc contenir aucune liste d'identifiant.

Voici les consignes de remplissage du fichier :

Nom de la colonne	Format	Remplissage	Obligation	Condition d'obligation
NUMERO_LIGNE	Numérique	Numéro de ligne incrémenté : pas de doublon! Cela permet de référencer chaque ligne en cas d'erreurs dans le fichier.	oui	
LIEU_ID	Numérique	Identifiant Quadrige du lieu de surveillance <i>Ex : 60002825</i>	oui	

Nom de la colonne	Format	Remplissage	Obligation	Condition d'obligation								
LIEU_LIBELLE	Texte	Libellé Quadrige du lieu de surveillance. Il doit être exactement identique à celui de Quadrige <b>à la lettre (et à l'espace) près!</b> <i>Ex : « Saint-Leu_La Corne (Platier) »</i>	oui									
DATE	dd/mm/yyyy	Date à laquelle a été effectuée le prélèvement terrain ou l'observation <i>Ex : 27/10/2018</i>	oui									
PASS_MNEMO	Texte	Mnémonique du passage tel que saisi dans Quadrige <i>Ex : « WA »</i>	non									
PREL_MNEMO	Texte	Mnémonique du prélèvement tel que saisi dans Quadrige <i>Ex : « WA1 »</i>	non									
ECH_MNEMO	Texte	Numéro de l'échantillon tel que saisi dans Quadrige <i>Ex : « 1 »</i>	non									
TAXON_LIBELLE_ORIGINE	Texte	Libellé d'origine du taxon (libellé des données brutes). Il figure dans le fichier à titre indicatif pour le saisisseur et pour refaire le lien avec le cahier de terrain ou de paillasse. <i>Ex : « Lysidice u. »</i>	non									
APHIA_ID	Numérique	<p>Aphia ID du taxon identifié. Peut-être récupéré sur le site du WoRMS ou de la cellule Quadrige (outil "Je compare les espèces de ma liste avec le référentiel taxinomique Q<sup>2</sup>").</p> <table border="1"> <thead> <tr> <th>Taxon</th> <th>APHIA_ID</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td><i>Lysidice unicornis</i></td> <td>742232</td> </tr> <tr> <td><i>Laona quadrata</i></td> <td>882941</td> </tr> <tr> <td><i>Ampelisca spinipes</i></td> <td>101928</td> </tr> </tbody> </table>	Taxon	APHIA_ID	<i>Lysidice unicornis</i>	742232	<i>Laona quadrata</i>	882941	<i>Ampelisca spinipes</i>	101928	Conditionnel	Obligatoire si les champs GROUPE_TAXONS_ID_Q2 et TAXON_NAME_ID_Q2 sont vides <b>OU</b> si le champ TAXON_NAME_ID_Q2 est vide et que vous souhaitez renseigner le taxon.
Taxon	APHIA_ID											
<i>Lysidice unicornis</i>	742232											
<i>Laona quadrata</i>	882941											
<i>Ampelisca spinipes</i>	101928											
TAXON_ID_Q2	Numérique	Identifiant unique du taxon dans Quadrige. Peut-être récupéré sur le site de la cellule Quadrige (outil "Je compare les espèces de ma liste avec le référentiel taxinomique Q <sup>2</sup> "). Vide si l'APhialID est rempli.	Conditionnel	Obligatoire si les champs GROUPE_TAXONS_ID_Q2 et APHIA_ID sont vides <b>OU</b> si le champ APHIA_ID est vide et que vous souhaitez renseigner le taxon. Il est notamment obligatoire pour les taxons dits "provisoires" (ex : Genre sp1)								
GROUPE_TAXONS_ID_Q2	Numérique	Identifiant Quadrige du groupe de taxon. Pour le récupérer, contacter la cellule Quadrige.	Conditionnel	Obligatoire si les champs APHIA_ID et TAXON_NAME_ID_Q2 sont vides. Peut être renseigné en même temps que l'un de ces deux champs si l'option BD Récif est cochée.								

Nom de la colonne	Format	Remplissage	Obligation	Condition d'obligation
NUMERO_INDIVIDU	Numérique	Numéro de l'individu analysé <i>Ex : 1</i>	Conditionnel	Obligatoire si vous souhaitez créer des subdivisions dans un échantillon <b>OU</b> si un taxon ou un groupe de taxon apparaît plus d'une fois pour un même échantillon et que vous lui associez plus d'un PSFM.
VALEUR_NUMERIQUE	Numérique	Valeur numérique du résultat (ex : nombre d'individus) <i>Ex : 8</i>	Conditionnel	Obligatoire si le champ VALEUR_QUALITATIVE est vide
VALEUR_QUALITATIVE	Texte	Libellé Quadrigé de la valeur qualitative. Il doit être exactement identique à celui de Quadrigé à la lettre (et à l'espace) près! <i>Ex : « Présence »</i>	Conditionnel	Obligatoire si le champ VALEUR_NUMERIQUE est vide
COMMENTAIRE_RESULTAT	Texte	Y recopier le TAXON_LIBELLE_ORIGINE et toute autre remarque sur le résultat <i>Ex : « Libellé taxon d'origine : Lysidice u. »</i>	non	
PARAMETRE	Texte	Libellé Quadrigé du paramètre analysé <i>Ex : « INDIVSNP »</i>	oui	
SUPPORT	Texte	Libellé Quadrigé du support analysé <i>Ex : « Macrofaune »</i>	oui	
FRACTION	Texte	Libellé Quadrigé de la fraction analysée <i>Ex : « Sans objet »</i>	oui	
METHODE	Texte	Libellé Quadrigé de la méthode d'analyse <i>Ex : « Comptage des taxons après tamisage 1 mm (maille ronde) »</i>	oui	
UNITE	Texte	Symbole Quadrigé de l'unité de mesure <i>Ex : « g », « unité », « sans unité », « m »</i>	oui	
ANALYSTE	Texte	Code Quadrigé de l'organisme ayant réalisé l'analyse (tel qu'écrit dans Quadrigé à la lettre près) <i>Ex : « ROSCO »</i>	oui	
SAISISSEUR	Texte	Code Quadrigé de l'intervenant saisisseur de la donnée (tel qu'écrit dans Quadrigé <sup>2</sup> à la lettre près) <i>Ex : « ROSCO »</i>	oui	
PROGRAMME1	Texte	Code Quadrigé du dispositif de collecte (= programme Quadrigé) <i>Ex : « REBENT_FAU »</i>	oui	
PROGRAMME2	Texte	Code Quadrigé du dispositif de collecte (= programme Quadrigé)	non	Ne remplir que si différent de PROGRAMME1 et qu'il y a lieu de rattacher le résultat à plusieurs programmes
PROGRAMME3	Texte	Code Quadrigé du dispositif de collecte (= programme Quadrigé)	non	

Nom de la colonne	Format	Remplissage	Obligation	Condition d'obligation
PROGRAMME4	Texte	Code Quadrigé du dispositif de collecte (= programme Quadrigé)	non	
PROGRAMME5	Texte	Code Quadrigé du dispositif de collecte (= programme Quadrigé)	non	
PROGRAMME6	Texte	Code Quadrigé du dispositif de collecte (= programme Quadrigé)	non	
NIVEAU_SAISIE_RESULTAT	Texte	Niveau de données Quadrigé sur lequel est créé le résultat ("PASS", "PREL" ou "ECHANT") <i>Ex : « ECHANT »</i>	oui	

Des exemples sont téléchargeables sur le site de l'assistance Quadrigé : [https://www.ifremer.fr/quadrig2\\_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques/Je-consulte-les-modes-d-emploi](https://www.ifremer.fr/quadrig2_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques/Je-consulte-les-modes-d-emploi)

## 3.2. Saisie du fichier Excel de données

### 3.2.1. Saisie des métadonnées

- 1) Saisissez le **numéro de la ligne** de résultat : commencez par 1 et incrémentez ce numéro sur les lignes suivantes. Ce numéro doit être rempli pour toutes les lignes de résultats qui ont été saisies et doit être unique dans la feuille Excel car il permet de retrouver les éventuels problèmes plus facilement (**obligatoire**).
- 2) Saisissez l'**identifiant du lieu** ainsi que son **nom** issu de Quadrigé (**obligatoire**).
- 3) Saisissez la **date du passage** sous le format « jj/mm/aaaa » ou « jj/mm/aa » (**obligatoire**).
- 4) Saisissez le **mnémonique du passage** que vous avez saisi dans Quadrigé (si le passage n'a pas de mnémonique, ne saisissez rien dans la colonne PASS\_MNEMO).
- 5) Saisissez le **mnémonique du prélèvement** que vous avez saisi dans Quadrigé et sur lequel sont attachés l'échantillon et les résultats que vous voulez saisir.
- 6) Saisissez le **mnémonique de l'échantillon** que vous avez saisi dans Quadrigé et sur lequel sont les résultats que vous voulez saisir.

1	2	3	4	5	6	
A	B	C	D	E	F	G
NUMERO_LIGNE	LIEU_ID	LIEU_LIBELLE	DATE	PASS_MNEMO	PREL_MNEMO	ECH_MNEMO
1	60002781	Pierre noire SM	07/03/2003	PN	PN1	1
2	60002781	Pierre noire SM	07/03/2003	PN	PN1	1
3	60002781	Pierre noire SM	07/03/2003	PN	PN1	2
4	60002781	Pierre noire SM	07/03/2003	PN	PN1	2
5	60002781	Pierre noire SM	07/03/2003	PN	PN2	1

- 7) Saisissez le **code du laboratoire analyste** et du **laboratoire saisisseur** (vérifiez l'orthographe des codes dans Quadrigé<sup>2</sup>) (**obligatoire**).

T	U
ANALYSTE	SAISISSEUR
ROSCO	ROSCO



- 8) Saisissez le **code du programme** (vérifiez l'orthographe de celui-ci dans Quadrige) (obligatoire).

Si les résultats font partis de plusieurs programmes saisissez le code de tous les programmes (jusqu'à 6 programmes maximum) et vérifiez que le passage, le prélèvement et l'échantillon sont bien attachés à tous ces programmes. Exemples :

V	W		V	W
PROGRAMME1	PROGRAMME2	OU	PROGRAMME1	PROGRAMME2
REBENT_FAU			REBENT_FAU	RNOBEN

- 9) Saisissez le **niveau de saisie du résultat**. Il indique où le résultat doit être intégré dans Q<sup>2</sup> ou BD Récif. Cela ne peut-être que l'une des trois valeurs suivantes : **PASS** (pour un résultat sur le passage), **PREL** (pour un résultat sur le prélèvement), **ECHANT** (pour un résultat sur l'échantillon).

AB	
<b>NIVEAU_SAISIE_RESULTAT</b>	
ECHANT	

Boyardville SM - 11/04/2011 - 13:20:00	
Benne Van Veen 0,1 m <sup>2</sup> - SMF_1 - 13:25:00	
U Macrofaune	← ECHANT
Benne Van Veen 0,1 m <sup>2</sup> - SMF_2 - 13:27:00	
U Macrofaune	← ECHANT
Benne Van Veen 0,1 m <sup>2</sup> - SMF_3 - 13:30:00	
U Macrofaune	← ECHANT
Benne Van Veen 0,1 m <sup>2</sup> - SMF_4 - 13:33:00	
U Macrofaune	← ECHANT
Benne Van Veen 0,1 m <sup>2</sup> - SMF_5 - 13:36:00	
U Macrofaune	← ECHANT
Main - Granulo	
U <sup>+</sup> Sédiment, substrat meuble	

**REMARQUE** : Tout ce qui est saisi dans ces champs doit correspondre scrupuleusement à ce qu'il y a dans Quadrige : même orthographe, même casse.

### 3.2.2. Saisie des résultats

- 1) Saisissez le **nom des taxons** tels qu'inscrits sur le cahier de pailleuse ou de terrain.

H
<b>TAXON_LIBELLE_ORIGINE</b>
Spisula elliptica
Laona quadrata
Ampelisca spinipes
Anapagurus hyndmanni
Leptosynapta inhaerens

- 2) Saisissez les **valeurs des résultats** (obligatoire) qui peuvent être :

- la **valeur numérique** :

M	N	O	P
<b>VALEUR_NUMERIQUE</b>	<b>VALEUR_QUALITATIVE</b>	<b>COMMENTAIRE_RESULTAT</b>	<b>PARAMETRE</b>
2			INDIVSNP
8			INDIVSNP
1			INDIVSNP
0,002			BIOMSPE
0,112			BIOMSPE
0,048			BIOMSPE

- OU la **valeur qualitative** :

N	O	P
VALEUR_QUALITATIVE	COMMENTAIRE_RESULTAT	PARAMETRE
Présence		PRESABS_TAX
Présence		PRESABS_TAX
Présence		PRESABS_TAX
Absence		PRESABS_TAX

**REMARQUE** : les valeurs qualitatives sont déjà définies dans Quadrigé pour chaque paramètre donc vous devez vérifier leur orthographe dans Quadrigé. Si vous voulez en ajouter, vous devez faire une demande d'ajout à cellule Quadrigé.

### 3) Saisissez les **commentaires des résultats** :

- descriptifs : « coquille cassée », « 2 juvéniles » ...
- nom du taxon identifié à l'origine : « Libellé taxon d'origine : *nom du taxon* » :

Pour le nom du taxon, vous pouvez vous aider d'une formule Excel :

= "Libellé taxon d'origine : "&H2 dans la colonne « COMMENTAIRE\_RESULTAT »

H	I	J	K	L	M	N	O
TAXON_LIBELLE_ORI	APHIA_ID	TAXON	GRUPE	NUMERO	VALEUR_NUME	VALEUR	COMMENTAIRE_RESULTAT
Spisula elliptica	140300				2		= "Libellé taxon d'origine : "&H2
Laona quadrata	882941				8		Libellé taxon d'origine:Laona quadrata

**REMARQUE** : il ne faut pas mettre de « ; » ni de retour chariot dans les commentaires des résultats car cela provoque des décalages de colonne lors des extractions des résultats depuis Quadrigé.

### 4) Saisissez les **PSFMUs** concernés : la liste est définie dans les stratégies du programme sur lequel vous saisissez les données. Elle peut vous être fournie par les responsables du programme ou bien consultée dans Quadrigé<sup>2</sup> :

Si vous voulez ajouter un PSF MU, vous devez en faire la demande aux responsables du programme concerné.

Exemples de saisie :

H	I	J	K	L	M	N	O	P	Q	R	S	T
Taxon_libelle_origine	Apia_id	taxon_id Q²	Groupe_taxons_id	Numero_indi	Valeur_num	Valeur_qual	Commentaire_resultat	Parametre	Support	Fraction	Methode	Unite
Alitta succinea	234850				1		Libellé taxon d'origine : Alitta succinea	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Antalis novemcostata	196381				1		Libellé taxon d'origine : Antalis novemcostata	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Corbula gibba	139410				30		Libellé taxon d'origine : Corbula gibba	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Euclymene oerstedii	130294				15		Libellé taxon d'origine : Euclymene oerstedii	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Heteromastus filiformis	129884				22		Libellé taxon d'origine : Heteromastus filiformis	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Kurtiella bidentata	345281				204		Libellé taxon d'origine : Kurtiella bidentata	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Cnidaria sp1		80001520			9		Libellé taxon d'origine : Cnidaria sp1	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Cnidaria sp2		60001521			2		Libellé taxon d'origine : Cnidaria sp2	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Cnidaires carnivores			60000252		6		Libellé taxon d'origine : Cnidaires carnivores	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
NEMERTINA	1053				7		Libellé taxon d'origine : NEMERTINA	INDIVSNP	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg unité)	
Porifera	558					Présence	Libellé taxon d'origine : Porifera	PRESABS_TAX	Macrofaune	Sans objet	Comptage des taxons après tamisage 1 mm (mg sans unité)	
Alitta succinea	234850				0.002		Libellé taxon d'origine : Alitta succinea	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après séchage 60°C	g
Euclymene oerstedii	130294				0.112		Libellé taxon d'origine : Euclymene oerstedii	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après séchage 60°C	g
Heteromastus filiformis	129884				0.048		Libellé taxon d'origine : Heteromastus filiformis	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après séchage 60°C	g
NEMERTINA	1053				0.007		Libellé taxon d'origine : NEMERTINA	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après séchage 60°C	g
Antalis novemcostata	196381				0.002		Libellé taxon d'origine : Antalis novemcostata	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après décalcification et séchage 60°C	g
Corbula gibba	139410				0.062		Libellé taxon d'origine : Corbula gibba	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après décalcification et séchage 60°C	g
Kurtiella bidentata	345281				0.027		Libellé taxon d'origine : Kurtiella bidentata	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après décalcification et séchage 60°C	g
Alitta succinea	234850				0.002		Libellé taxon d'origine : Alitta succinea	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après calcination 4h 450°C	g
Antalis novemcostata	196381				0.001		Libellé taxon d'origine : Antalis novemcostata	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après calcination 4h 450°C	g
Corbula gibba	139410				0.052		Libellé taxon d'origine : Corbula gibba	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après calcination 4h 450°C	g
Euclymene oerstedii	130294				0.066		Libellé taxon d'origine : Euclymene oerstedii	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après calcination 4h 450°C	g
Heteromastus filiformis	129884				0.024		Libellé taxon d'origine : Heteromastus filiformis	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après calcination 4h 450°C	g
Kurtiella bidentata	345281				0.020		Libellé taxon d'origine : Kurtiella bidentata	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après calcination 4h 450°C	g
NEMERTINA	1053				0.006		Libellé taxon d'origine : NEMERTINA	BIOMSPE	Macrofaune	Sans objet	Pesée après calcination 4h 450°C	g

### REMARQUE :

- Si un prélèvement est azoïque, cette donnée doit être saisie manuellement dans Quadrigé<sup>2</sup> car ce n'est pas un résultat sur taxon.
- **Ne supprimez surtout pas de colonnes même si vous ne les utilisez pas.**
- Ne modifiez pas l'ordre des colonnes.

### 3.2.3. Saisie des identifiants des taxons / groupes de taxons

A partir du « libellé taxon origine » qui correspond au nom noté sur le cahier de paillasse ou de terrain, vous devez indiquer un identifiant taxon reconnu par le système Quadrige dans le référentiel. A compléter dans l'ordre :

#### 1) L'APHIA\_ID des taxons = identifiant WoRMS du taxon

Sur le site du WoRMS (<http://www.marinespecies.org/>) l'aphia\_id des taxons est indiqué sur chaque fiche taxon :

WoRMS taxon details

★ **Ampharete acutifrons (Grube, 1860)**

**AphiaID** 129775 (urn:lsid:marinespecies.org:taxname:129775)

**Classification** Biota > ★ Animalia (Kingdom) > ★ Annelida (Phylum) > ★ Polychaeta (Class) > ★ Sedentaria (Subclass) > ★ Canalipalpata (Order) > ★ Ampharetidae (Family) > ★ Ampharetinae (Subfamily) > ★ Ampharete (Genus) > ★ Ampharete acutifrons (Species)

**Status** accepted

**Rank** Species

**Parent** ★ Ampharete Malmgren, 1866

**Orig. name** ★ Amphicteis acutifrons Grube, 1860

**Synonymised names** ★ Ampharete cirrata Webster & Benedict, 1887 (subjective synonym)

Vous pouvez aussi récupérer les aphia\_id d'une liste de taxons en utilisant l'outil Internet « Match Taxa » :

Home About Subregisters Users Photogallery Documents Lit

Q Taxa Literature Distribution Specimen Editors Statistics **Tools**

- Match taxa
- Webservices
- Taxon tree
- IDKeys

Si l'APHIA\_ID du taxon est rempli, vous n'avez pas besoin d'indiquer un identifiant Quadrige.

#### 2) L'identifiant Quadrige du taxon (TAXON\_ID\_Q2)

Si le taxon que vous recherchez n'existe pas dans le WoRMS, il vous faut un identifiant Quadrige. Vous pouvez le récupérer via l'outil Internet de la Cellule Quadrige :

LA CELLULE QUADRIGE MON SUPPORT QUADRIGE **MES RÉFÉRENTIELS** MES DONNÉES LA QUALIFICATION DE MES DONNÉES

Mes référentiels Je recherche des informations sur les taxons

## Je recherche des informations sur les taxons

### Référentiel taxinomique

- Récupérer le référentiel taxinomique de Quadrige<sup>2</sup> (classification complète avec tous les taxons pères, + une option pour récupérer également les taxons fils) d'une liste de taxons importée sous forme de fichier Excel ou csv
- Comparaison d'une liste d'espèces avec le référentiel taxinomique de Quadrige<sup>2</sup>
- Récupérer les informations concernant un taxon directement sur le site du WoRMS avec une liste de AphiaID importée sous forme de fichier csv.

Je récupère l'arbre de taxons de ma liste

Je compare les espèces de ma liste avec le référentiel taxinomique Q<sup>2</sup>

- 3) *L'identifiant Quadrigé du Groupe de Taxons* lorsqu'il ne s'agit pas d'un taxon à proprement parler (ex : « Algues dressées »)

Vous pouvez les trouver via l'outil « Je recherche un code SANDRE du site de la Cellule Quadrigé :

## Je recherche un code Sandre

3

4

Rechercher un jeu de données complet

Indiquer le jeu de données à afficher : Taxon (groupe) ▼

Rechercher Réinitialiser

Rechercher une ou plusieurs données d'un jeu

Rechercher plusieurs données à partir d'un fichier csv

### Résultat de la recherche - 324 résultats trouvés

Tout télécharger :

- [Fichier PDF](#) ← 5
- [Fichier CSV](#)

Nombre de lignes par page: 50 ▼

Première page | [2](#) | [3](#) | [4](#) | [5](#) | [6](#) | [Dernière page \(7\)](#) : 1 Go

Libellé Quadrigé <sup>2</sup>	Code Quadrigé <sup>2</sup>	Code Sandre	Détails
Abramis brama + Blicca bjoerkna	60006120	139	<a href="#">Voir fiche</a>
Acropore	60000880	228	<a href="#">Voir fiche</a>
Acropore branchu	60000090	104	<a href="#">Voir fiche</a>
Acropore digité	60000091	105	<a href="#">Voir fiche</a>
Acropore encroûté	60000261	232	<a href="#">Voir fiche</a>

### 3.2.4. Finalisation de la saisie

- 1) Recopiez les métadonnées afin que toutes ces informations soient renseignées pour tous les résultats. C'est-à-dire : le **numéro de ligne**, l'**identifiant du lieu**, le **nom du lieu**, la **date** du passage, le **mnémonique du passage**, le **mnémonique du prélèvement** ainsi que le **laboratoire analyste**, le **laboratoire saisisseur** et le(s) **programme(s)**, le **niveau de saisie du résultat** (cf. Exemple page suivante).
- 2) Recommencez ces 4 étapes pour les résultats des autres prélèvements de ce passage et pour les autres passages que vous voulez saisir (cf. Exemple page suivante).
- 3) Enregistrez votre fichier en **.xls** (Excel 2003 et versions antérieures).

**ATTENTION** aux copier-coller dans Excel et au double-clic dans l'angle en bas à droite de la cellule qui permet d'étendre les données mais qui risquent d'incrémenter les valeurs qu'il ne faut pas incrémenter comme les identifiants des lieux, les dates, les mnémoniques...

### 3.2.5. Vérifications des saisies avant l'envoi

Avant d'envoyer votre fichier de reprise à la cellule Quadrigé<sup>2</sup>, vous devez vérifier :

- Que toutes les métadonnées sont écrites de la même manière que dans Quadrigé (même orthographe, même lettre en majuscule ...) ;
- Que soit l'Aphia\_id, soit le Taxon\_name\_id\_Q2 soit le Groupe\_taxons\_id\_Q2 a été saisi pour tous les taxons et groupes de taxons ;
- Qu'il n'y a **aucun doublon** : il ne faut pas qu'il y ait deux fois le même taxon ou groupe de taxons associé au même PSFM pour le même prélèvement.

**Exemples de doublons : à ne pas faire !**

C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P
LIEU_LIB	DATE	PAS	PREL_N	ECH_M	TAXON_LIBELLE_ORIG	APHIA_ID	f	NUMEF	VALEUR_NUMERIQ	VALEU	COMMENTAIRE_RESULTAT	PARAMETRE	
Vilaine Large E	05/04/2011	WA	WA3	1	Antalis vulgaris	196380			1		Libellé taxon d'origine:Antalis vulgaris	INDIVSNP	
Vilaine Large E	05/04/2011	WA	WA3	1	Antalis vulgaris	196380			12		Libellé taxon d'origine:Antalis vulgaris	INDIVSNP	

Dans ces cas-là, il vous faudra soit additionner les deux valeurs et ne saisir qu'une ligne, soit renseigner un numéro d'individu si la distinction entre les deux lignes est volontaire :

C	D	E	F	G	H	I	J	K	L	M	N	O	P
LIEU_LIB	DATE	PAS	PREL_N	ECH_M	TAXON_LIBELLE_ORIG	APHIA_ID	f	NUMEF	VALEUR_NUMERIQ	VALEU	COMMENTAIRE_RESULTAT	PARAMETRE	
Vilaine Large E	05/04/2011	WA	WA3	1	Antalis vulgaris	196380		1	1		Libellé taxon d'origine:Antalis vulgaris	INDIVSNP	
Vilaine Large E	05/04/2011	WA	WA3	1	Antalis vulgaris	196380		2	12		Libellé taxon d'origine:Kurtiella bidentata	INDIVSNP	

## 4. Test de la conformité du fichier

Une fois que vous avez rempli et enregistré votre fichier au format **.xls** (Excel 2003 et versions antérieures) et que vous l'avez vérifié, vous devez aller sur le site de la Cellule d'administration Quadrigé<sup>2</sup>, dans l'onglet « MES DONNEES > J'intègre mes résultats taxinomiques » > Tester la conformité du fichier au format type :

[https://wwz.ifremer.fr/quadrigé2\\_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques/Je-teste-mon-fichier-de-resultats-taxinomiques](https://wwz.ifremer.fr/quadrigé2_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques/Je-teste-mon-fichier-de-resultats-taxinomiques).

Quadrigé<sup>2</sup> - Cellule d'administration
Support

LA CELLULE QUADRIGE    MON SUPPORT QUADRIGE    MES RÉFÉRENTIELS    **MES DONNÉES**    LA QUALIFICATION DE MES DONNÉES    FAQ<sup>2</sup>    BD RÉCIF

Mes données

Je vérifie que mon programme / stratégie est à jour

Je respecte les consignes de saisie

- REMI
- Aquacoles
- REPHY
- REBENT National
- Océan Indien
- Format et import de fichiers de formes dans Quadrigé

J'intègre mes données à l'aide de Quadrilabo

- Je consulte le manuel Quadrilabo
- Je respecte le format du fichier Quadrilabo
- Je teste la conformité de mon fichier Quadrilabo
- J'intègre mon fichier Quadrilabo

J'intègre mes données Phanérogames

J'intègre mes résultats taxinomiques

- Je consulte les modes d'emploi
- Je teste mon fichier de résultats taxinomiques
- Je dépose mon fichier de résultats taxinomiques

Je vérifie l'état des saisies sur mon programme

L'outil permet de vérifier la conformité d'un fichier de **résultats taxinomiques** en vue de son intégration dans Quadrigé<sup>2</sup> (import de résultats sur des passages / prélèvements / échantillons préalablement saisis dans Quadrigé).

**ATTENTION : nouvelle version v2 : ajout de la colonne UNITE (voir [consignes](#))**

L'option « BD Récif » permet d'intégrer des résultats avec taxon ET groupe de taxons (ce qui est interdit dans Quadrigé<sup>2</sup>).

Programme :  *Ne mettre qu'un seul programme si plusieurs programmes sont concernés.*

Adresse e-mail :

Fichier :  Aucun fichier sélectionné.  Import BD Récif

Version :  v2

*Le fichier doit être au format excel 97-2003 avec extension .xls*

Pour télécharger un modèle de fichier et les consignes de remplissage, consultez la page « [Je consulte les modes d'emploi](#) ».

Sur cette page, vous devez renseigner :

- le programme auquel vos données appartiennent (= code Quadrigé) ;
- votre adresse e-mail avec laquelle vous avez été inscrit dans Quadrigé ;
- le fichier à intégrer (.xls) ;
- Cocher l'option « BD Récif » si vous intégrez des données pour les visualiser dans BD Récif.

**REMARQUE :** vous devez être déclaré comme saisisseur dans Quadrigé<sup>2</sup> sur le programme que vous avez renseigné pour pouvoir intégrer des données.

Puis cliquez sur « Envoyer ». Un message vous indiquera alors que votre fichier va être traité.

Différents critères du fichier seront alors testés afin de vérifier que toutes les données rentrent bien dans Quadrigé et un mail vous sera ensuite envoyé pour vous prévenir de la conformité ou non de votre fichier.

**ATTENTION :** En cas de problème lors du dépôt de votre fichier ou de non réception du mail, ne tentez pas de réintégrer votre fichier mais veuillez contacter la cellule d'administration ([q2suppor@ifremer.fr](mailto:q2suppor@ifremer.fr)).

En cas de non-conformité, le mail contient en pièce jointe un ou deux fichiers de rejets vous indiquant les problèmes rencontrés :

- xxx\_rejects.csv : contient les rejets concernant le format des champs, les référentiels et les métadonnées ;
- xxx\_rejects\_doublons.csv : contient les doublons présents dans votre fichier initial (même taxon avec le même numéro d'individu associé au même PSFM dans le même prélèvement).

Vous devrez alors corriger ces problèmes et redéposer votre fichier corrigé sur le site de la cellule comme indiqué ci-dessus.

Les tests seront alors de nouveau effectués et si d'autres erreurs sont présentes, vous recevrez un nouveau mail d'échec avec les rejets que vous devrez corriger et vous devrez redéposer votre fichier corrigé et ainsi de suite jusqu'à ce qu'il n'y ait plus d'erreurs.

**REMARQUE :** Tant qu'il y aura des erreurs dans le fichier de reprise, aucune donnée ne sera intégrée dans Quadrigé<sup>2</sup>.



## 5. Intégration des données dans Quadrigé

Une fois la conformité du fichier notifiée par mail (cf. étape 4), vous pouvez intégrer votre fichier dans Quadrigé : sur le site de la Cellule Quadrigé, dans l'onglet « MES DONNEES > Je dépose mon fichier de résultats taxinomiques » :

[https://wwz.ifremer.fr/quadrige2\\_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques/Je-depose-mon-fichier-de-resultats-taxinomiques](https://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-donnees/J-integre-mes-resultats-taxinomiques/Je-depose-mon-fichier-de-resultats-taxinomiques).

L'outil permet l'intégration des **résultats taxinomiques** dans Quadrigé<sup>2</sup>. Il permet d'importer les résultats sur des passages / prélèvements / échantillons **préalablement saisis** dans Quadrigé. Les résultats sont intégrés sur des passages / prélèvements / échantillons qui doivent être identifiés de façon unique dans la base. L'unicité est basée sur les champs suivants :

- Passages : Lieu (identifiant – libellé) + date + mnémonique passage
- Prélèvement : mnémonique prélèvement
- Echantillon : mnémonique échantillon + support.

**Dès qu'il existe plusieurs fils totalement identiques, ce programme ne peut pas fonctionner!**

**ATTENTION : nouvelle version v2 : ajout de la colonne UNITE (voir [consignes](#))**

L'option « BD Récif » permet d'intégrer des résultats avec taxon ET groupe de taxons (ce qui est interdit dans Quadrigé<sup>2</sup>).

Programme :  *Ne mettre qu'un seul programme si plusieurs programmes sont concernés.*

Adresse e-mail :

Fichier :  Aucun fichier sélectionné.  Import BD Récif

Version :  v2

*Le fichier doit être au format excel 97-2003 avec extension .xls*

Pour télécharger un modèle de fichier et les consignes de remplissage, consultez la page « [Je consulte les modes d'emploi](#) ».

Sur cette page, vous devez renseigner :

- le programme auquel vos données appartiennent (= code Quadrigé) ;
- votre adresse e-mail avec laquelle vous avez été inscrit dans Quadrigé ;
- le fichier à intégrer (.xls) ;
- Cocher l'option « BD Récif » si vous intégrez des données pour les visualiser dans BD Récif

Envoyer le fichier et attendre le mail de notification qui vous confirmera l'intégration des données.

## 6. Contrôle/Validation des données

Une fois que toutes vos données seront intégrées, vous devrez vous-même contrôler et valider vos données directement dans Quadrigé<sup>2</sup> ou BD Récif car la reprise ne le fait pas.

## 7. Annexe : Trucs et astuces pour la recherche des identifiants et codes

Avant de commencer la saisie dans le fichier Excel, assurez-vous d'avoir les informations suivantes :

- Les identifiants de l'ensemble des taxons présents dans les résultats (Aphia\_ID ou Taxon\_name\_id\_Q2 ou Groupe\_taxons\_id\_Q2)

*Si vous ne les avez pas référez-vous aux paragraphes 7.1.1 - Recherche de l'AphiaID des taxons, 7.1.2 - Recherche du TAXON\_NAME\_ID Quadrige, 7.1.3 - Recherche du GROUPE\_TAXONS\_ID Quadrige.*

- Les identifiants des lieux de surveillance

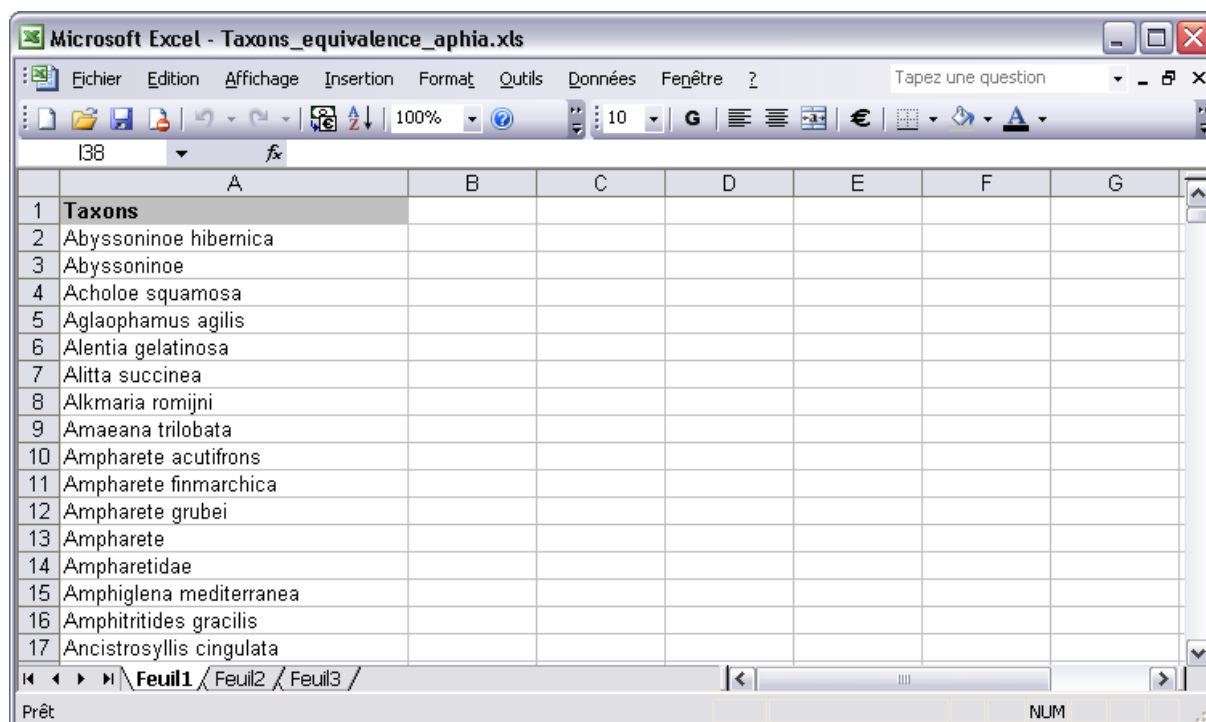
*Si vous ne les avez pas référez-vous au paragraphe 7.1.4 - Recherche des identifiants des lieux de surveillance.*

### 7.1.1. Recherche de l'AphiaID des taxons

Si vous n'avez pas l'AphiaID des taxons de vos résultats, il est possible de les retrouver grâce au WoRMS :

- 1) Ouvrez un nouveau fichier Excel et collez la liste de **tous les taxons présents dans tous vos résultats, sans doublons** et enregistrez ce document.

**Remarque** : Il ne faut pas mettre de taxon sp1 et sp2 dans la liste car le WoRMS ne les distinguera pas (exemple : pour le WoRMS : Cnidaria sp1 et Cnidaria sp2 = Cnidaria). Ces taxons sont créés à la demande dans Quadrige mais ils sont considérés comme des taxons provisoires qui devront être identifiés via leur « taxon\_name\_id Q2 » (cf. §7.1.2).



- 2) Allez sur le site du WoRMS : <http://www.marinespecies.org/> et cliquez sur l'onglet « Match taxa ».



**WoRMS**  
World Register of Marine Species

Home About Subregisters Users Photogallery Documents LifeWatch Contribute

Quick search... Taxa Literature Distribution Specimen Editors Statistics Tools Manual Log in

**Match taxa**

You can use the WoRMS Taxon Match Tool ([credits](#)) to automatically match your species list or taxon list with WoRMS. After matching, the tool will return your file with the AphiaID's, valid names, authorities, WoRMS classification and/or any other output you selected. [[View manual](#)]

For performance reasons, the limit is set to 1,500 rows. For matching larger files, non-marine or multiple datasources, please use the [Lifewatch Taxonomic Backbone](#).

File\*  Aucun fichier sélectionné.

Allowed filetypes: Plain text [TXT], Comma Separated [CSV] & Excel Sheet [XLS, XLSX]

Row delimiter: Return & linefeed (CR+LF)  First row contains column names

Column delimiter: Semicolon (;)

Match authority:

Match upto: ScientificName Higher taxa only possible if a full classification is given in additional columns

Limit to:

taxa belonging to:

Output:  AphiaID  LSID  TSN  ScientificName  Authority  Accepted name  Classification  Qualitystatus  Taxon status  Environment  Citation

- 3) Sélectionnez votre fichier, remplissez les différents champs de la page comme indiqué ci-dessous et cliquez sur « Next » :

**WoRMS Taxon match**

You can use the WoRMS Taxon Match Tool ([credits](#)) to automatically match your species list or taxon list with WoRMS. After matching, the tool will return your file with the AphiaID's, valid names, authorities, WoRMS classification and/or any other output you selected. [[View manual](#)]

For performance reasons, the limit is set to 1,500 rows. For matching larger files, non-marine or multiple datasources, please use the [Lifewatch Taxonomic Backbone](#).

File\*  Aucun fichier sélectionné.

Allowed filetypes: Plain text [TXT], Comma Separated [CSV] & Excel Sheet [XLS, XLSX]

Row delimiter: Return & linefeed (CR+LF)  First row contains column names

Column delimiter: Semicolon (;)

Match authority:

Match upto: ScientificName Higher taxa only possible if a full classification is given in additional columns

Limit to:

taxa belonging to:

Output:  AphiaID  LSID  TSN  ScientificName  Authority  Accepted name  Classification  Qualitystatus  Taxon status  Environment  Citation

- 4) Vérifiez la prévisualisation et cliquez sur « Match » :

## WoRMS Taxon match

Preview for the file 'taxons\_equivalence\_aphia.xls' (first 20 records) [[new match](#)]

Please select a WoRMS term that corresponds to your column and click 'Match'.

ScientificName

**Taxons**

- Abra alba
- Abra tenuis
- Acteon tornatilis
- Alitta succinea
- Ampelisca armoricana
- Ampelisca brevicornis
- Ampelisca sarsi
- Ampelisca spinimana
- Ampharete acutifrons
- Amphipholis squamata
- Amphiura filiformis
- Ampithoe ferox
- Anapagurus chiroacanthus
- Anapagurus hyndmanni
- Anapagurus laevis
- Antalis novemcostata
- Antalis vulgaris

[[options](#)] [[preview](#)]

5) Vérifiez que tous les taxons aient bien été trouvés :

## WoRMS Taxon match

Match preview for the file 'taxons\_equivalence\_aphia.xls' - matching: 99.57% [[new match](#)]

If available, please select the [WoRMS](#) taxon that corresponds to your taxon. Then click 'Download'.

ScientificName	WoRMS match
Abra alba	Abra alba (W. Wood, 1802)
Abra tenuis	Abra tenuis (Montagu, 1803)
Acteon tornatilis	Acteon tornatilis (Linnaeus, 1758)
Alitta succinea	Alitta succinea (Leuckart, 1847)
Ampelisca armoricana	Ampelisca armoricana Bellan-Santini & Dauvin, 1981
Ampelisca brevicornis	Ampelisca brevicornis (Costa, 1853)
Ampelisca sarsi	Ampelisca sarsi Chevreux, 1888
Ampelisca spinimana	Ampelisca spinimana Chevreux, 1900
Ampharete acutifrons	Ampharete acutifrons (Grube, 1860)
Amphipholis squamata	Amphipholis squamata (Delle Chiaje, 1828)
Amphiura filiformis	Amphiura filiformis (O.F. Müller, 1776)
Ampithoe ferox	Ampithoe ferox (Chevreux, 1901)
Anapagurus chiroacanthus	Anapagurus chiroacanthus (Lilljeborg, 1856)
Anapagurus hyndmanni	<input type="text" value="(ambiguous - select below)"/>
Anapagurus laevis	Anapagurus laevis (Bell, 1845)
Antalis novemcostata	Antalis novemcostata (Lamarck, 1818)
Antalis vulgaris	Antalis vulgaris (da Costa, 1778)
Aonides oxycephala	Aonides oxycephala (Sars, 1862)
Aphelochaeta marioni	Aphelochaeta marioni (de Saint Joseph, 1894)
Aphrodita aculeata	Aphrodita aculeata Linnaeus, 1758
Arenicola marina	Arenicola marina (Linnaeus, 1758)

Excel sheet
  Excel 2007 sheet
  Text file
  SGML

6) Résolvez les problèmes :

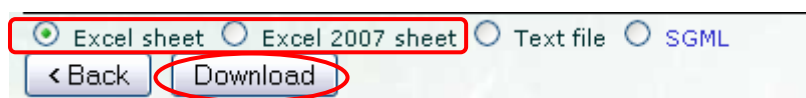
- Des taxons n'ont pas été reconnus (« none ») : vérifiez ces taxons, remplacez les par le bon taxon si possible dans le fichier Excel du départ et relancez la recherche du WoRMS.

Acanthocardia (Rudicardium) tuberculata **Acanthocardia tuberculata (Linnaeus, 1758)**  
 ACTINARIA (none)  
 Ascidia sp. **Ascidia Linnaeus, 1767**

- Un libellé de taxon est ambiguë : le WoRMS vous propose alors plusieurs taxons (« ambiguous - select below »). Vous devez alors définir de quel taxon il s'agit :

Anapagurus chiroacanthus **Anapagurus chiroacanthus (Lilljeborg, 1856)**  
 Anapagurus hyndmanni (ambiguous - select below)  
 Anapagurus laevis (ambiguous - select below)  
 Antalis novemcostata **Anapagurus hyndmanni (Bell, 1845) [exact]**  
 Antalis vulgaris **Anapagurus hyndmanni (Thompson, 1844) [exact]**  
 Aonides oxycephala **Aonides oxycephala (Sars, 1862)**

- 7) Une fois que la liste est complète et que toutes les vérifications ont été faites, téléchargez le fichier du Worms :



- 8) Vous récupérez alors un nouveau fichier Excel :

	A	B	C	D	E	F	G	H	I
	Taxons		AphiaID	Match type	Taxon status	ScientificName	Authority	AphiaID_accepted	ScientificName_accepted
1	Abra alba		141433	exact	accepted	Abra alba	(W. Wood, 1802)	141433	Abra alba
2	Abra tenuis		141439	exact	accepted	Abra tenuis	(Montagu, 1803)	141439	Abra tenuis
3	Acteon tomatis		138691	exact	accepted	Acteon tomatis	(Linnaeus, 1758)	138691	Acteon tomatis
4	Alitta succinea		234850	exact	accepted	Alitta succinea	(Leuckart, 1847)	234850	Alitta succinea
5	Ampelisca armoricana		101888	exact	accepted	Ampelisca armoricana	Bellan-Santini & Dauvin, 1981	101888	Ampelisca armoricana
6	Ampelisca brevicornis		101891	exact	accepted	Ampelisca brevicornis	(Costa, 1853)	101891	Ampelisca brevicornis
7	Ampelisca sarsi		101923	exact	accepted	Ampelisca sarsi	Chevreux, 1868	101923	Ampelisca sarsi
8	Ampelisca spinimana		101927	exact	accepted	Ampelisca spinimana	Chevreux, 1900	101927	Ampelisca spinimana
9	Ampharete acutifrons		129775	exact	accepted	Ampharete acutifrons	(Grube, 1860)	129775	Ampharete acutifrons
10	Amphipholis squamata		125064	exact	accepted	Amphipholis squamata	(Delle Chiaje, 1828)	125064	Amphipholis squamata
11	Amphiura filiformis		125080	exact	accepted	Amphiura filiformis	(O.F. Müller, 1776)	125080	Amphiura filiformis
12	Amphithoe ferox		101994	exact	accepted	Amphithoe ferox	(Chevreux, 1901)	101994	Amphithoe ferox
13	Anapagurus chiroacanthus		107215	exact	accepted	Anapagurus chiroacanthus	(Lilljeborg, 1856)	107215	Anapagurus chiroacanthus
14	Anapagurus hyndmanni		107217	exact	accepted	Anapagurus hyndmanni	(Bell, 1845)	107217	Anapagurus hyndmanni
15	Anapagurus laevis		107218	exact	accepted	Anapagurus laevis	(Bell, 1845)	107218	Anapagurus laevis
16	Antalis novemcostata		196381	exact	accepted	Antalis novemcostata	(Lamarck, 1818)	196381	Antalis novemcostata
17	Antalis vulgaris		196380	exact	accepted	Antalis vulgaris	(da Costa, 1778)	196380	Antalis vulgaris
18	Aonides oxycephala		131106	exact	accepted	Aonides oxycephala	(Sars, 1862)	131106	Aonides oxycephala
19	Aphelochaeta marioni		129938	exact	accepted	Aphelochaeta marioni	(de Saint Joseph, 1894)	129938	Aphelochaeta marioni
20	Aphrodita aculeata		129840	exact	accepted	Aphrodita aculeata	Linnaeus, 1758	129840	Aphrodita aculeata
21	Arenicola marina		129868	exact	accepted	Arenicola marina	(Linnaeus, 1758)	129868	Arenicola marina
22	Ascidiella aspersa		103718	exact	accepted	Ascidiella aspersa	(Müller, 1776)	103718	Ascidiella aspersa
23	Asthenognathus atlanticus		107468	exact	accepted	Asthenognathus atlanticus	Monod, 1933	107468	Asthenognathus atlanticus
24	Atelecyclus rotundatus		107273	exact	accepted	Atelecyclus rotundatus	(Oliv, 1792)	107273	Atelecyclus rotundatus
25	Athanas nitescens		107486	exact	accepted	Athanas nitescens	(Leach, 1813)	107486	Athanas nitescens
26	Axelsonia littoralis		118138	exact	accepted	Axelsonia littoralis	(Moniez, 1890)	118138	Axelsonia littoralis
27	Balanus perforatus		106219	exact	accepted	Balanus perforatus	Bruguière, 1789	106219	Balanus perforatus
28	Bathyporeia pelagica		103066	exact	accepted	Bathyporeia pelagica	(Bate, 1856)	103066	Bathyporeia pelagica
29	Bathyporeia pilosa		103068	exact	accepted	Bathyporeia pilosa	Lindström, 1855	103068	Bathyporeia pilosa
30	Bathyporeia sarsi		103073	exact	accepted	Bathyporeia sarsi	Watkin, 1938	103073	Bathyporeia sarsi
31	Bodotria scorioides		110445	exact	accepted	Bodotria scorioides	(Montagu, 1804)	110445	Bodotria scorioides
32	Bunodactis verrucosa		100819	exact	unaccepted	Bunodactis verrucosa	(Pennant, 1777)	100819	Aulactinia verrucosa
33	Calyptrea chinensis		138961	exact	accepted	Calyptrea chinensis	(Linnaeus, 1758)	138961	Calyptrea chinensis
34	Carcinus maenas		107381	exact	accepted	Carcinus maenas	(Linnaeus, 1758)	107381	Carcinus maenas
35	Cerastoderma edule		138998	exact	accepted	Cerastoderma edule	(Linnaeus, 1758)	138998	Cerastoderma edule
36	Cereus pedunculatus		100987	exact	accepted	Cereus pedunculatus	(Pennant, 1777)	100987	Cereus pedunculatus
37	Chamelea striatula		141908	exact	accepted	Chamelea striatula	(da Costa, 1778)	141908	Chamelea striatula
38	Chlamys varia		140696	exact	unaccepted	Chlamys varia	(Linnaeus, 1758)	236719	Mimachlamys varia
39	Ciona intestinalis		103732	exact	accepted	Ciona intestinalis	(Linnaeus, 1767)	103732	Ciona intestinalis

Il faudra alors utiliser le champ « AphiaID » pour remplir le fichier Excel (cf. 3.2.3).

### 7.1.2. Recherche du TAXON\_NAME\_ID Quadrige

Pour tous les taxons qui n'ont pas été reconnus par le WoRMS et pour ceux qui n'existent que dans Quadrige (taxons virtuels, taxons provisoires), il faut récupérer l'identifiant de référence du taxon dans Quadrige (TAXON\_NAME\_ID).

Pour cela, vérifiez si les taxons existent dans Quadrige en comparant votre liste de taxons (fichier XLS ou CSV) via le site de la cellule Quadrige : [https://wwz.ifremer.fr/quadrige2\\_support/Mes-referentiels/Je-recherche-des-informations-sur-les-taxons/Je-compare-les-especes-de-ma-liste-avec-le-referentiel-taxinomique-Q2](https://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-referentiels/Je-recherche-des-informations-sur-les-taxons/Je-compare-les-especes-de-ma-liste-avec-le-referentiel-taxinomique-Q2).

Si les taxons n'existent pas dans Quadrige : faites une demande d'ajout à l'assistance Quadrige<sup>2</sup> ([https://wwz.ifremer.fr/quadrige2\\_support/Mes-referentiels/Je-demande-un-ajout-au-referentiel/Taxon](https://wwz.ifremer.fr/quadrige2_support/Mes-referentiels/Je-demande-un-ajout-au-referentiel/Taxon)) et demandez à recevoir le TAXON\_NAME\_ID des taxons créés.

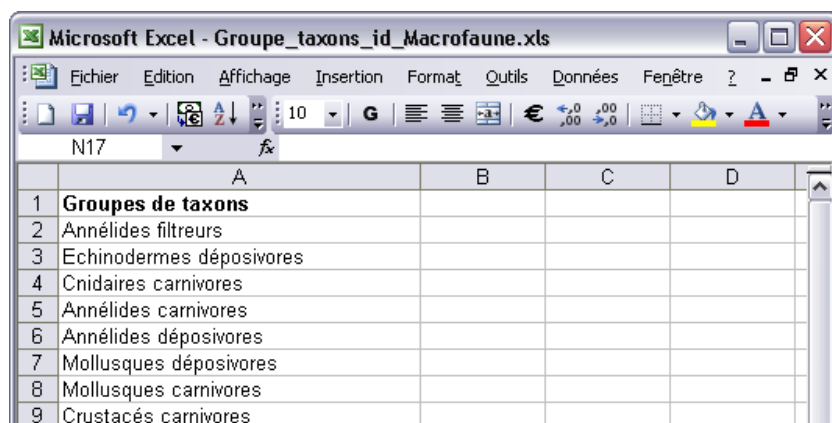
### 7.1.3. Recherche du GROUPE\_TAXONS\_ID Quadrige

Pour tous les groupes de taxons, il faut récupérer l'identifiant dans Quadrige<sup>2</sup> (Groupe\_taxons\_id\_Q2).

Pour cela, vous devez d'abord vérifier si les groupes de taxons existent dans Quadrige<sup>2</sup>.

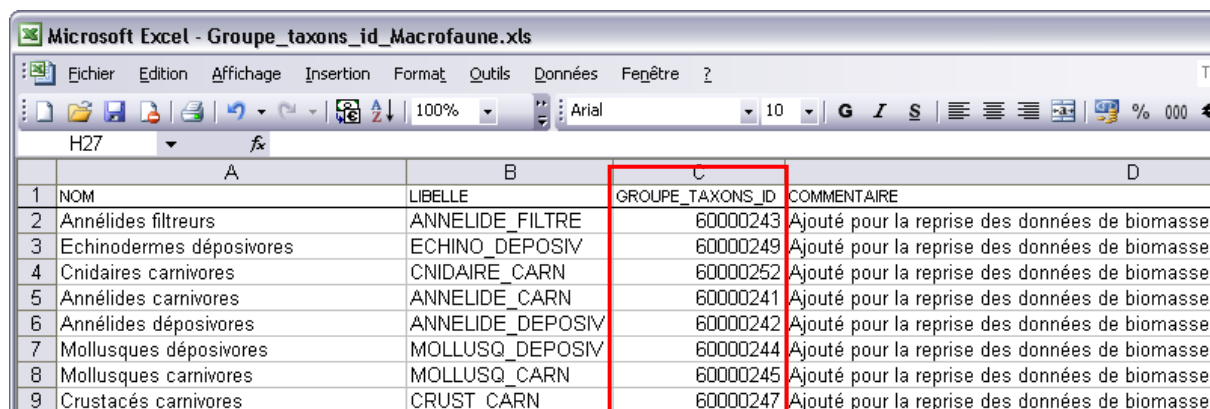
- S'ils n'existent pas dans Quadrige<sup>2</sup>, faites une demande d'ajout à l'assistance Quadrige<sup>2</sup> ([q2suppor@ifremer.fr](mailto:q2suppor@ifremer.fr)) et demandez à recevoir le TAXON\_GROUP\_ID des groupes de taxons créés.
- S'ils existent dans Quadrige<sup>2</sup>, faites une liste de ces groupes de taxons et demandez le TAXON\_GROUP\_ID de ces taxons à l'assistance Quadrige<sup>2</sup> ([q2suppor@ifremer.fr](mailto:q2suppor@ifremer.fr)).

Exemple :



	A	B	C	D
1	<b>Groupes de taxons</b>			
2	Annélides filtreurs			
3	Echinodermes déposivores			
4	Cnidaires carnivores			
5	Annélides carnivores			
6	Annélides déposivores			
7	Mollusques déposivores			
8	Mollusques carnivores			
9	Crustacés carnivores			

La cellule d'administration vous renverra un fichier contenant le champ « GROUPE\_TAXONS\_ID » (ou « TAXON\_GROUP\_ID ») qu'il faudra alors utiliser pour remplir le fichier Excel (cf. 3.2.3) :



	A	B	C	D
1	NOM	LIBELLE	GROUPE_TAXONS_ID	COMMENTAIRE
2	Annélides filtreurs	ANNELIDE_FILTERE	60000243	Ajouté pour la reprise des données de biomasse
3	Echinodermes déposivores	ECHINO_DEPOSIV	60000249	Ajouté pour la reprise des données de biomasse
4	Cnidaires carnivores	CNIDAIRE_CARN	60000252	Ajouté pour la reprise des données de biomasse
5	Annélides carnivores	ANNELIDE_CARN	60000241	Ajouté pour la reprise des données de biomasse
6	Annélides déposivores	ANNELIDE_DEPOSIV	60000242	Ajouté pour la reprise des données de biomasse
7	Mollusques déposivores	MOLLUSQ_DEPOSIV	60000244	Ajouté pour la reprise des données de biomasse
8	Mollusques carnivores	MOLLUSQ_CARN	60000245	Ajouté pour la reprise des données de biomasse
9	Crustacés carnivores	CRUST_CARN	60000247	Ajouté pour la reprise des données de biomasse

### 7.1.4. Recherche des identifiants des lieux de surveillance

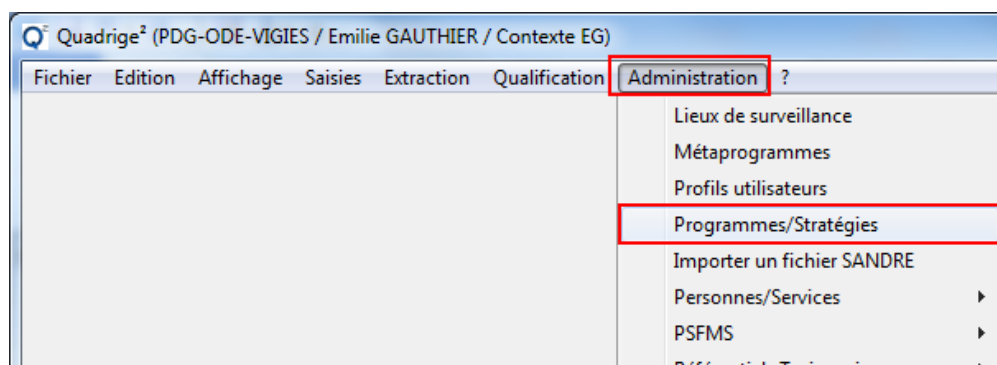
La liste des lieux de surveillance sur lesquels vous devez saisir vos données est fournie par les responsables de programme Quadrigé.

Cependant, pour vérifier un identifiant ou un libellé, vous pouvez rechercher vos lieux de surveillance dans Quadrigé<sup>2</sup> selon la procédure décrite ci-dessous.

Si l'un de vos lieux n'existe pas dans Quadrigé<sup>2</sup>, faites une demande d'ajout au responsable de votre programme.

#### 7.1.4.1. Consulter les lieux de votre programme

1) Dans Quadrigé<sup>2</sup> vous pouvez consulter les lieux de votre programme :



2) Sélectionnez le programme sur lequel vous travaillez, et affichez l'onglet « Lieux de surveillance » du programme (onglets en bas à droite) :

The screenshot shows two windows. The left window is 'Programmes/Stratégies' with a search bar and a list of programs. The right window is 'REBENT\_FAU - REBENT Stationnel Macrofaune' showing a table of surveillance locations. A red arrow points to the 'Déplacer les colonnes' header of the table. The 'Lieux de surveillance' tab is selected at the bottom.

Code	Nom	Mnémonique
39097529	Baie de Marseille DC 11	111-P-152
39097530	Baie de Marseille DC 12	111-P-153
39097531	Baie de Marseille DC DL	111-P-154
39097006	20C - ile plane	111-P-127
39096525	Baie de Marseille DE DC	111-P-057
39096526	Baie de Marseille DC 1	111-P-058
39096527	Baie de Marseille DC 2	111-P-059
37088017	10B - Grau du roi	102-P-020
60005110	Saint-Denis_Gillot	126-P-091
60005170	Saint-Benoît_Bourbier (Large)	126-P-077
60000298	Marseille Cortiou Rejet STEP	111-P-290
60008811	Baie du Galion	125-P-017
60002394	Etang des Salines	125-P-049
60002397	Baie des Requins	125-P-052
60002781	Pierre noire SM	033-P-047
60004259	Saint-Benoît_Beaufond - BF 3 (BF 2)	126-P-056
60002782	Rivière de Morlaix SM	034-P-024
60002785	Baie de Douarnenez Nord SM	040-P-030
60002787	Quiberon SM	055-P-029
60000920	Les Doux int HZN	080-P-067
60000926	Plage de la Charge Neuve int HZN	076-P-058
60000928	La Berche int HZN	071-P-091
60001608	SIMF12 - Franceville IM	010-P-191
60001609	SIMF13 - Villers IM	010-P-192



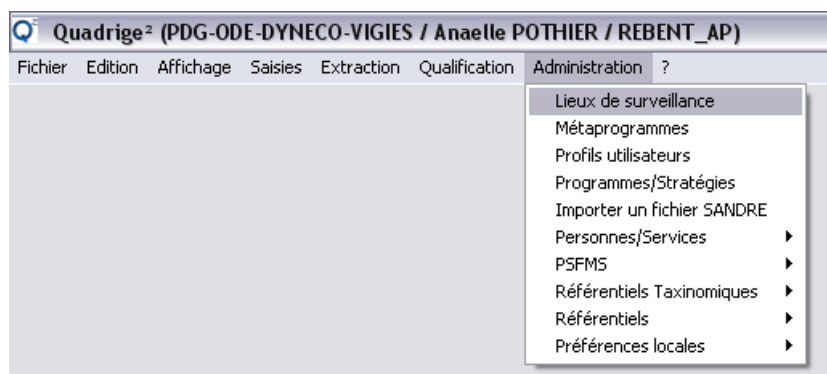
- 3) Déplacez les colonnes pour placer le mnémonique des lieux devant le nom. Puis cliquez sur l'en-tête de colonne « Mnémonique » : le tableau se trie par mnémonique croissant (donc du nord au sud) : cela facilitera votre recherche.

Code	Mnémonique	Nom
60001603	001-P-171	SIMF19 - Oye IM
60002851	001-P-174	SSMF18 SM
60002852	001-P-175	SSMF17 SM
60006934	001-P-185	SSMF19-CALPORext-Calais SM
60006935	001-P-186	SSMF20-CALPORint-Calais SM
60006936	001-P-187	SSMF17bis - Calais SM
60001604	005-P-020	SIMF18 - Merlimont IM

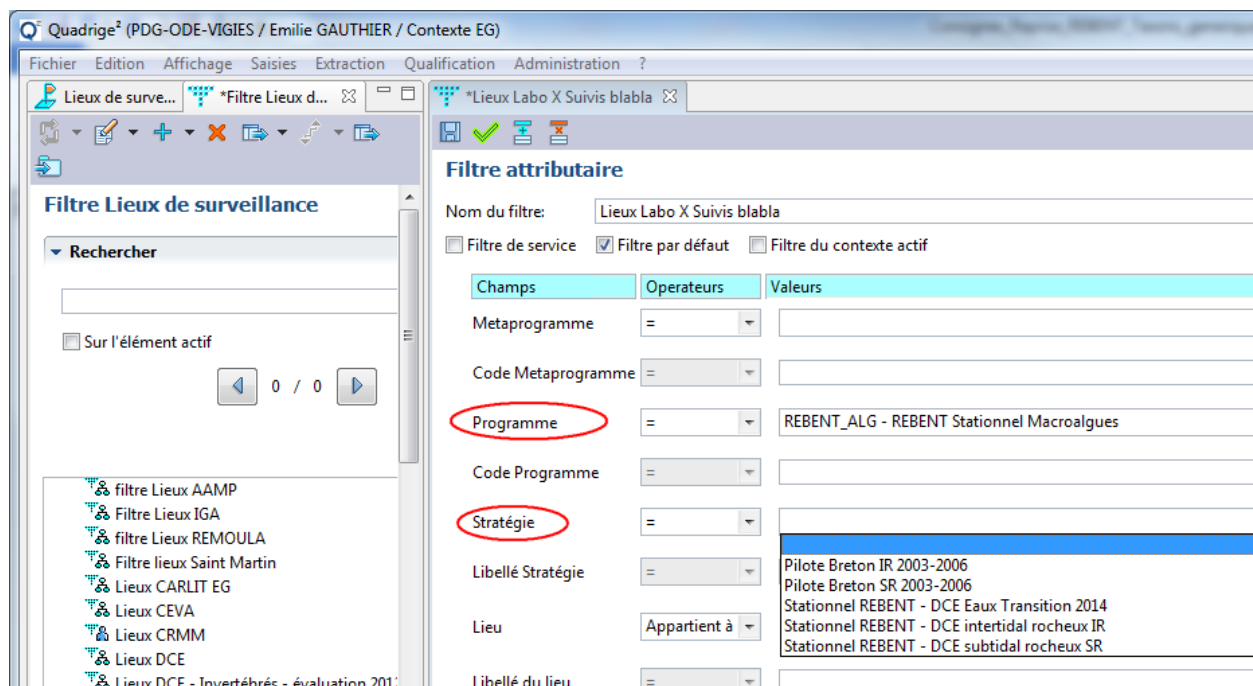
#### 7.1.4.2. Filtre lieux de surveillance

Autre solution pour consulter les lieux de surveillance :

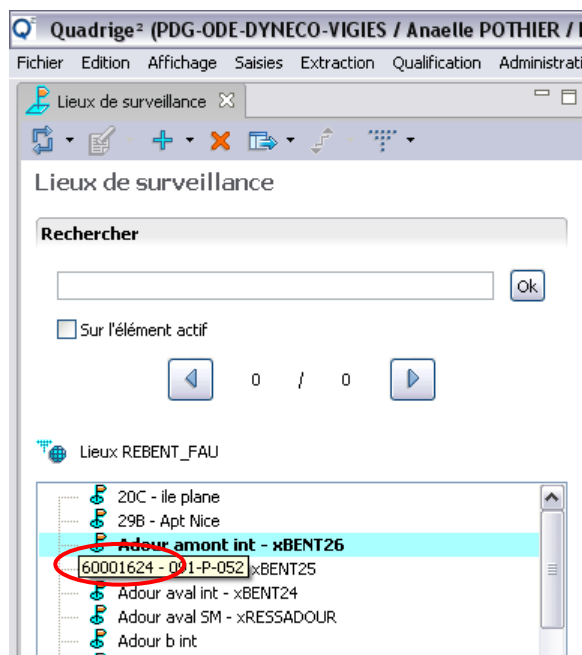
- 1) Dans Quadrigé<sup>2</sup>, affichez la liste des lieux de surveillance correspondant à vos données :



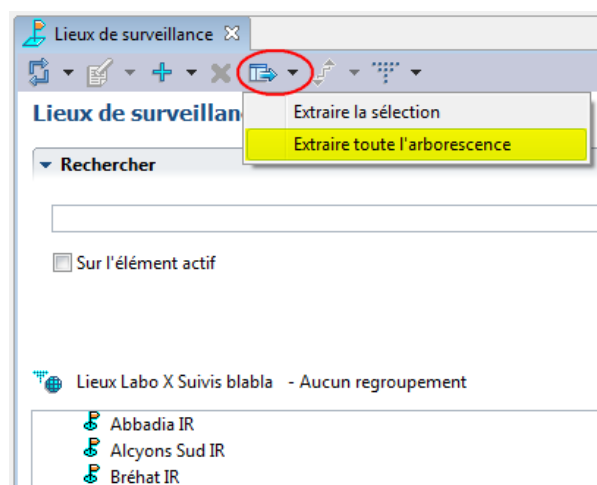
- 2) Vous pouvez faire un filtre de lieux avec les critères Programme et Stratégie :



- 3) Une fois la liste de lieux correspondante affichée, en positionnant le curseur de la souris sur le lieu de surveillance voulu (sans cliquer), une info-bulle apparaît : elle contient l'identifiant du lieu (« 60001624 » dans l'exemple ci-dessous) suivi du mnémonique du lieu. C'est cet identifiant qu'il faudra inscrire dans le fichier Excel.



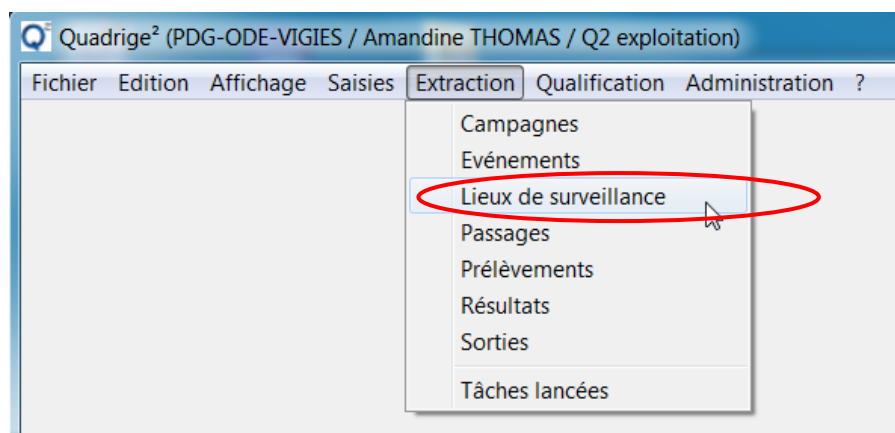
**Astuce :** vous pouvez extraire simplement cette liste pour récupérer les libellés en cliquant sur le bouton « Extraire » :



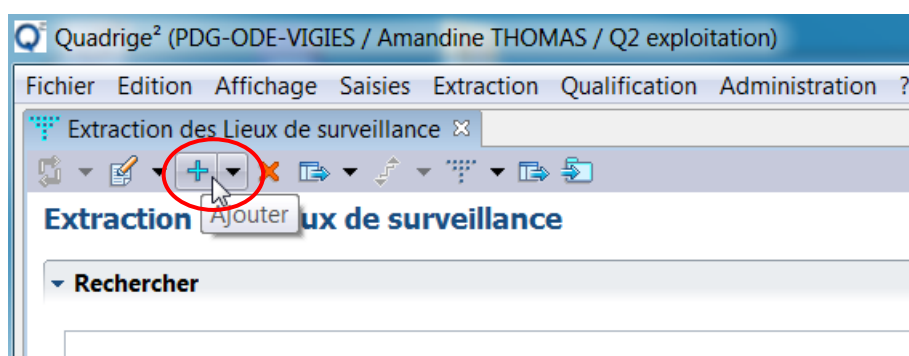
### 7.1.4.3. Extraire les lieux sous forme de csv ou de shape.

Pour les utilisateurs aguerris, vous pouvez faire une extraction des lieux de surveillance pour récupérer tous les identifiants et les libellés, ainsi que les coordonnées qui vous seraient utiles pour réaliser des cartes, le tout en une seule fois dans un fichier (et éviter les erreurs de recopiage !).

1. Ouvrez le menu d'extraction des lieux de surveillance



2. Créez une nouvelle extraction



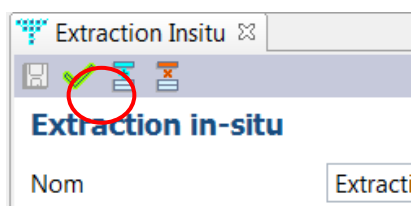
3. Donnez un nom à votre extraction et renseignez les critères nécessaires à la sélection des lieux que vous souhaitez récupérer (et notamment le choix du format : texte = .csv ou shape)

 A screenshot of the 'Extraction in-situ' configuration window in Quadrigé² software. The title bar reads '\*Extraction Martinique REBENT\_FAU'. The window contains several fields and dropdown menus:
 

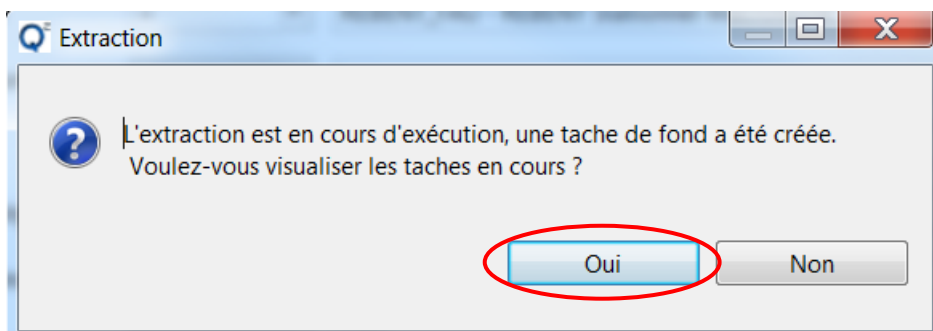
- Nom:** Extraction Martinique REBENT\_FAU (circled in red)
- Format:** Texte (circled in red)
- Système de coordonnées:** Texte (selected), Shape
- Champs, Operateurs, Valeurs:** A table with three columns: 'Champs', 'Operateurs', and 'Valeurs'. The 'Operateurs' column contains '=' and the 'Valeurs' column is empty.
- Programme:** REBENT\_FAU - REBENT Stationnel Macrofaune (circled in red)
- Mnémonique:** 125\* (circled in red)
- Type de géométrie:** (empty)

4. Vous pouvez ensuite exécuter l'extraction.

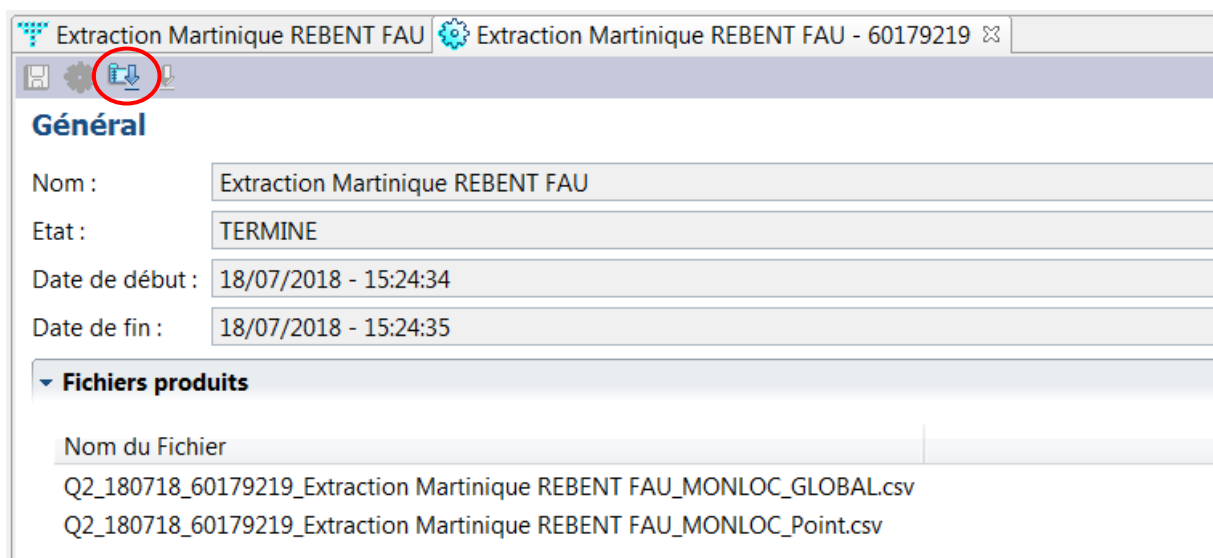




5. Un message s'affiche vous proposant d'afficher la tâche correspondant à votre extraction, cliquez sur oui.



6. Enregistrez ensuite dans votre ordinateur le dossier ZIP contenant un fichier CSV (.....MONLOC\_GLOBAL.csv) correspondant à votre extraction.



Le fichier « .....MONLOC\_GLOBAL.csv » contient les identifiants de vos lieux :

Id Lieu	Libellé	Mnémonique	Bathymétrie	Commentaire	Lien fiche lieu	Date création	Date maj	Port	Taxon	Groupe de taxon
60002395	Trou Manuel	125-P-050	1			24/11/2009	27/02/2013			
60009775	Massy Massy	125-P-100		Lieu ajouté pour l'intégration		22/03/2018	30/04/2018			
60009770	Baie de Génip	125-P-096		Lieu ajouté pour l'intégration		22/03/2018	30/04/2018			
60009772	Baie du Trésor	125-P-098		Lieu ajouté pour l'intégration		22/03/2018	30/04/2018			
60009771	Baie du Galion	125-P-097		Lieu ajouté pour l'intégration		22/03/2018	30/04/2018			
60009811	Baie du Galion	125-P-017	15	Lieu créé le 18/11/2016 à la		18/11/2016	18/11/2016			